



Power Density Simulation Report

FCC ID: A4RGBC0H

Report date: 4/8/2026
Google LLC

Table of Content

[1. Numerical modeling for Power Density \(PD\) calculations](#)

[1.1 Full-wave numerical computation tool](#)

[1.2 Full-wave simulation setup](#)

[1.2.1 Simulation model](#)

[1.2.2 Mesh settings and solution setup](#)

[1.2.3 Time-averaged PD calculation](#)

[2. Simulation and modeling validation](#)

[2.1 Comparison between simulation and measurement](#)

[2.2 Calculated PD per beam ID](#)

[3. References](#)

1. Numerical modeling for Power Density (PD) calculations

1.1 Full-wave numerical computation tool

To calculate the Power Density (PD) of the phone at FR2 frequencies, a commercial software called HFSS [1], which is a part of ANSYS Electronics Desktop 2022 R2 package, is used. This software is a 3D full-wave electromagnetic (EM) computational solver based on Finite Element Method (FEM).

1.2 Full-wave simulation setup

1.2.1 Simulation model

The device includes one flat type mmWave module that consists of one module (Plane B Module), located at the back side of the device, as shown in Figure 1-1. In order to obtain accurate PD calculations, it is necessary to have accurate modeling of the mmWave antenna, as well as all other components of the device in close proximity to the mmWave antenna. The simulation model therefore must include all components of the device located within a distance of at least one wavelength from the mmWave module. A list of the components included in the simulation model includes housing, mmWave antenna module, sub6 antennas, PCB, shield cans, Flexible Printed Circuits (FPCs), battery, all components having metallic parts, etc.

1.2.2 Mesh settings and solution setup

ANSYS HFSS features an automatic adaptive mesh refinement algorithm that refines the computational mesh iteratively in regions with strong EM fields and thereby generates very accurate high-frequency simulation results. The steps of adaptive mesh refinement algorithm execution are as follows. First, an initial computational mesh is created, based on the solution setup parameters entered by the user, and is then used to obtain the initial solution for the EM fields of the simulation model. The algorithm then adaptively refines the mesh in each subsequent iteration until a desired solution accuracy, specified by the user, is achieved. The solution accuracy is commonly defined by a convergence parameter called ΔS , which is a variation in the magnitude of all S-parameters between the consecutive iterations of the algorithm [1]. The ΔS parameter specified for all PD simulations presented in this report is 0.02. Figure 1-2 shows an example cut surface in the model showing a tetrahedral computational mesh created by the adaptive mesh refinement algorithm in one of the HFSS simulation models. A radiation boundary with Absorbing Boundary Condition (ABC) is assigned to the outer surface of an air-box surrounding the simulation model, which allows the EM waves to propagate outward from the boundary of the domain without generating any reflected EM waves.

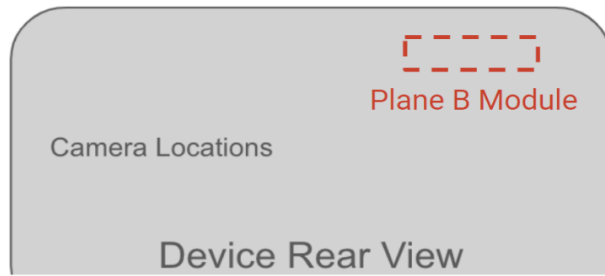


Figure 1-1 Placement of the flat type mmWave module, Plane-B module, at the back side of the device.

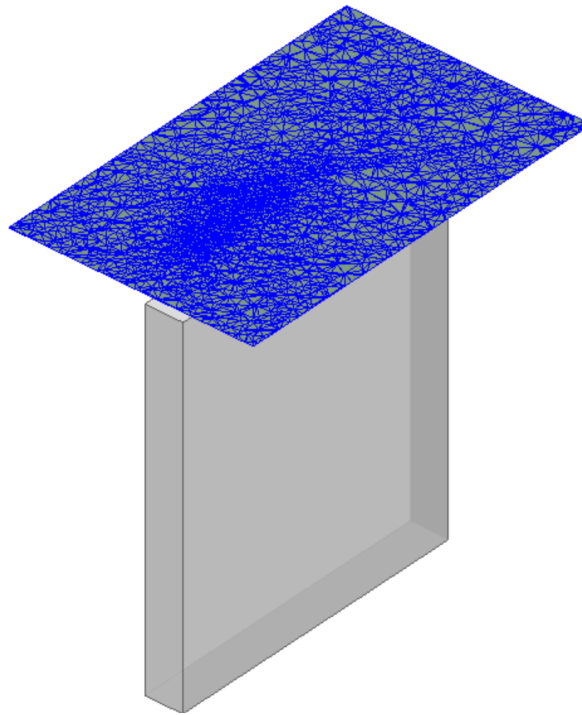


Figure 1-2 An example cut surface in an HFSS simulation model showing the tetrahedral mesh created by the adaptive mesh refinement algorithm.

The FEM simulations are performed for the mmWave module as shown in Figure 1-1. In the simulation, 20 wave-ports are assigned to the feed points of the mmWave antenna arrays. Specifically, ten of them excite the vertical polarization on the antenna array, called V-pol, and the other ten wave-ports excite the horizontal polarization, called H-pol. After the FEM simulations are completed and full-wave EM solutions are obtained, the magnitude and phase values of the 20 wave-ports excitation signals are sequentially assigned for each of the beams

in the codebook. This is accomplished as a post-processing step by using the “Edit post process sources” tab in the HFSS environment, as shown in Figure 1-3 for one of the beams from the codebook.

	Source	Type	Magnitude	Unit	Phase	Unit
1	MT6108_1_V0H:1	Port	0 W		0 deg	
2	MT6108_1_V0L:1	Port	0 W		0 deg	
3	MT6108_1_H0H:1	Port	0 W		0 deg	
4	MT6108_1_H0L:1	Port	0 W		0 deg	
5	MT6108_1_V1H:1	Port	0 W		0 deg	
6	MT6108_1_V1L:1	Port	0 W		0 deg	
7	MT6108_1_H1H:1	Port	0 W		0 deg	
8	MT6108_1_H1L:1	Port	0 W		0 deg	
9	MT6108_1_V2H:1	Port	0 W		0 deg	
10	MT6108_1_V2L:1	Port	0 W		0 deg	
11	MT6108_1_H2H:1	Port	0 W		0 deg	
12	MT6108_1_H2L:1	Port	0 W		0 deg	
13	MT6108_1_V3H:1	Port	0 W		0 deg	
14	MT6108_1_V3L:1	Port	0 W		0 deg	
15	MT6108_1_H3H:1	Port	0 W		0 deg	
16	MT6108_1_H3L:1	Port	0 W		0 deg	
17	MT6108_1_V4H:1	Port	0 W		0 deg	
18	MT6108_1_V4L:1	Port	0 W		0 deg	
19	MT6108_1_H4H:1	Port	1 W		0 deg	
20	MT6108_1_H4L:1	Port	0 W		0 deg	

Figure 1-3 An example of magnitude and phase assignments to the wave-ports in the “Edit post process sources” tab in the HFSS environment.

1.2.3 Time-averaged PD calculation

After the convergence criterion is achieved in the last iterative pass, that is $\text{Max}\{|\Delta S|\}$ is smaller than the specified value of the convergence parameter ΔS (that being 0.02 in this report, as mentioned above), the values of the electric and magnetic field vectors $\vec{E}$ and $\vec{H}$ respectively, are calculated, and then used to calculate the PD by the following formula:

$$PD = \frac{1}{2} \left| \text{Re} \left\{ \vec{E} \times \vec{H}^* \right\} \right|$$

Based on the calculated PD , the time-averaged PD (PD_{ave}) over a surface A can be obtained as:

$$PD_{ave} = \frac{1}{2A} \int_A \left| \text{Re} \left\{ \vec{E} \times \vec{H}^* \right\} \right| \cdot dS$$

In order to determine the RF exposure from the mmW antennas in the device, the values of the electric and magnetic field vectors at the six surfaces S1, S2, S3, S4, S5, and S6 shown in Figure 1-4 are needed. Depending on the simulation or measurement setting, the distance from these six surfaces to the device is set to be either 2 mm or 5 mm. If the distance between mmWave sub-module and any surface is greater than 25mm, the surface integration terms in the above formula for the PD_{ave} corresponding to these surfaces are negligible, and thus can be excluded from the PD_{ave} calculation. Using square markings, Table 1-1 specifies which one of the six surfaces needs to be used in the above formula for the PD_{ave} calculation. As seen, the surfaces S1, S2, S3, and S5 need to be used in the PD_{ave} calculations.

In the spatially averaged power density calculations, the surface A is a circle in the evaluation plane with an area of 4 cm². Furthermore, PD_{ave} is calculated at the points of a grid with $\lambda/4$ mm step size defined in the evaluation plane.

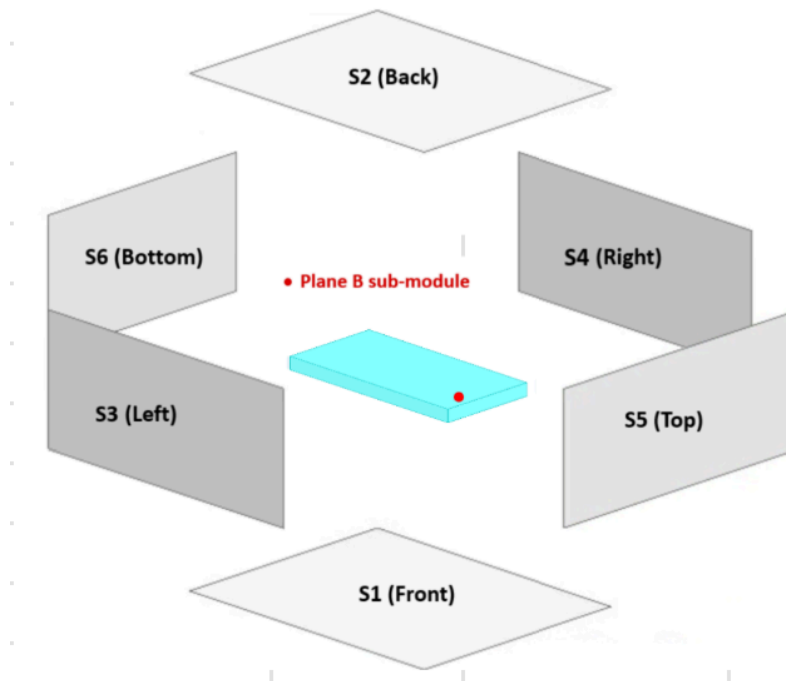


Figure 1-4 PD evaluation surfaces. Averaged power densities (PD_{ave}) are calculated and measured on the specified surfaces (S1, S2, S3, and S5) surrounding the phone.

Table 1-1 PD evaluation surfaces considered for each mmWave module in the device.

	S1 (front)	S2 (back)	S3 (left)	S4 (right)	S5 (top)	S6 (bottom)
Plane B Module	☑	☑	☑	✗	☑	✗

2. Simulation and modeling validation

2.1 Comparison between simulation and measurement

Following the time-average PD calculation procedure described in section 1.2.3, the distributions of PD and PD_{ave} are calculated in the evaluation plane and are compared with the measurements for a selected number of beams, with the highest PD_{ave} values compared to the other beams, whose IDs are listed in Table 2-1. Also shown in this table are simulated and measured results for the PD_{ave} for both n258, n260 and n261 frequency bands Horizontal and Vertical polarizations, denoted as H and V, respectively. For Plane B Module, PD_{ave} of 2mm from DUT is used for calculating minimum target power while PD_{ave} of 2mm from Camera Bump (CB) is used to derive the correction factor. Figure 2-1 shows orientation of the device for the PD and PD_{ave} distribution plots presented in Figures 2-2 to 2-37. The presented plots demonstrate a good agreement between simulated and measured results for both PD and PD_{ave} .

Table 2-1 Simulated and measured PD_{ave} for selected beams with 0 dBm input power setting

Band	Module/ Plane	Polarity	Beam ID	Surface	Channel	Freq (GHz)	Test Distance	Ref. Plane	Sim Plimits (dBm)	4cm2 avg. PD (W/m2)		Delta
										Measured	Simulated	
n258	B-Plane	V	5	S2 (Back)	Mid	24.75	2 mm	CB	-4.65	2.87	4.71	2.15
		H	27	S2 (Back)	Mid		2 mm	CB	-6.58	2.63	4.85	2.66
n261	B-Plane	V	1	S2 (Back)	Mid	27.925	2 mm	CB	-2.27	4.56	5.62	0.91
		H	16	S2 (Back)	Mid		2 mm	CB	-2.05	6.17	5.47	-0.52
n260	B-Plane	V	0	S2 (Back)	Mid	38.5	2 mm	CB	-1.39	2.68	4.32	2.07
		H	19	S2 (Back)	Mid		2 mm	CB	-1.36	2.92	3.98	1.35

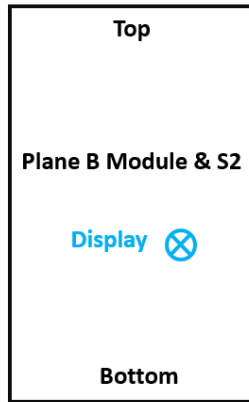


Figure 2-1 Orientation of the device for the *PD* distribution plots.

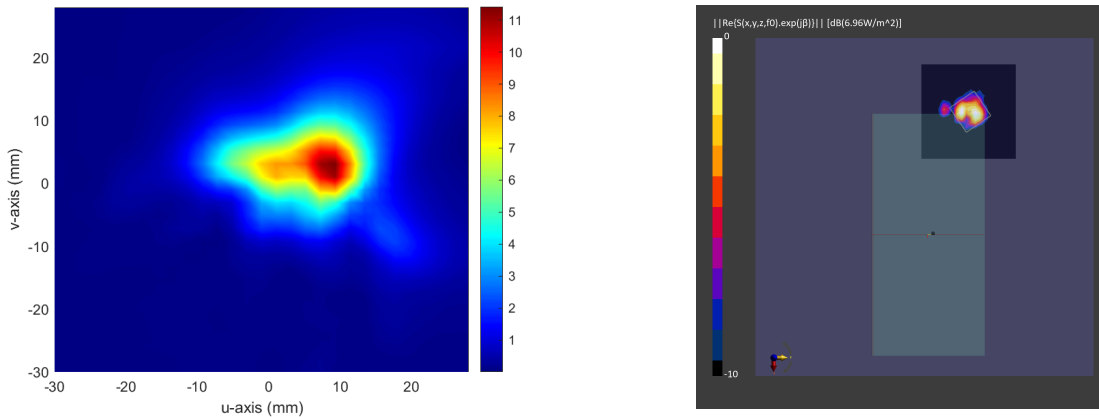


Figure 2-2 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n258, MID Channel, Beam ID 5, V polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

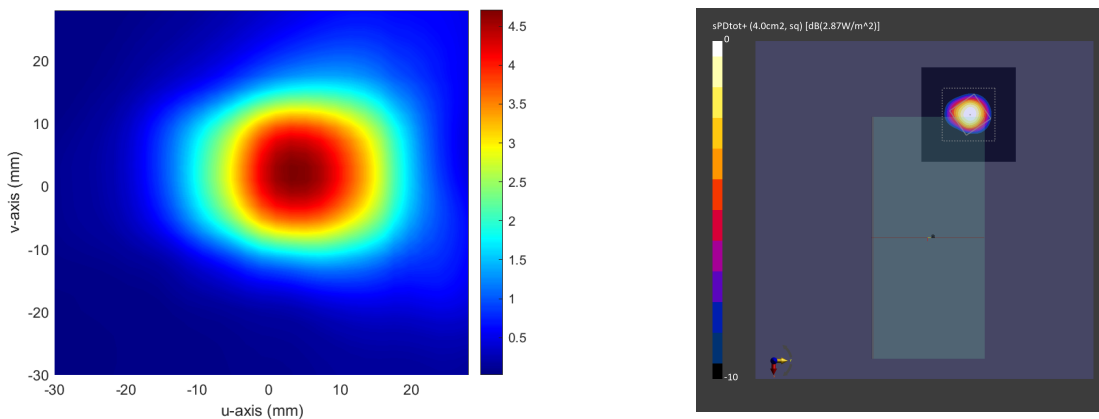


Figure 2-3 Simulated (left) and measured (right) averaged *PD* distribution for the following configuration: Band n258, MID Channel, Beam ID 5, V polarization, Plane B Module, plotted on

the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

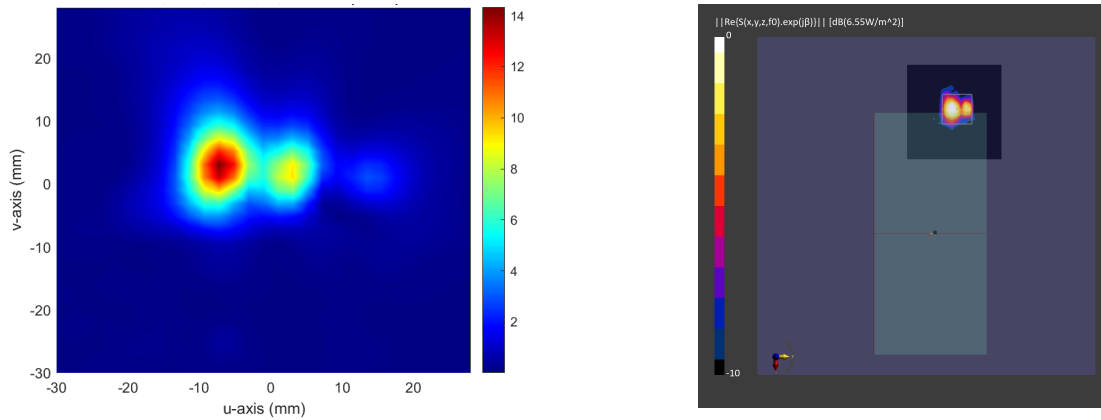


Figure 2-4 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n258, MID Channel, Beam ID 27, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

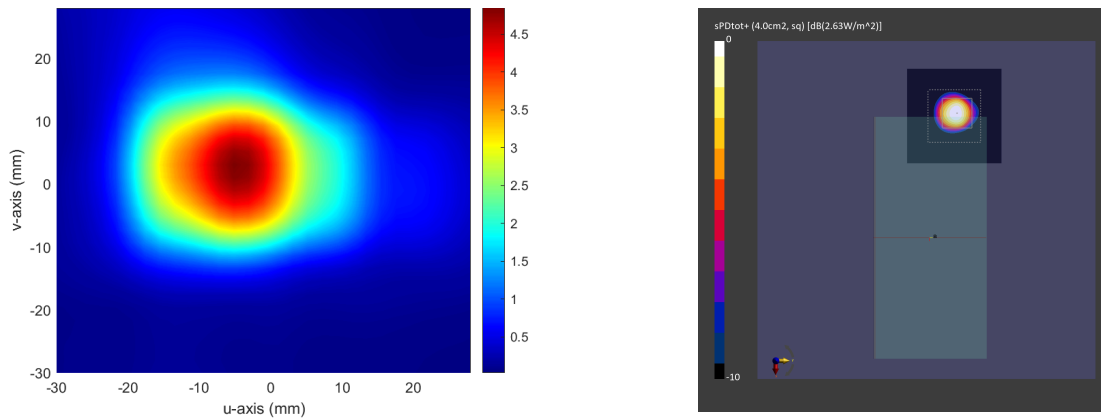


Figure 2-5 Simulated (left) and measured (right) averaged *PD* distribution for the following configuration: Band n258, MID Channel, Beam ID 27, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

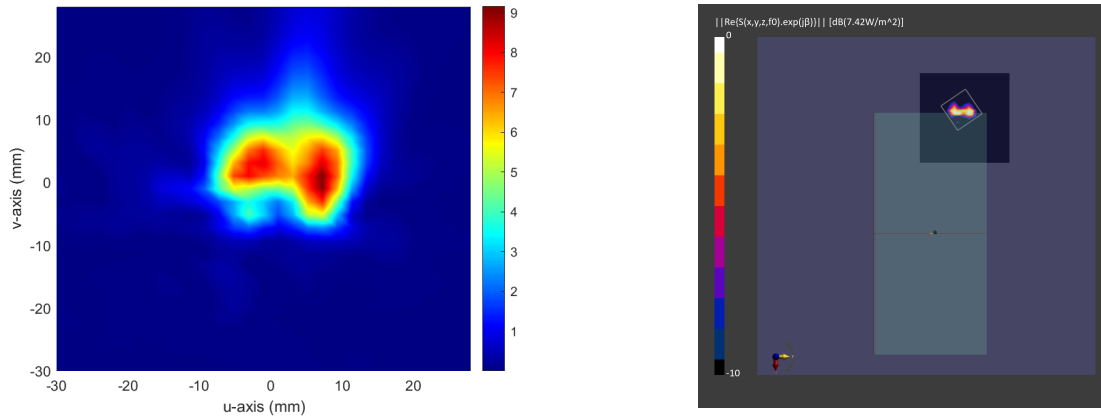


Figure 2-6 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n260, MID Channel, Beam ID 0, V polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

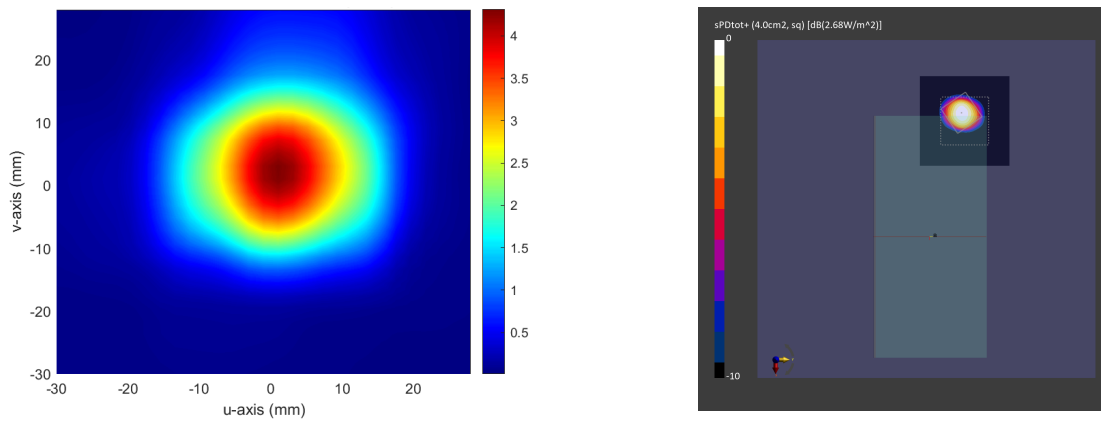


Figure 2-7 Simulated (left) and measured (right) averaged *PD* distribution for the following configuration: Band n260, MID Channel, Beam ID 0, V polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

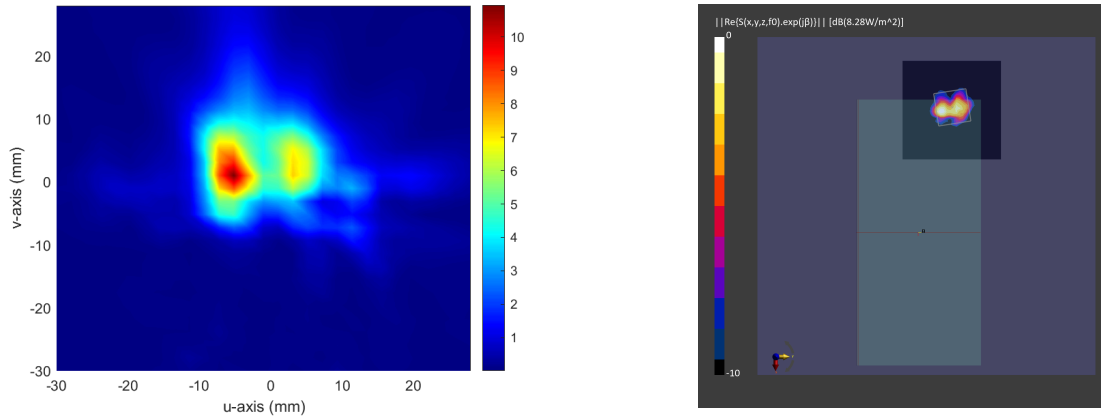


Figure 2-8 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n260, MID Channel, Beam ID 19, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

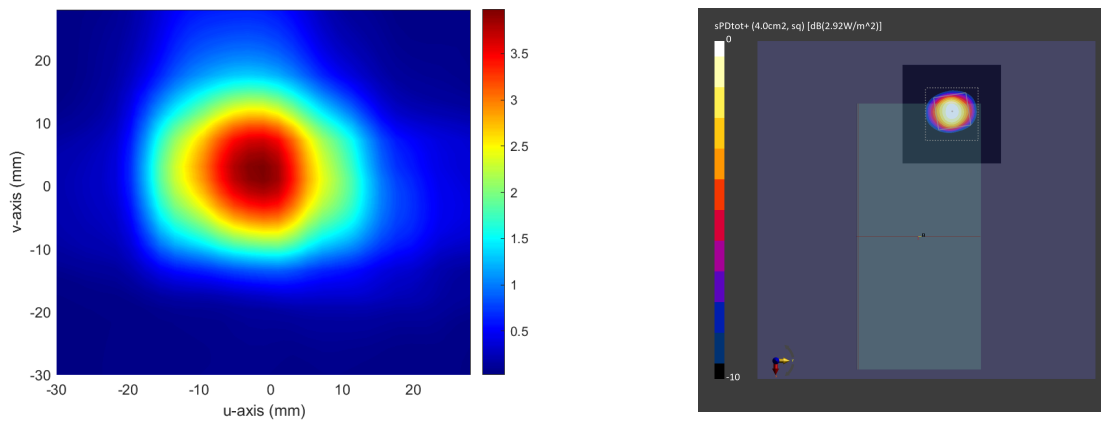


Figure 2-9 Simulated (left) and measured (right) averaged *PD* distribution for the following configuration: Band n260, MID Channel, Beam ID 19, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

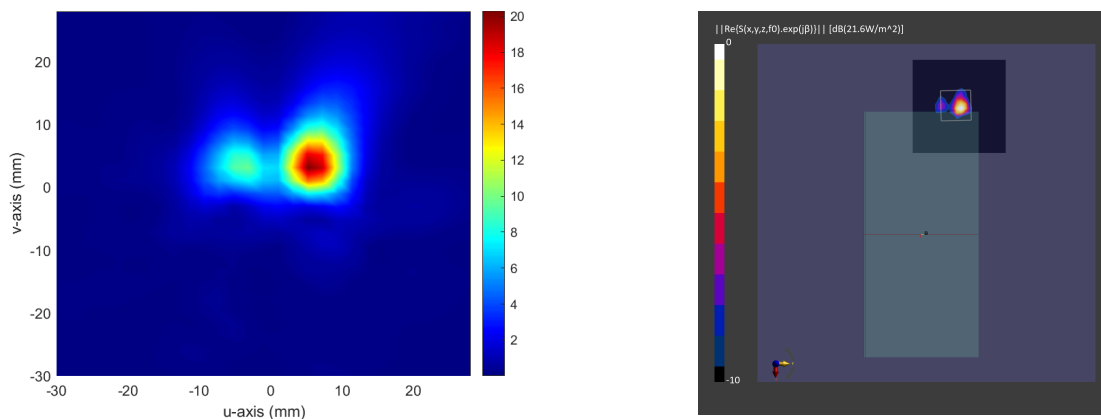


Figure 2-10 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n261, MID Channel, Beam ID 1, V polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

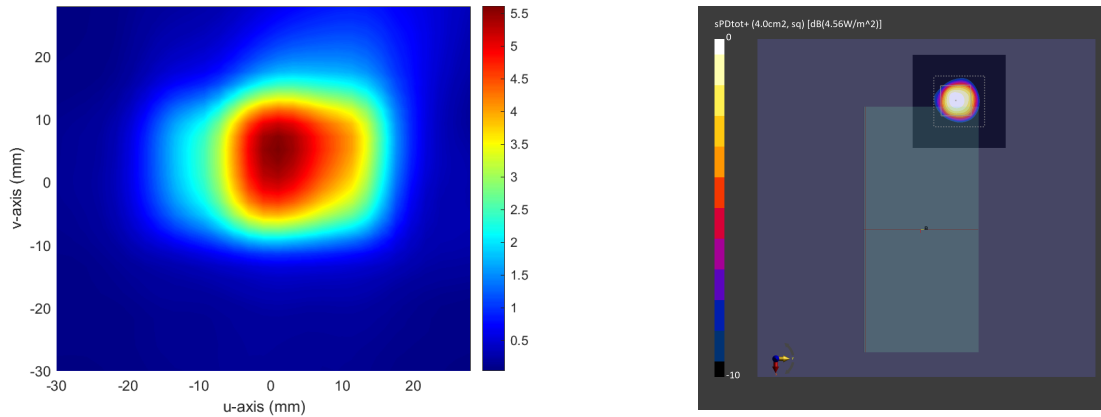


Figure 2-11 Simulated (left) and measured (right) averaged *PD* distribution for the following configuration: Band n261, MID Channel, Beam ID 1, V polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

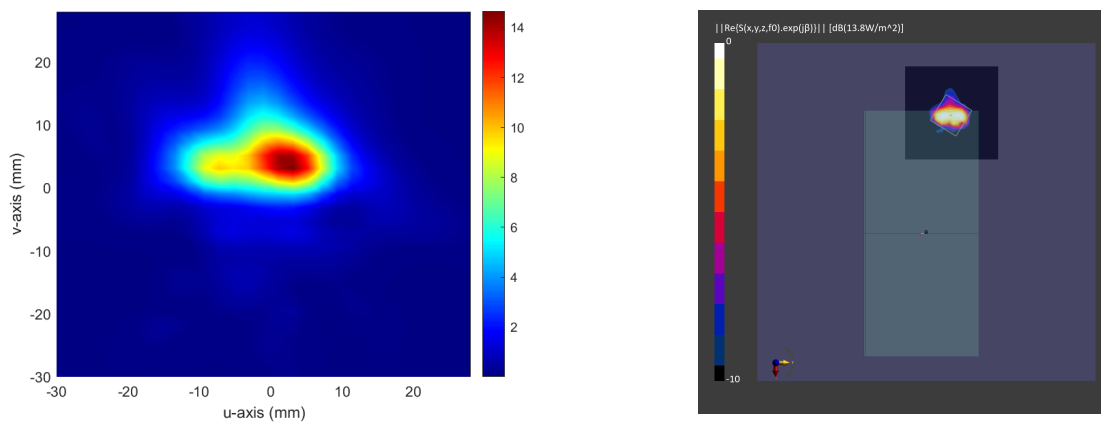


Figure 2-12 Simulated (left) and measured (right) *PD* distribution for the following configuration: Band n261, MID Channel, Beam ID 16, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

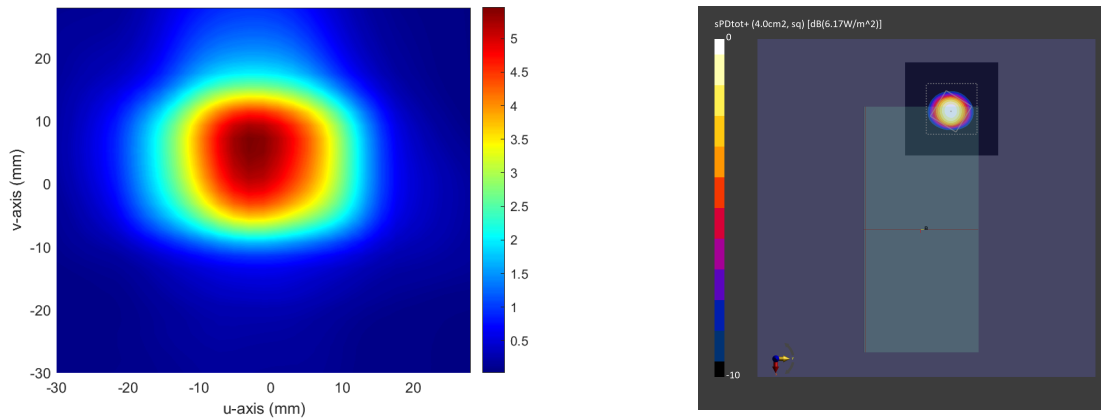


Figure 2-13 Simulated (left) and measured (right) averaged PD distribution for the following configuration: Band n261, MID Channel, Beam ID 16, H polarization, Plane B Module, plotted on the surface S2 (back) with 2mm separation distance to the camera bump.

2.2 Calculated PD per beam ID

The simulated time-average PD calculated for the selected evaluation planes for all beams in the codebook are presented in this section. The calculations are done for the LOW, MID, and HIGH channels of n260, n261 and n258 frequency band. The PD_{ave} values for every beam ID are reported in Table 2-2 to Table 2-10.

Table 2-2 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n261 Low Channel.

PD Simulation (W/m ²)		Low channel												
		2mm					9.13%	43.75%	72.07%	5mm				83.10%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	
V	0	0.14	7.34	5.66	0.24	4.73	0.02	0.03	0.64	0.09	6.02	0.17	3.58	0.82
V	1	0.37	7.28	5.72	0.48	4.77	0.05	0.07	0.66	0.28	6.05	0.27	3.48	0.83
V	2	0.14	5.31	3.14	1.02	2.07	0.03	0.19	0.39	0.07	3.50	0.87	1.41	0.66
V	3	0.09	4.76	2.67	0.26	1.74	0.02	0.05	0.37	0.05	3.01	0.20	1.22	0.63
V	4	0.28	5.88	3.10	1.99	1.75	0.05	0.34	0.30	0.16	3.51	1.73	1.09	0.60
V	5	0.20	6.12	4.28	0.21	3.39	0.03	0.03	0.55	0.13	4.60	0.14	2.56	0.75
V	6	0.38	6.72	5.11	1.22	4.07	0.06	0.18	0.61	0.28	5.37	0.82	2.99	0.80
V	7	0.08	4.38	2.53	0.52	1.57	0.02	0.12	0.36	0.04	2.90	0.37	1.03	0.66
V	8	0.33	6.53	4.87	1.07	4.11	0.05	0.16	0.63	0.26	5.17	0.72	3.03	0.79
V	9	0.28	6.69	4.22	1.97	2.52	0.04	0.29	0.38	0.15	4.62	1.64	1.65	0.69
V	10	0.11	3.72	2.12	0.49	1.29	0.03	0.13	0.35	0.05	2.42	0.39	0.88	0.65
V	11	0.18	5.67	3.77	0.19	2.94	0.03	0.03	0.52	0.10	4.09	0.16	2.22	0.72

V	12	0.09	4.91	2.69	0.36	1.56	0.02	0.07	0.32	0.05	3.05	0.27	1.04	0.62
V	13	0.18	5.24	3.01	1.54	2.12	0.03	0.29	0.40	0.11	3.31	1.31	1.39	0.63
V	14	0.27	6.36	4.25	1.60	2.69	0.04	0.25	0.42	0.16	4.55	1.24	1.81	0.72
V	15	0.25	5.23	2.49	1.65	1.40	0.05	0.32	0.27	0.15	2.84	1.44	0.88	0.54
H	16	0.20	7.06	5.45	0.16	4.73	0.03	0.02	0.67	0.15	5.75	0.11	3.61	0.81
H	17	0.23	5.93	3.87	0.88	3.13	0.04	0.15	0.53	0.11	4.13	0.75	2.29	0.70
H	18	0.14	4.81	2.87	1.72	0.98	0.03	0.36	0.20	0.08	3.26	1.40	0.66	0.68
H	19	0.29	6.64	4.27	0.62	2.29	0.04	0.09	0.34	0.15	4.71	0.47	1.48	0.71
H	20	0.11	4.19	2.23	1.70	0.63	0.03	0.41	0.15	0.07	2.52	1.43	0.44	0.60
H	21	0.51	6.70	4.59	0.38	3.97	0.08	0.06	0.59	0.37	4.96	0.30	2.92	0.74
H	22	0.24	5.93	4.04	1.13	2.85	0.04	0.19	0.48	0.13	4.41	0.77	2.05	0.74
H	23	0.17	6.19	3.09	0.83	1.79	0.03	0.13	0.29	0.08	3.55	0.66	1.22	0.57
H	24	0.24	6.24	4.51	0.58	3.63	0.04	0.09	0.58	0.13	4.85	0.37	2.58	0.78
H	25	0.11	4.95	3.18	2.13	1.04	0.02	0.43	0.21	0.06	3.51	1.77	0.71	0.71
H	26	0.09	5.82	2.32	0.72	1.06	0.02	0.12	0.18	0.05	2.77	0.53	0.78	0.48
H	27	0.44	5.79	3.89	0.70	2.93	0.08	0.12	0.51	0.29	4.20	0.56	2.06	0.73
H	28	0.22	6.57	4.00	0.83	2.19	0.03	0.13	0.33	0.10	4.42	0.64	1.35	0.67
H	29	0.22	5.96	4.12	0.67	3.25	0.04	0.11	0.55	0.15	4.45	0.56	2.31	0.75
H	30	0.13	5.25	3.51	1.93	1.58	0.02	0.37	0.30	0.06	3.87	1.57	1.15	0.74
H	31	0.11	4.37	1.87	1.29	1.00	0.03	0.30	0.23	0.06	2.18	1.08	0.71	0.50
H+V	32	0.58	15.09	11.41	0.37	10.24	0.04	0.02	0.68	0.40	12.13	0.27	7.48	0.80
H+V	33	1.00	14.48	11.47	1.49	9.33	0.07	0.10	0.64	0.59	11.98	1.27	6.48	0.83
H+V	34	0.35	14.36	8.29	4.43	3.91	0.02	0.31	0.27	0.19	9.40	3.70	2.44	0.65
H+V	35	0.49	17.27	11.23	1.17	6.14	0.03	0.07	0.36	0.28	12.24	0.94	3.89	0.71
H+V	36	0.64	15.47	8.10	6.18	3.55	0.04	0.40	0.23	0.39	9.25	5.29	2.00	0.60
H+V	37	1.25	13.69	10.03	0.79	8.77	0.09	0.06	0.64	0.84	10.61	0.58	6.46	0.78
H+V	38	1.06	14.93	11.66	3.30	8.83	0.07	0.22	0.59	0.71	12.28	2.11	6.42	0.82
H+V	39	0.32	15.67	8.47	2.06	4.79	0.02	0.13	0.31	0.17	9.63	1.67	2.63	0.61
H+V	40	0.92	14.54	10.67	2.19	8.65	0.06	0.15	0.59	0.64	11.36	1.45	6.15	0.78
H+V	41	0.54	18.70	11.48	6.83	5.49	0.03	0.37	0.29	0.30	12.77	5.72	3.44	0.68
H+V	42	0.30	15.04	7.27	1.61	3.45	0.02	0.11	0.23	0.13	8.48	1.28	1.97	0.56
H+V	43	1.03	13.72	10.18	1.15	7.42	0.08	0.08	0.54	0.61	10.71	0.95	5.17	0.78
H+V	44	0.36	17.76	11.01	1.46	5.97	0.02	0.08	0.34	0.19	12.22	1.08	3.71	0.69
H+V	45	0.60	12.16	8.09	3.36	5.81	0.05	0.28	0.48	0.38	8.71	2.82	3.98	0.72
H+V	46	0.65	17.12	11.59	5.74	6.21	0.04	0.34	0.36	0.35	12.67	4.59	4.17	0.74
H+V	47	0.56	13.54	6.17	4.93	2.98	0.04	0.36	0.22	0.35	7.12	4.22	1.77	0.53
V	48	0.14	5.72	4.40	0.13	3.80	0.02	0.02	0.66	0.09	4.67	0.10	2.90	0.82
V	49	0.27	5.87	4.34	0.56	3.55	0.05	0.10	0.60	0.19	4.60	0.36	2.71	0.78
V	50	0.13	4.85	3.09	0.66	2.23	0.03	0.14	0.46	0.06	3.37	0.54	1.50	0.69
V	51	0.10	4.58	2.82	0.20	1.92	0.02	0.04	0.42	0.06	3.12	0.16	1.32	0.68
V	52	0.19	4.46	2.39	1.49	1.30	0.04	0.33	0.29	0.12	2.72	1.27	0.79	0.61
V	53	0.14	5.23	3.65	0.20	2.88	0.03	0.04	0.55	0.10	3.91	0.16	2.20	0.75

V	54	0.24	5.46	3.90	1.17	2.87	0.04	0.21	0.53	0.17	4.14	0.82	2.00	0.76
V	55	0.09	3.29	1.90	0.60	1.04	0.03	0.18	0.32	0.06	2.20	0.50	0.69	0.67
V	56	0.26	5.54	3.86	1.27	2.87	0.05	0.23	0.52	0.19	4.14	0.88	2.06	0.75
V	57	0.21	5.16	3.21	1.46	1.95	0.04	0.28	0.38	0.12	3.52	1.21	1.22	0.68
V	58	0.07	3.89	2.38	0.34	1.46	0.02	0.09	0.38	0.04	2.66	0.26	0.99	0.68
V	59	0.15	5.30	3.75	0.13	2.92	0.03	0.02	0.55	0.10	4.02	0.11	2.27	0.76
V	60	0.09	4.21	2.65	0.25	1.64	0.02	0.06	0.39	0.05	2.97	0.18	1.11	0.71
V	61	0.15	4.28	2.10	1.26	1.18	0.04	0.29	0.28	0.10	2.41	1.06	0.76	0.56
V	62	0.19	5.03	3.36	1.15	2.23	0.04	0.23	0.44	0.12	3.63	0.90	1.45	0.72
V	63	0.18	4.39	2.04	1.26	1.22	0.04	0.29	0.28	0.11	2.39	1.09	0.80	0.54
H	64	0.17	6.07	4.74	0.17	4.22	0.03	0.03	0.70	0.13	4.98	0.12	3.25	0.82
H	65	0.16	4.53	2.75	0.83	2.05	0.04	0.18	0.45	0.10	2.98	0.71	1.36	0.66
H	66	0.15	4.52	2.78	1.58	1.12	0.03	0.35	0.25	0.09	3.14	1.27	0.77	0.69
H	67	0.24	5.28	3.47	0.54	2.03	0.05	0.10	0.38	0.15	3.81	0.39	1.40	0.72
H	68	0.10	3.68	2.10	1.61	0.67	0.03	0.44	0.18	0.06	2.38	1.35	0.50	0.65
H	69	0.34	5.62	4.13	0.48	3.56	0.06	0.09	0.63	0.26	4.42	0.39	2.67	0.79
H	70	0.17	5.19	3.34	1.11	2.29	0.03	0.21	0.44	0.09	3.71	0.79	1.73	0.71
H	71	0.10	4.47	2.15	0.76	1.53	0.02	0.17	0.34	0.07	2.52	0.58	1.13	0.56
H	72	0.17	5.22	3.41	0.67	2.55	0.03	0.13	0.49	0.11	3.77	0.45	1.69	0.72
H	73	0.10	4.51	2.86	1.89	0.97	0.02	0.42	0.22	0.05	3.15	1.55	0.67	0.70
H	74	0.09	4.79	2.53	0.69	1.21	0.02	0.14	0.25	0.06	2.89	0.50	0.85	0.60
H	75	0.33	5.05	3.63	0.73	2.99	0.07	0.14	0.59	0.23	3.89	0.58	2.23	0.77
H	76	0.17	5.07	3.05	0.73	1.77	0.03	0.14	0.35	0.09	3.38	0.53	1.19	0.67
H	77	0.17	4.78	2.93	0.56	2.34	0.04	0.12	0.49	0.12	3.19	0.47	1.71	0.67
H	78	0.12	4.83	3.14	1.71	1.44	0.02	0.35	0.30	0.06	3.47	1.35	1.05	0.72
H	79	0.10	4.07	1.95	1.31	1.41	0.02	0.32	0.35	0.06	2.30	1.11	1.09	0.57
H+V	80	0.53	12.53	9.47	0.40	9.03	0.04	0.03	0.72	0.36	9.92	0.31	6.76	0.79
H+V	81	0.69	12.07	8.59	1.63	6.69	0.06	0.14	0.55	0.38	9.11	1.43	4.70	0.75
H+V	82	0.44	12.11	7.41	3.58	4.10	0.04	0.30	0.34	0.23	8.37	2.94	2.55	0.69
H+V	83	0.50	14.50	9.80	1.00	5.51	0.03	0.07	0.38	0.33	10.71	0.80	3.75	0.74
H+V	84	0.48	12.58	6.78	5.21	2.84	0.04	0.41	0.23	0.30	7.72	4.41	1.57	0.61
H+V	85	0.82	11.51	9.00	1.02	7.56	0.07	0.09	0.66	0.63	9.51	0.81	5.52	0.83
H+V	86	0.72	12.79	9.28	3.30	6.60	0.06	0.26	0.52	0.47	9.90	2.27	4.60	0.77
H+V	87	0.22	11.96	5.99	2.11	2.90	0.02	0.18	0.24	0.15	6.96	1.76	2.03	0.58
H+V	88	0.73	12.66	8.64	2.74	6.44	0.06	0.22	0.51	0.46	9.34	1.84	4.46	0.74
H+V	89	0.44	15.01	9.10	5.65	4.22	0.03	0.38	0.28	0.24	10.23	4.67	2.49	0.68
H+V	90	0.19	13.55	7.81	1.42	3.91	0.01	0.10	0.29	0.12	8.83	1.16	2.24	0.65
H+V	91	0.80	12.45	9.44	1.12	7.12	0.06	0.09	0.57	0.56	10.03	0.91	5.23	0.81
H+V	92	0.32	14.58	9.15	1.19	5.10	0.02	0.08	0.35	0.20	10.12	0.94	3.43	0.69
H+V	93	0.43	10.06	5.37	2.77	3.93	0.04	0.28	0.39	0.28	6.01	2.30	2.72	0.60
H+V	94	0.52	14.02	9.19	4.63	4.88	0.04	0.33	0.35	0.31	10.16	3.68	3.17	0.72
H+V	95	0.43	11.71	5.51	4.31	3.05	0.04	0.37	0.26	0.27	6.30	3.68	2.10	0.54

V	96	0.09	2.88	2.26	0.16	1.82	0.03	0.06	0.63	0.04	2.39	0.11	1.31	0.83
V	97	0.09	2.88	2.26	0.16	1.82	0.03	0.06	0.63	0.04	2.39	0.11	1.31	0.83
V	98	0.05	2.48	1.53	0.24	1.15	0.02	0.10	0.46	0.03	1.69	0.18	0.85	0.68
V	99	0.07	2.75	2.01	0.08	1.58	0.03	0.03	0.57	0.03	2.14	0.06	1.16	0.78
V	100	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	101	0.09	2.88	2.26	0.16	1.82	0.03	0.06	0.63	0.04	2.39	0.11	1.31	0.83
V	102	0.08	2.61	1.36	0.75	0.92	0.03	0.29	0.35	0.05	1.49	0.57	0.61	0.57
V	103	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	104	0.09	2.88	1.82	0.83	1.31	0.03	0.29	0.45	0.06	1.97	0.62	0.90	0.68
V	105	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	106	0.05	2.48	1.53	0.24	1.15	0.02	0.10	0.46	0.03	1.69	0.18	0.85	0.68
V	107	0.07	2.75	2.01	0.08	1.58	0.03	0.03	0.57	0.03	2.14	0.06	1.16	0.78
V	108	0.05	2.48	1.53	0.24	1.15	0.02	0.10	0.46	0.03	1.69	0.18	0.85	0.68
V	109	0.09	2.88	1.82	0.83	1.31	0.03	0.29	0.45	0.06	1.97	0.62	0.90	0.68
V	110	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	111	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	112	0.06	2.43	1.10	0.50	0.67	0.02	0.21	0.28	0.04	1.30	0.39	0.48	0.53
V	113	0.11	2.98	2.30	0.42	1.80	0.04	0.14	0.60	0.05	2.43	0.30	1.27	0.82
H	114	0.12	3.05	2.26	0.15	1.86	0.04	0.05	0.61	0.09	2.42	0.10	1.34	0.79
H	115	0.12	2.87	1.72	0.40	1.26	0.04	0.14	0.44	0.09	1.88	0.32	0.88	0.66
H	116	0.06	2.73	1.39	1.01	0.45	0.02	0.37	0.16	0.04	1.54	0.82	0.30	0.56
H	117	0.09	2.72	1.24	0.75	0.73	0.03	0.28	0.27	0.07	1.38	0.62	0.47	0.51
H	118	0.06	2.86	1.71	1.01	0.77	0.02	0.35	0.27	0.03	1.90	0.81	0.53	0.66
H	119	0.12	2.87	1.72	0.40	1.26	0.04	0.14	0.44	0.09	1.88	0.32	0.88	0.66
H	120	0.08	2.95	1.92	0.77	1.22	0.03	0.26	0.41	0.05	2.12	0.61	0.87	0.72
H	121	0.06	2.86	1.71	1.01	0.77	0.02	0.35	0.27	0.03	1.90	0.81	0.53	0.66
H	122	0.11	2.98	2.10	0.43	1.66	0.04	0.14	0.56	0.07	2.27	0.31	1.20	0.76
H	123	0.06	2.86	1.71	1.01	0.77	0.02	0.35	0.27	0.03	1.90	0.81	0.53	0.66
H	124	0.06	2.73	1.39	1.01	0.45	0.02	0.37	0.16	0.04	1.54	0.82	0.30	0.56
H	125	0.09	2.72	1.24	0.75	0.73	0.03	0.28	0.27	0.07	1.38	0.62	0.47	0.51
H	126	0.06	2.73	1.39	1.01	0.45	0.02	0.37	0.16	0.04	1.54	0.82	0.30	0.56
H	127	0.11	2.98	2.10	0.43	1.66	0.04	0.14	0.56	0.07	2.27	0.31	1.20	0.76
H	128	0.06	2.86	1.71	1.01	0.77	0.02	0.35	0.27	0.03	1.90	0.81	0.53	0.66
H	129	0.06	2.86	1.71	1.01	0.77	0.02	0.35	0.27	0.03	1.90	0.81	0.53	0.66
H	130	0.06	2.73	1.39	1.01	0.45	0.02	0.37	0.16	0.04	1.54	0.82	0.30	0.56
H	131	0.12	3.05	2.26	0.15	1.86	0.04	0.05	0.61	0.09	2.42	0.10	1.34	0.79
H+V	132	0.39	6.69	5.15	0.35	4.36	0.06	0.05	0.65	0.21	5.47	0.22	2.99	0.82
H+V	133	0.31	6.83	4.79	0.63	3.61	0.05	0.09	0.53	0.19	5.14	0.49	2.45	0.75
H+V	134	0.17	6.31	3.27	1.84	1.91	0.03	0.29	0.30	0.08	3.63	1.49	1.26	0.58
H+V	135	0.23	6.68	4.27	1.01	2.86	0.03	0.15	0.43	0.14	4.66	0.84	1.93	0.70
H+V	136	0.15	6.40	3.48	2.39	1.59	0.02	0.37	0.25	0.10	3.86	1.90	1.02	0.60
H+V	137	0.31	6.83	4.79	0.63	3.61	0.05	0.09	0.53	0.19	5.14	0.49	2.45	0.75

H+V	138	0.24	6.64	4.10	2.34	2.45	0.04	0.35	0.37	0.12	4.47	1.81	1.64	0.67
H+V	139	0.15	6.40	3.48	2.39	1.59	0.02	0.37	0.25	0.10	3.86	1.90	1.02	0.60
H+V	140	0.33	6.51	4.35	1.76	3.22	0.05	0.27	0.49	0.16	4.68	1.32	2.19	0.72
H+V	141	0.15	6.40	3.48	2.39	1.59	0.02	0.37	0.25	0.10	3.86	1.90	1.02	0.60
H+V	142	0.17	6.31	3.27	1.84	1.91	0.03	0.29	0.30	0.08	3.63	1.49	1.26	0.58
H+V	143	0.23	6.68	4.27	1.01	2.86	0.03	0.15	0.43	0.14	4.66	0.84	1.93	0.70
H+V	144	0.17	6.31	3.27	1.84	1.91	0.03	0.29	0.30	0.08	3.63	1.49	1.26	0.58
H+V	145	0.33	6.51	4.35	1.76	3.22	0.05	0.27	0.49	0.16	4.68	1.32	2.19	0.72
H+V	146	0.15	6.40	3.48	2.39	1.59	0.02	0.37	0.25	0.10	3.86	1.90	1.02	0.60
H+V	147	0.15	6.40	3.48	2.39	1.59	0.02	0.37	0.25	0.10	3.86	1.90	1.02	0.60
H+V	148	0.16	6.46	3.24	2.41	1.45	0.02	0.37	0.22	0.11	3.60	1.92	0.92	0.56
H+V	149	0.25	5.90	3.75	0.80	3.06	0.04	0.14	0.52	0.17	4.09	0.61	2.13	0.69
V	150	0.02	1.26	0.80	0.21	0.55	0.02	0.17	0.44	0.02	0.89	0.16	0.38	0.71
V	151	0.06	1.53	0.93	0.22	0.65	0.04	0.14	0.42	0.03	1.02	0.17	0.44	0.67
H	152	0.05	1.43	0.79	0.38	0.46	0.03	0.27	0.32	0.04	0.89	0.29	0.30	0.62
H	153	0.04	1.54	0.92	0.20	0.69	0.03	0.13	0.45	0.02	1.01	0.17	0.48	0.66
H+V	154	0.11	3.30	2.06	0.84	1.28	0.03	0.25	0.39	0.06	2.27	0.62	0.81	0.69
H+V	155	0.17	3.47	2.03	0.67	1.52	0.05	0.19	0.44	0.09	2.26	0.54	0.98	0.65

Table 2-3 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n261 Mid Channel

PD Simulation (W/m ²)		Mid channel												
		2mm					8.10%	43.19%	75.83%	5mm				82.77%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.14	7.04	5.47	0.23	4.67	0.02	0.03	0.66	0.08	5.79	0.16	3.52	0.82
V	1	0.31	7.14	5.62	0.50	4.78	0.04	0.07	0.67	0.25	5.91	0.28	3.47	0.83
V	2	0.16	5.41	3.25	1.06	2.08	0.03	0.20	0.38	0.09	3.62	0.90	1.39	0.67
V	3	0.13	5.19	2.88	0.29	1.97	0.03	0.06	0.38	0.07	3.23	0.23	1.36	0.62
V	4	0.28	5.79	3.14	2.04	1.54	0.05	0.35	0.27	0.16	3.54	1.80	0.95	0.61
V	5	0.19	6.20	4.31	0.22	3.57	0.03	0.04	0.58	0.12	4.62	0.15	2.71	0.75
V	6	0.35	7.03	5.32	1.32	4.27	0.05	0.19	0.61	0.27	5.59	0.89	3.12	0.80
V	7	0.09	4.74	2.66	0.61	1.74	0.02	0.13	0.37	0.04	3.03	0.44	1.14	0.64
V	8	0.30	6.79	4.97	1.23	4.17	0.04	0.18	0.61	0.25	5.28	0.85	3.06	0.78
V	9	0.28	6.51	4.29	2.00	2.50	0.04	0.31	0.38	0.17	4.67	1.66	1.65	0.72
V	10	0.09	3.99	2.20	0.56	1.34	0.02	0.14	0.34	0.05	2.49	0.43	0.90	0.62
V	11	0.19	5.89	3.90	0.22	3.13	0.03	0.04	0.53	0.10	4.21	0.19	2.33	0.71
V	12	0.12	5.26	2.93	0.41	1.83	0.02	0.08	0.35	0.06	3.30	0.31	1.22	0.63
V	13	0.17	5.01	2.92	1.62	2.18	0.03	0.32	0.44	0.10	3.20	1.39	1.42	0.64
V	14	0.27	6.53	4.42	1.65	2.79	0.04	0.25	0.43	0.17	4.74	1.26	1.86	0.73
V	15	0.25	5.31	2.65	1.76	1.23	0.05	0.33	0.23	0.15	2.97	1.56	0.76	0.56
H	16	0.19	7.07	5.47	0.17	4.84	0.03	0.02	0.68	0.13	5.79	0.12	3.70	0.82

H	17	0.18	6.09	3.95	0.81	3.38	0.03	0.13	0.56	0.10	4.25	0.70	2.47	0.70
H	18	0.13	5.06	2.93	1.66	1.13	0.03	0.33	0.22	0.09	3.34	1.36	0.77	0.66
H	19	0.33	6.38	4.29	0.63	2.44	0.05	0.10	0.38	0.19	4.68	0.48	1.57	0.73
H	20	0.13	4.26	2.40	1.84	0.63	0.03	0.43	0.15	0.08	2.75	1.55	0.42	0.65
H	21	0.47	7.17	4.99	0.41	4.31	0.07	0.06	0.60	0.36	5.35	0.32	3.18	0.75
H	22	0.23	6.22	4.26	1.08	3.14	0.04	0.17	0.50	0.13	4.63	0.74	2.25	0.74
H	23	0.16	5.96	3.21	0.80	1.82	0.03	0.13	0.31	0.07	3.64	0.62	1.15	0.61
H	24	0.21	6.50	4.80	0.54	3.97	0.03	0.08	0.61	0.11	5.12	0.36	2.89	0.79
H	25	0.12	5.25	3.22	2.03	1.23	0.02	0.39	0.23	0.06	3.56	1.71	0.80	0.68
H	26	0.10	4.89	2.24	0.82	1.14	0.02	0.17	0.23	0.05	2.63	0.57	0.84	0.54
H	27	0.44	6.06	4.10	0.76	3.25	0.07	0.13	0.54	0.31	4.43	0.61	2.33	0.73
H	28	0.25	6.24	3.99	0.83	2.20	0.04	0.13	0.35	0.12	4.35	0.63	1.39	0.70
H	29	0.17	6.00	4.17	0.69	3.32	0.03	0.12	0.55	0.12	4.49	0.59	2.37	0.75
H	30	0.14	5.55	3.59	1.77	1.83	0.03	0.32	0.33	0.07	3.98	1.42	1.33	0.72
H	31	0.11	4.18	2.00	1.46	0.97	0.03	0.35	0.23	0.07	2.34	1.24	0.70	0.56
H+V	32	0.55	14.78	11.39	0.38	10.96	0.04	0.03	0.74	0.32	12.01	0.28	8.01	0.81
H+V	33	0.78	14.50	11.47	1.32	9.94	0.05	0.09	0.69	0.50	11.94	1.13	6.87	0.82
H+V	34	0.37	15.12	8.42	4.37	4.21	0.02	0.29	0.28	0.20	9.56	3.63	2.51	0.63
H+V	35	0.64	17.14	11.49	1.06	6.84	0.04	0.06	0.40	0.36	12.48	0.86	4.36	0.73
H+V	36	0.68	15.79	8.20	6.37	3.37	0.04	0.40	0.21	0.41	9.41	5.48	1.88	0.60
H+V	37	1.14	14.08	10.35	0.86	9.37	0.08	0.06	0.67	0.81	10.87	0.62	6.85	0.77
H+V	38	0.99	15.50	12.03	3.30	9.35	0.06	0.21	0.60	0.69	12.69	2.13	6.77	0.82
H+V	39	0.26	15.62	8.85	2.07	5.18	0.02	0.13	0.33	0.12	9.95	1.67	2.95	0.64
H+V	40	0.81	14.86	10.95	2.31	9.19	0.05	0.16	0.62	0.59	11.64	1.59	6.57	0.78
H+V	41	0.56	18.91	11.53	6.57	5.91	0.03	0.35	0.31	0.30	12.80	5.50	3.76	0.68
H+V	42	0.26	14.09	7.18	1.62	3.54	0.02	0.11	0.25	0.12	8.30	1.27	2.12	0.59
H+V	43	1.06	14.01	10.53	1.25	8.02	0.08	0.09	0.57	0.66	11.07	1.04	5.60	0.79
H+V	44	0.44	17.60	11.31	1.41	6.40	0.03	0.08	0.36	0.22	12.42	1.06	4.07	0.71
H+V	45	0.45	12.10	7.95	3.38	6.11	0.04	0.28	0.50	0.31	8.53	2.87	4.02	0.70
H+V	46	0.67	17.72	11.97	5.55	6.83	0.04	0.31	0.39	0.38	13.03	4.37	4.56	0.74
H+V	47	0.62	13.83	6.50	5.32	2.75	0.04	0.38	0.20	0.37	7.55	4.60	1.66	0.55
V	48	0.13	5.65	4.32	0.13	3.75	0.02	0.02	0.66	0.08	4.56	0.09	2.86	0.81
V	49	0.25	5.73	4.27	0.56	3.63	0.04	0.10	0.63	0.17	4.50	0.35	2.77	0.79
V	50	0.11	4.92	3.19	0.69	2.28	0.02	0.14	0.46	0.05	3.46	0.56	1.55	0.70
V	51	0.12	4.64	2.82	0.21	1.99	0.03	0.05	0.43	0.07	3.12	0.17	1.37	0.67
V	52	0.18	4.28	2.36	1.51	1.12	0.04	0.35	0.26	0.11	2.66	1.30	0.68	0.62
V	53	0.14	5.34	3.66	0.23	2.96	0.03	0.04	0.55	0.09	3.93	0.18	2.28	0.74
V	54	0.22	5.75	4.12	1.29	2.98	0.04	0.22	0.52	0.16	4.37	0.91	2.05	0.76
V	55	0.09	3.21	1.84	0.71	1.08	0.03	0.22	0.34	0.05	2.14	0.57	0.67	0.67
V	56	0.26	5.93	4.12	1.40	3.07	0.04	0.24	0.52	0.19	4.43	0.98	2.19	0.75
V	57	0.19	5.06	3.25	1.51	1.92	0.04	0.30	0.38	0.11	3.55	1.24	1.23	0.70
V	58	0.09	3.82	2.32	0.40	1.48	0.02	0.10	0.39	0.04	2.59	0.30	0.98	0.68

V	59	0.15	5.42	3.82	0.14	3.04	0.03	0.03	0.56	0.09	4.09	0.12	2.40	0.75
V	60	0.12	4.31	2.67	0.31	1.74	0.03	0.07	0.40	0.06	2.99	0.22	1.23	0.69
V	61	0.14	4.32	2.21	1.37	1.08	0.03	0.32	0.25	0.09	2.49	1.16	0.69	0.58
V	62	0.17	5.09	3.47	1.24	2.26	0.03	0.24	0.44	0.11	3.74	0.95	1.46	0.73
V	63	0.17	4.19	2.05	1.31	1.13	0.04	0.31	0.27	0.10	2.31	1.15	0.76	0.55
H	64	0.15	6.20	4.83	0.17	4.38	0.02	0.03	0.71	0.12	5.09	0.13	3.37	0.82
H	65	0.15	4.52	2.69	0.85	2.16	0.03	0.19	0.48	0.11	2.93	0.73	1.43	0.65
H	66	0.15	4.65	2.82	1.49	1.21	0.03	0.32	0.26	0.11	3.18	1.21	0.83	0.68
H	67	0.30	5.09	3.45	0.58	2.18	0.06	0.11	0.43	0.20	3.76	0.42	1.53	0.74
H	68	0.11	3.82	2.20	1.64	0.67	0.03	0.43	0.18	0.06	2.50	1.39	0.49	0.65
H	69	0.32	5.91	4.37	0.48	3.82	0.05	0.08	0.65	0.26	4.67	0.39	2.89	0.79
H	70	0.16	5.37	3.47	1.03	2.48	0.03	0.19	0.46	0.09	3.85	0.74	1.87	0.72
H	71	0.09	4.36	2.12	0.81	1.47	0.02	0.19	0.34	0.05	2.48	0.62	1.09	0.57
H	72	0.16	5.40	3.61	0.62	2.77	0.03	0.11	0.51	0.10	3.97	0.43	1.85	0.74
H	73	0.11	4.66	2.89	1.82	1.07	0.02	0.39	0.23	0.05	3.20	1.51	0.74	0.69
H	74	0.15	4.48	2.46	0.75	1.16	0.03	0.17	0.26	0.08	2.80	0.54	0.82	0.63
H	75	0.33	5.33	3.82	0.72	3.24	0.06	0.14	0.61	0.25	4.09	0.58	2.43	0.77
H	76	0.22	4.80	2.98	0.78	1.84	0.05	0.16	0.38	0.13	3.30	0.57	1.24	0.69
H	77	0.13	4.73	2.96	0.61	2.37	0.03	0.13	0.50	0.10	3.22	0.51	1.72	0.68
H	78	0.13	5.01	3.19	1.59	1.60	0.03	0.32	0.32	0.06	3.53	1.27	1.17	0.70
H	79	0.09	4.10	1.97	1.36	1.37	0.02	0.33	0.33	0.05	2.32	1.16	1.06	0.57
H+V	80	0.48	12.70	9.61	0.38	9.63	0.04	0.03	0.76	0.30	10.06	0.29	7.20	0.79
H+V	81	0.58	12.04	8.48	1.56	7.02	0.05	0.13	0.58	0.32	8.96	1.38	4.99	0.74
H+V	82	0.43	12.37	7.40	3.44	4.30	0.03	0.28	0.35	0.26	8.36	2.81	2.63	0.68
H+V	83	0.63	14.02	9.60	0.96	5.90	0.04	0.07	0.42	0.40	10.44	0.76	4.05	0.74
H+V	84	0.49	12.61	6.70	5.17	2.58	0.04	0.41	0.20	0.29	7.68	4.41	1.42	0.61
H+V	85	0.77	12.05	9.15	1.03	8.02	0.06	0.09	0.67	0.59	9.65	0.83	5.89	0.80
H+V	86	0.67	13.23	9.56	3.36	7.06	0.05	0.25	0.53	0.44	10.23	2.32	4.90	0.77
H+V	87	0.23	11.45	5.85	2.28	3.07	0.02	0.20	0.27	0.14	6.80	1.90	1.90	0.59
H+V	88	0.69	13.16	9.06	2.82	6.93	0.05	0.21	0.53	0.45	9.77	1.92	4.86	0.74
H+V	89	0.43	14.94	9.00	5.46	4.38	0.03	0.37	0.29	0.23	10.11	4.52	2.67	0.68
H+V	90	0.30	12.87	7.56	1.54	4.14	0.02	0.12	0.32	0.15	8.51	1.23	2.43	0.66
H+V	91	0.79	12.52	9.55	1.10	7.64	0.06	0.09	0.61	0.56	10.12	0.89	5.63	0.81
H+V	92	0.47	14.06	8.96	1.33	5.37	0.03	0.09	0.38	0.26	9.89	1.00	3.66	0.70
H+V	93	0.34	9.91	5.21	2.91	3.79	0.03	0.29	0.38	0.22	5.93	2.44	2.64	0.60
H+V	94	0.49	14.23	9.29	4.47	5.22	0.03	0.31	0.37	0.29	10.24	3.53	3.38	0.72
H+V	95	0.44	11.37	5.59	4.41	2.93	0.04	0.39	0.26	0.27	6.44	3.79	2.05	0.57
V	96	0.10	2.83	2.20	0.18	1.81	0.04	0.06	0.64	0.04	2.32	0.12	1.29	0.82
V	97	0.10	2.83	2.20	0.18	1.81	0.04	0.06	0.64	0.04	2.32	0.12	1.29	0.82
V	98	0.05	2.40	1.45	0.28	1.14	0.02	0.12	0.48	0.02	1.59	0.21	0.83	0.66
V	99	0.07	2.63	1.92	0.10	1.56	0.03	0.04	0.59	0.03	2.03	0.08	1.14	0.77
V	100	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55

V	101	0.10	2.83	2.20	0.18	1.81	0.04	0.06	0.64	0.04	2.32	0.12	1.29	0.82
V	102	0.08	2.70	1.47	0.85	0.95	0.03	0.31	0.35	0.05	1.61	0.66	0.62	0.60
V	103	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55
V	104	0.10	3.04	1.96	0.94	1.36	0.03	0.31	0.45	0.07	2.11	0.71	0.92	0.69
V	105	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55
V	106	0.05	2.40	1.45	0.28	1.14	0.02	0.12	0.48	0.02	1.59	0.21	0.83	0.66
V	107	0.07	2.63	1.92	0.10	1.56	0.03	0.04	0.59	0.03	2.03	0.08	1.14	0.77
V	108	0.05	2.40	1.45	0.28	1.14	0.02	0.12	0.48	0.02	1.59	0.21	0.83	0.66
V	109	0.10	3.04	1.96	0.94	1.36	0.03	0.31	0.45	0.07	2.11	0.71	0.92	0.69
V	110	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55
V	111	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55
V	112	0.06	2.41	1.13	0.56	0.67	0.02	0.23	0.28	0.04	1.32	0.45	0.48	0.55
V	113	0.11	3.05	2.31	0.48	1.82	0.04	0.16	0.60	0.05	2.44	0.34	1.27	0.80
H	114	0.11	3.11	2.32	0.15	1.94	0.04	0.05	0.62	0.08	2.48	0.10	1.39	0.80
H	115	0.13	2.87	1.71	0.40	1.35	0.05	0.14	0.47	0.10	1.86	0.32	0.92	0.65
H	116	0.07	2.71	1.40	0.99	0.48	0.03	0.37	0.18	0.05	1.55	0.80	0.31	0.57
H	117	0.11	2.71	1.21	0.74	0.78	0.04	0.27	0.29	0.08	1.34	0.61	0.51	0.49
H	118	0.06	2.88	1.74	0.99	0.83	0.02	0.34	0.29	0.03	1.93	0.79	0.56	0.67
H	119	0.13	2.87	1.71	0.40	1.35	0.05	0.14	0.47	0.10	1.86	0.32	0.92	0.65
H	120	0.08	3.01	1.96	0.75	1.29	0.03	0.25	0.43	0.04	2.17	0.59	0.92	0.72
H	121	0.06	2.88	1.74	0.99	0.83	0.02	0.34	0.29	0.03	1.93	0.79	0.56	0.67
H	122	0.10	3.05	2.17	0.41	1.74	0.03	0.13	0.57	0.06	2.34	0.30	1.25	0.77
H	123	0.06	2.88	1.74	0.99	0.83	0.02	0.34	0.29	0.03	1.93	0.79	0.56	0.67
H	124	0.07	2.71	1.40	0.99	0.48	0.03	0.37	0.18	0.05	1.55	0.80	0.31	0.57
H	125	0.11	2.71	1.21	0.74	0.78	0.04	0.27	0.29	0.08	1.34	0.61	0.51	0.49
H	126	0.07	2.71	1.40	0.99	0.48	0.03	0.37	0.18	0.05	1.55	0.80	0.31	0.57
H	127	0.10	3.05	2.17	0.41	1.74	0.03	0.13	0.57	0.06	2.34	0.30	1.25	0.77
H	128	0.06	2.88	1.74	0.99	0.83	0.02	0.34	0.29	0.03	1.93	0.79	0.56	0.67
H	129	0.06	2.88	1.74	0.99	0.83	0.02	0.34	0.29	0.03	1.93	0.79	0.56	0.67
H	130	0.07	2.71	1.40	0.99	0.48	0.03	0.37	0.18	0.05	1.55	0.80	0.31	0.57
H	131	0.11	3.11	2.32	0.15	1.94	0.04	0.05	0.62	0.08	2.48	0.10	1.39	0.80
H+V	132	0.37	6.83	5.32	0.38	4.70	0.05	0.06	0.69	0.19	5.60	0.24	3.24	0.82
H+V	133	0.32	6.73	4.73	0.64	3.85	0.05	0.10	0.57	0.19	5.04	0.50	2.63	0.75
H+V	134	0.19	6.19	3.04	1.86	1.99	0.03	0.30	0.32	0.10	3.46	1.53	1.31	0.56
H+V	135	0.26	6.44	4.06	1.01	3.04	0.04	0.16	0.47	0.16	4.39	0.84	2.04	0.68
H+V	136	0.15	6.43	3.61	2.44	1.62	0.02	0.38	0.25	0.10	3.99	1.96	1.03	0.62
H+V	137	0.32	6.73	4.73	0.64	3.85	0.05	0.10	0.57	0.19	5.04	0.50	2.63	0.75
H+V	138	0.22	6.74	4.27	2.40	2.56	0.03	0.36	0.38	0.11	4.68	1.90	1.69	0.69
H+V	139	0.15	6.43	3.61	2.44	1.62	0.02	0.38	0.25	0.10	3.99	1.96	1.03	0.62
H+V	140	0.32	6.69	4.55	1.84	3.40	0.05	0.28	0.51	0.16	4.92	1.40	2.28	0.74
H+V	141	0.15	6.43	3.61	2.44	1.62	0.02	0.38	0.25	0.10	3.99	1.96	1.03	0.62
H+V	142	0.19	6.19	3.04	1.86	1.99	0.03	0.30	0.32	0.10	3.46	1.53	1.31	0.56

H+V	143	0.26	6.44	4.06	1.01	3.04	0.04	0.16	0.47	0.16	4.39	0.84	2.04	0.68
H+V	144	0.19	6.19	3.04	1.86	1.99	0.03	0.30	0.32	0.10	3.46	1.53	1.31	0.56
H+V	145	0.32	6.69	4.55	1.84	3.40	0.05	0.28	0.51	0.16	4.92	1.40	2.28	0.74
H+V	146	0.15	6.43	3.61	2.44	1.62	0.02	0.38	0.25	0.10	3.99	1.96	1.03	0.62
H+V	147	0.15	6.43	3.61	2.44	1.62	0.02	0.38	0.25	0.10	3.99	1.96	1.03	0.62
H+V	148	0.17	6.47	3.31	2.46	1.51	0.03	0.38	0.23	0.10	3.68	1.98	0.96	0.57
H+V	149	0.20	5.90	3.86	0.87	3.25	0.03	0.15	0.55	0.13	4.20	0.68	2.28	0.71
V	150	0.02	1.30	0.84	0.27	0.54	0.02	0.21	0.42	0.02	0.92	0.20	0.36	0.71
V	151	0.05	1.52	0.93	0.22	0.66	0.03	0.14	0.43	0.02	1.02	0.17	0.44	0.67
H	152	0.05	1.47	0.80	0.37	0.51	0.03	0.25	0.35	0.04	0.91	0.29	0.32	0.62
H	153	0.04	1.51	0.92	0.19	0.71	0.03	0.13	0.47	0.02	1.01	0.16	0.49	0.67
H+V	154	0.13	3.40	2.08	0.89	1.34	0.04	0.26	0.39	0.07	2.30	0.67	0.84	0.68
H+V	155	0.15	3.54	2.11	0.64	1.66	0.04	0.18	0.47	0.07	2.33	0.53	1.08	0.66

Table 2-4 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n261 High Channel.

PD Simulation (W/m ²)		High channel												
		2mm					6.59%	40.36%	76.26%	5mm				83.05%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.15	6.93	5.32	0.26	4.54	0.02	0.04	0.66	0.08	5.65	0.17	3.39	0.82
V	1	0.27	7.06	5.50	0.56	4.72	0.04	0.08	0.67	0.21	5.78	0.31	3.44	0.82
V	2	0.19	5.36	3.34	0.97	2.15	0.04	0.18	0.40	0.11	3.71	0.82	1.36	0.69
V	3	0.15	5.40	3.03	0.32	2.24	0.03	0.06	0.41	0.08	3.37	0.25	1.58	0.62
V	4	0.29	5.70	2.89	1.84	1.33	0.05	0.32	0.23	0.17	3.27	1.62	0.84	0.57
V	5	0.17	6.24	4.31	0.25	3.62	0.03	0.04	0.58	0.11	4.60	0.17	2.70	0.74
V	6	0.29	7.00	5.37	1.35	4.37	0.04	0.19	0.62	0.23	5.63	0.92	3.18	0.80
V	7	0.10	4.92	2.66	0.64	1.92	0.02	0.13	0.39	0.04	3.01	0.46	1.25	0.61
V	8	0.24	6.96	5.06	1.27	4.22	0.03	0.18	0.61	0.20	5.37	0.89	3.09	0.77
V	9	0.30	5.99	3.99	1.79	2.39	0.05	0.30	0.40	0.21	4.32	1.50	1.58	0.72
V	10	0.09	4.17	2.20	0.60	1.42	0.02	0.14	0.34	0.05	2.48	0.46	0.99	0.59
V	11	0.20	6.12	4.10	0.22	3.27	0.03	0.04	0.53	0.10	4.41	0.18	2.42	0.72
V	12	0.14	5.52	3.04	0.44	2.11	0.03	0.08	0.38	0.07	3.41	0.34	1.43	0.62
V	13	0.16	4.67	2.73	1.46	2.11	0.03	0.31	0.45	0.09	3.00	1.26	1.36	0.64
V	14	0.28	6.24	4.30	1.54	2.81	0.04	0.25	0.45	0.20	4.64	1.16	1.85	0.74
V	15	0.27	5.48	2.58	1.64	1.11	0.05	0.30	0.20	0.16	2.90	1.45	0.70	0.53
H	16	0.17	7.06	5.45	0.18	4.84	0.02	0.03	0.69	0.11	5.77	0.13	3.69	0.82
H	17	0.15	6.00	3.88	0.76	3.36	0.03	0.13	0.56	0.09	4.16	0.65	2.40	0.69
H	18	0.13	4.94	2.80	1.38	1.33	0.03	0.28	0.27	0.09	3.21	1.13	0.90	0.65
H	19	0.35	6.02	4.01	0.58	2.44	0.06	0.10	0.41	0.22	4.35	0.44	1.60	0.72
H	20	0.13	4.28	2.35	1.70	0.71	0.03	0.40	0.17	0.07	2.70	1.44	0.47	0.63
H	21	0.39	7.47	5.39	0.42	4.65	0.05	0.06	0.62	0.31	5.73	0.33	3.46	0.77

H	22	0.20	6.44	4.60	1.10	3.55	0.03	0.17	0.55	0.11	4.93	0.76	2.56	0.77
H	23	0.19	5.53	2.93	0.82	1.74	0.03	0.15	0.31	0.08	3.32	0.63	1.06	0.60
H	24	0.17	6.66	4.99	0.58	4.16	0.03	0.09	0.62	0.10	5.30	0.36	3.02	0.80
H	25	0.12	5.25	3.04	1.70	1.47	0.02	0.32	0.28	0.06	3.42	1.42	0.96	0.65
H	26	0.12	4.54	1.95	0.89	1.18	0.03	0.20	0.26	0.07	2.32	0.64	0.85	0.51
H	27	0.38	6.18	4.33	0.66	3.50	0.06	0.11	0.57	0.29	4.64	0.53	2.53	0.75
H	28	0.28	5.76	3.63	0.81	2.07	0.05	0.14	0.36	0.15	3.95	0.63	1.33	0.69
H	29	0.14	6.10	4.29	0.64	3.42	0.02	0.10	0.56	0.10	4.62	0.55	2.44	0.76
H	30	0.15	5.64	3.60	1.53	2.15	0.03	0.27	0.38	0.07	3.96	1.21	1.56	0.70
H	31	0.12	4.33	2.06	1.46	1.01	0.03	0.34	0.23	0.07	2.41	1.24	0.72	0.56
H+V	32	0.56	15.53	11.77	0.47	11.46	0.04	0.03	0.74	0.28	12.48	0.30	8.38	0.80
H+V	33	0.64	14.60	11.50	1.14	10.42	0.04	0.08	0.71	0.40	11.90	0.97	7.21	0.82
H+V	34	0.41	15.51	8.23	3.91	4.80	0.03	0.25	0.31	0.23	9.53	3.24	2.75	0.61
H+V	35	0.74	16.58	11.17	0.95	7.42	0.04	0.06	0.45	0.44	12.07	0.74	4.89	0.73
H+V	36	0.67	15.74	7.66	5.83	3.12	0.04	0.37	0.20	0.40	8.85	5.00	1.75	0.56
H+V	37	0.93	14.94	10.97	0.85	10.01	0.06	0.06	0.67	0.70	11.45	0.62	7.26	0.77
H+V	38	0.83	15.75	12.46	3.32	9.97	0.05	0.21	0.63	0.57	13.08	2.20	7.23	0.83
H+V	39	0.35	15.34	8.52	2.07	5.42	0.02	0.13	0.35	0.14	9.63	1.67	3.16	0.63
H+V	40	0.62	15.01	11.25	2.34	9.84	0.04	0.16	0.66	0.47	11.87	1.64	6.96	0.79
H+V	41	0.57	18.19	11.10	5.88	6.10	0.03	0.32	0.34	0.34	12.26	4.89	3.97	0.67
H+V	42	0.28	13.04	6.13	1.78	3.55	0.02	0.14	0.27	0.13	7.22	1.38	2.14	0.55
H+V	43	0.95	14.42	11.09	1.15	8.90	0.07	0.08	0.62	0.64	11.59	0.95	6.26	0.80
H+V	44	0.57	16.91	10.87	1.43	6.80	0.03	0.08	0.40	0.30	11.94	1.07	4.33	0.71
H+V	45	0.38	12.35	8.08	3.09	6.51	0.03	0.25	0.53	0.24	8.65	2.63	4.26	0.70
H+V	46	0.68	17.47	12.00	5.18	7.46	0.04	0.30	0.43	0.39	12.98	4.03	4.98	0.74
H+V	47	0.65	14.47	6.31	5.10	2.68	0.04	0.35	0.19	0.40	7.37	4.40	1.64	0.51
V	48	0.13	5.72	4.31	0.15	3.76	0.02	0.03	0.66	0.07	4.56	0.09	2.85	0.80
V	49	0.24	5.66	4.20	0.63	3.71	0.04	0.11	0.66	0.17	4.45	0.38	2.80	0.79
V	50	0.12	4.84	3.20	0.63	2.31	0.02	0.13	0.48	0.07	3.46	0.51	1.55	0.71
V	51	0.13	4.66	2.76	0.25	2.05	0.03	0.05	0.44	0.07	3.04	0.20	1.47	0.65
V	52	0.20	4.30	2.15	1.38	0.96	0.05	0.32	0.22	0.12	2.45	1.19	0.58	0.57
V	53	0.15	5.36	3.65	0.24	3.00	0.03	0.04	0.56	0.08	3.93	0.19	2.32	0.73
V	54	0.20	5.70	4.18	1.29	3.03	0.04	0.23	0.53	0.15	4.43	0.92	2.07	0.78
V	55	0.10	3.07	1.66	0.71	1.07	0.03	0.23	0.35	0.06	1.93	0.55	0.68	0.63
V	56	0.23	6.01	4.28	1.45	3.19	0.04	0.24	0.53	0.17	4.58	1.02	2.26	0.76
V	57	0.20	4.82	3.01	1.39	1.78	0.04	0.29	0.37	0.13	3.31	1.15	1.12	0.69
V	58	0.09	3.77	2.13	0.43	1.48	0.02	0.11	0.39	0.04	2.39	0.32	0.97	0.63
V	59	0.14	5.46	3.84	0.14	3.14	0.03	0.03	0.58	0.08	4.12	0.11	2.44	0.75
V	60	0.12	4.25	2.56	0.34	1.80	0.03	0.08	0.42	0.06	2.87	0.25	1.33	0.68
V	61	0.16	4.28	2.13	1.32	0.90	0.04	0.31	0.21	0.09	2.41	1.12	0.57	0.56
V	62	0.17	4.89	3.36	1.18	2.18	0.03	0.24	0.45	0.12	3.62	0.91	1.39	0.74
V	63	0.18	4.08	1.94	1.20	0.97	0.04	0.29	0.24	0.11	2.19	1.05	0.64	0.54

H	64	0.13	6.24	4.86	0.17	4.43	0.02	0.03	0.71	0.10	5.11	0.12	3.41	0.82
H	65	0.13	4.59	2.65	0.84	2.14	0.03	0.18	0.47	0.10	2.89	0.71	1.37	0.63
H	66	0.14	4.59	2.71	1.27	1.36	0.03	0.28	0.30	0.11	3.08	1.01	0.93	0.67
H	67	0.31	5.07	3.43	0.57	2.34	0.06	0.11	0.46	0.21	3.73	0.42	1.64	0.74
H	68	0.11	3.84	2.19	1.55	0.64	0.03	0.40	0.17	0.06	2.49	1.32	0.47	0.65
H	69	0.28	6.04	4.54	0.43	4.00	0.05	0.07	0.66	0.23	4.82	0.35	3.04	0.80
H	70	0.14	5.57	3.74	1.00	2.80	0.03	0.18	0.50	0.08	4.06	0.70	2.10	0.73
H	71	0.13	4.28	2.08	0.81	1.43	0.03	0.19	0.33	0.05	2.36	0.62	1.05	0.55
H	72	0.14	5.59	3.82	0.67	2.98	0.03	0.12	0.53	0.08	4.17	0.45	1.98	0.75
H	73	0.10	4.66	2.75	1.58	1.24	0.02	0.34	0.27	0.05	3.05	1.31	0.86	0.65
H	74	0.19	4.35	2.32	0.76	1.18	0.04	0.17	0.27	0.11	2.66	0.55	0.81	0.61
H	75	0.30	5.52	3.98	0.62	3.43	0.05	0.11	0.62	0.23	4.24	0.50	2.60	0.77
H	76	0.26	4.66	2.84	0.76	1.87	0.06	0.16	0.40	0.15	3.15	0.56	1.27	0.68
H	77	0.10	4.73	2.98	0.64	2.41	0.02	0.14	0.51	0.08	3.21	0.54	1.76	0.68
H	78	0.11	5.02	3.10	1.35	1.87	0.02	0.27	0.37	0.06	3.46	1.07	1.35	0.69
H	79	0.09	4.09	1.96	1.33	1.31	0.02	0.33	0.32	0.05	2.30	1.12	1.02	0.56
H+V	80	0.46	13.31	9.94	0.41	10.15	0.03	0.03	0.76	0.25	10.51	0.27	7.59	0.79
H+V	81	0.53	12.36	8.46	1.43	7.17	0.04	0.12	0.58	0.29	8.99	1.24	5.18	0.73
H+V	82	0.40	12.43	7.22	3.10	4.61	0.03	0.25	0.37	0.26	8.16	2.49	2.80	0.66
H+V	83	0.65	13.57	9.14	0.91	6.32	0.05	0.07	0.47	0.43	9.91	0.70	4.39	0.73
H+V	84	0.49	12.45	6.23	4.78	2.31	0.04	0.38	0.19	0.30	7.19	4.08	1.26	0.58
H+V	85	0.66	12.80	9.54	0.96	8.63	0.05	0.08	0.67	0.51	10.07	0.76	6.40	0.79
H+V	86	0.57	13.53	9.99	3.37	7.63	0.04	0.25	0.56	0.37	10.63	2.36	5.28	0.79
H+V	87	0.27	10.99	5.25	2.28	3.18	0.02	0.21	0.29	0.16	6.13	1.90	1.95	0.56
H+V	88	0.58	13.53	9.58	2.90	7.45	0.04	0.21	0.55	0.39	10.27	2.01	5.27	0.76
H+V	89	0.42	14.57	8.45	4.95	4.40	0.03	0.34	0.30	0.23	9.53	4.08	2.76	0.65
H+V	90	0.37	12.28	6.78	1.57	4.20	0.03	0.13	0.34	0.19	7.73	1.22	2.49	0.63
H+V	91	0.70	12.77	9.80	0.99	8.37	0.05	0.08	0.66	0.52	10.36	0.79	6.22	0.81
H+V	92	0.52	13.46	8.36	1.35	5.60	0.04	0.10	0.42	0.30	9.22	1.01	3.86	0.68
H+V	93	0.31	10.08	5.13	2.81	3.65	0.03	0.28	0.36	0.19	5.87	2.37	2.59	0.58
H+V	94	0.45	14.08	9.16	4.13	5.58	0.03	0.29	0.40	0.27	10.09	3.26	3.61	0.72
H+V	95	0.45	11.36	5.33	4.14	2.73	0.04	0.36	0.24	0.28	6.17	3.55	1.89	0.54
V	96	0.10	2.81	2.16	0.21	1.75	0.04	0.07	0.62	0.05	2.28	0.13	1.23	0.81
V	97	0.10	2.81	2.16	0.21	1.75	0.04	0.07	0.62	0.05	2.28	0.13	1.23	0.81
V	98	0.04	2.28	1.38	0.27	1.11	0.02	0.12	0.49	0.02	1.49	0.20	0.80	0.65
V	99	0.07	2.55	1.85	0.12	1.51	0.03	0.05	0.59	0.03	1.96	0.08	1.09	0.77
V	100	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54
V	101	0.10	2.81	2.16	0.21	1.75	0.04	0.07	0.62	0.05	2.28	0.13	1.23	0.81
V	102	0.08	2.60	1.42	0.83	0.87	0.03	0.32	0.33	0.05	1.55	0.65	0.55	0.60
V	103	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54
V	104	0.09	2.97	1.94	0.95	1.29	0.03	0.32	0.43	0.06	2.08	0.72	0.86	0.70
V	105	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54

V	106	0.04	2.28	1.38	0.27	1.11	0.02	0.12	0.49	0.02	1.49	0.20	0.80	0.65
V	107	0.07	2.55	1.85	0.12	1.51	0.03	0.05	0.59	0.03	1.96	0.08	1.09	0.77
V	108	0.04	2.28	1.38	0.27	1.11	0.02	0.12	0.49	0.02	1.49	0.20	0.80	0.65
V	109	0.09	2.97	1.94	0.95	1.29	0.03	0.32	0.43	0.06	2.08	0.72	0.86	0.70
V	110	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54
V	111	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54
V	112	0.06	2.29	1.05	0.54	0.67	0.03	0.24	0.29	0.04	1.23	0.43	0.48	0.54
V	113	0.11	3.04	2.28	0.51	1.76	0.04	0.17	0.58	0.05	2.42	0.36	1.21	0.80
H	114	0.10	3.21	2.39	0.16	2.02	0.03	0.05	0.63	0.07	2.54	0.10	1.44	0.79
H	115	0.13	2.93	1.73	0.37	1.43	0.04	0.13	0.49	0.10	1.88	0.30	0.98	0.64
H	116	0.08	2.59	1.30	0.87	0.48	0.03	0.34	0.19	0.06	1.43	0.71	0.32	0.55
H	117	0.12	2.68	1.21	0.66	0.88	0.04	0.25	0.33	0.09	1.35	0.54	0.57	0.50
H	118	0.05	2.74	1.67	0.86	0.88	0.02	0.31	0.32	0.03	1.85	0.70	0.61	0.68
H	119	0.13	2.93	1.73	0.37	1.43	0.04	0.13	0.49	0.10	1.88	0.30	0.98	0.64
H	120	0.07	2.95	1.98	0.66	1.37	0.02	0.22	0.46	0.03	2.18	0.52	1.00	0.74
H	121	0.05	2.74	1.67	0.86	0.88	0.02	0.31	0.32	0.03	1.85	0.70	0.61	0.68
H	122	0.08	3.09	2.25	0.37	1.85	0.03	0.12	0.60	0.05	2.41	0.27	1.33	0.78
H	123	0.05	2.74	1.67	0.86	0.88	0.02	0.31	0.32	0.03	1.85	0.70	0.61	0.68
H	124	0.08	2.59	1.30	0.87	0.48	0.03	0.34	0.19	0.06	1.43	0.71	0.32	0.55
H	125	0.12	2.68	1.21	0.66	0.88	0.04	0.25	0.33	0.09	1.35	0.54	0.57	0.50
H	126	0.08	2.59	1.30	0.87	0.48	0.03	0.34	0.19	0.06	1.43	0.71	0.32	0.55
H	127	0.08	3.09	2.25	0.37	1.85	0.03	0.12	0.60	0.05	2.41	0.27	1.33	0.78
H	128	0.05	2.74	1.67	0.86	0.88	0.02	0.31	0.32	0.03	1.85	0.70	0.61	0.68
H	129	0.05	2.74	1.67	0.86	0.88	0.02	0.31	0.32	0.03	1.85	0.70	0.61	0.68
H	130	0.08	2.59	1.30	0.87	0.48	0.03	0.34	0.19	0.06	1.43	0.71	0.32	0.55
H	131	0.10	3.21	2.39	0.16	2.02	0.03	0.05	0.63	0.07	2.54	0.10	1.44	0.79
H+V	132	0.36	7.10	5.46	0.40	4.97	0.05	0.06	0.70	0.18	5.75	0.25	3.45	0.81
H+V	133	0.33	6.86	4.67	0.65	4.01	0.05	0.09	0.58	0.18	4.99	0.49	2.75	0.73
H+V	134	0.20	5.98	2.81	1.69	2.05	0.03	0.28	0.34	0.10	3.19	1.38	1.33	0.53
H+V	135	0.26	6.33	3.85	0.91	3.15	0.04	0.14	0.50	0.15	4.18	0.75	2.13	0.66
H+V	136	0.15	6.20	3.38	2.24	1.62	0.02	0.36	0.26	0.10	3.74	1.81	1.04	0.60
H+V	137	0.33	6.86	4.67	0.65	4.01	0.05	0.09	0.58	0.18	4.99	0.49	2.75	0.73
H+V	138	0.18	6.57	4.13	2.25	2.62	0.03	0.34	0.40	0.09	4.53	1.80	1.76	0.69
H+V	139	0.15	6.20	3.38	2.24	1.62	0.02	0.36	0.26	0.10	3.74	1.81	1.04	0.60
H+V	140	0.27	6.72	4.59	1.78	3.54	0.04	0.26	0.53	0.13	4.94	1.37	2.39	0.74
H+V	141	0.15	6.20	3.38	2.24	1.62	0.02	0.36	0.26	0.10	3.74	1.81	1.04	0.60
H+V	142	0.20	5.98	2.81	1.69	2.05	0.03	0.28	0.34	0.10	3.19	1.38	1.33	0.53
H+V	143	0.26	6.33	3.85	0.91	3.15	0.04	0.14	0.50	0.15	4.18	0.75	2.13	0.66
H+V	144	0.20	5.98	2.81	1.69	2.05	0.03	0.28	0.34	0.10	3.19	1.38	1.33	0.53
H+V	145	0.27	6.72	4.59	1.78	3.54	0.04	0.26	0.53	0.13	4.94	1.37	2.39	0.74
H+V	146	0.15	6.20	3.38	2.24	1.62	0.02	0.36	0.26	0.10	3.74	1.81	1.04	0.60
H+V	147	0.15	6.20	3.38	2.24	1.62	0.02	0.36	0.26	0.10	3.74	1.81	1.04	0.60

H+V	148	0.18	6.25	3.07	2.27	1.58	0.03	0.36	0.25	0.10	3.41	1.84	1.00	0.55
H+V	149	0.16	5.87	3.85	0.82	3.35	0.03	0.14	0.57	0.10	4.17	0.64	2.37	0.71
V	150	0.03	1.24	0.81	0.28	0.50	0.02	0.23	0.40	0.01	0.89	0.21	0.33	0.72
V	151	0.04	1.50	0.91	0.22	0.65	0.03	0.15	0.43	0.02	1.00	0.17	0.43	0.67
H	152	0.05	1.51	0.80	0.34	0.56	0.03	0.23	0.37	0.04	0.91	0.26	0.37	0.60
H	153	0.03	1.49	0.91	0.17	0.71	0.02	0.11	0.48	0.02	1.00	0.14	0.49	0.67
H+V	154	0.13	3.43	2.05	0.88	1.38	0.04	0.26	0.40	0.07	2.26	0.66	0.88	0.66
H+V	155	0.13	3.59	2.13	0.59	1.77	0.04	0.16	0.49	0.06	2.33	0.49	1.16	0.65

Table 2-5 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n260 Low Channel.

PD Simulation (W/m ²)		Low channel												
		2mm					4.16%	34.49%	56.76%	5mm				83.80%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.11	4.75	3.58	0.15	2.39	0.02	0.03	0.50	0.08	3.80	0.09	1.80	0.80
V	1	0.11	4.19	3.10	0.20	2.21	0.03	0.05	0.53	0.08	3.30	0.15	1.69	0.79
V	2	0.10	4.02	2.91	0.25	1.99	0.02	0.06	0.50	0.07	3.11	0.18	1.52	0.77
V	3	0.10	4.03	3.02	0.17	2.05	0.02	0.04	0.51	0.07	3.21	0.11	1.58	0.80
V	4	0.13	4.61	2.90	1.53	1.60	0.03	0.33	0.35	0.09	3.20	1.30	1.06	0.69
V	5	0.09	3.65	2.35	0.83	1.48	0.02	0.23	0.41	0.07	2.51	0.61	1.06	0.69
V	6	0.06	3.06	2.18	0.43	1.31	0.02	0.14	0.43	0.04	2.32	0.34	1.02	0.76
V	7	0.12	4.43	1.64	1.22	0.81	0.03	0.28	0.18	0.09	1.97	1.05	0.61	0.44
V	8	0.13	4.10	2.93	0.84	1.92	0.03	0.20	0.47	0.10	3.11	0.57	1.48	0.76
V	9	0.14	4.92	2.98	1.62	1.93	0.03	0.33	0.39	0.10	3.25	1.33	1.34	0.66
V	10	0.14	4.89	3.21	0.36	2.21	0.03	0.07	0.45	0.11	3.48	0.28	1.68	0.71
V	11	0.07	3.30	2.37	0.53	1.47	0.02	0.16	0.45	0.05	2.50	0.43	1.18	0.76
V	12	0.15	4.20	2.93	1.37	1.85	0.04	0.33	0.44	0.10	3.19	1.07	1.36	0.76
V	13	0.14	4.90	2.91	1.69	1.72	0.03	0.34	0.35	0.09	3.19	1.44	1.15	0.65
V	14	0.12	4.55	2.39	1.42	1.21	0.03	0.31	0.27	0.08	2.75	1.21	0.74	0.60
V	15	0.11	4.50	2.95	0.39	1.95	0.02	0.09	0.43	0.09	3.18	0.29	1.46	0.71
H	16	0.06	3.79	2.83	0.15	1.73	0.02	0.04	0.46	0.04	3.00	0.10	1.31	0.79
H	17	0.09	4.47	3.28	0.16	2.19	0.02	0.04	0.49	0.07	3.49	0.12	1.68	0.78
H	18	0.09	4.39	3.16	0.16	2.05	0.02	0.04	0.47	0.07	3.37	0.12	1.56	0.77
H	19	0.10	4.60	3.38	0.13	2.24	0.02	0.03	0.49	0.08	3.61	0.10	1.69	0.78
H	20	0.09	4.36	2.24	0.84	1.52	0.02	0.19	0.35	0.04	2.45	0.71	0.94	0.56
H	21	0.07	3.82	2.05	0.42	1.22	0.02	0.11	0.32	0.04	2.24	0.32	0.88	0.59
H	22	0.13	4.21	3.09	0.26	2.02	0.03	0.06	0.48	0.10	3.29	0.20	1.54	0.78
H	23	0.10	4.02	2.73	0.63	1.71	0.02	0.16	0.43	0.07	2.94	0.56	1.20	0.73
H	24	0.06	3.49	1.71	0.39	1.03	0.02	0.11	0.30	0.04	1.92	0.26	0.80	0.55
H	25	0.09	4.04	2.20	0.90	1.35	0.02	0.22	0.33	0.05	2.43	0.75	0.81	0.60
H	26	0.07	3.45	2.22	0.27	1.24	0.02	0.08	0.36	0.04	2.45	0.22	0.95	0.71

H	27	0.13	4.59	3.28	0.25	2.19	0.03	0.05	0.48	0.10	3.52	0.19	1.65	0.77
H	28	0.09	4.15	1.89	0.56	0.92	0.02	0.13	0.22	0.04	2.18	0.46	0.65	0.53
H	29	0.09	4.14	2.30	0.86	1.53	0.02	0.21	0.37	0.05	2.51	0.73	0.97	0.61
H	30	0.09	4.22	2.34	0.80	1.65	0.02	0.19	0.39	0.05	2.55	0.66	1.10	0.60
H	31	0.08	3.52	2.22	0.28	1.29	0.02	0.08	0.37	0.05	2.42	0.22	0.98	0.69
H+V	32	0.31	8.83	6.98	0.37	4.88	0.04	0.04	0.55	0.23	7.34	0.24	3.62	0.83
H+V	33	0.36	9.16	7.22	0.44	5.05	0.04	0.05	0.55	0.26	7.60	0.35	3.74	0.83
H+V	34	0.35	8.95	6.99	0.51	4.77	0.04	0.06	0.53	0.26	7.33	0.39	3.56	0.82
H+V	35	0.36	8.95	7.17	0.39	5.08	0.04	0.04	0.57	0.27	7.50	0.30	3.74	0.84
H+V	36	0.25	10.39	6.12	3.08	2.81	0.02	0.30	0.27	0.15	6.76	2.64	1.77	0.65
H+V	37	0.23	8.54	5.25	1.54	3.15	0.03	0.18	0.37	0.14	5.62	1.18	2.16	0.66
H+V	38	0.26	8.42	6.65	0.84	4.13	0.03	0.10	0.49	0.18	7.00	0.63	3.27	0.83
H+V	39	0.29	9.56	4.92	2.82	2.91	0.03	0.29	0.30	0.18	5.37	2.51	2.07	0.56
H+V	40	0.27	9.33	5.98	1.60	3.71	0.03	0.17	0.40	0.21	6.53	1.15	3.00	0.70
H+V	41	0.25	11.09	6.10	2.94	3.29	0.02	0.27	0.30	0.19	6.67	2.39	2.34	0.60
H+V	42	0.21	10.52	7.01	0.93	4.33	0.02	0.09	0.41	0.17	7.64	0.79	3.49	0.73
H+V	43	0.30	8.93	7.00	1.05	4.35	0.03	0.12	0.49	0.21	7.39	0.81	3.47	0.83
H+V	44	0.27	9.28	5.13	2.08	2.98	0.03	0.22	0.32	0.21	5.84	1.52	2.23	0.63
H+V	45	0.24	11.35	6.12	3.29	3.00	0.02	0.29	0.26	0.18	6.68	2.80	1.98	0.59
H+V	46	0.23	10.47	5.50	3.13	2.87	0.02	0.30	0.27	0.15	6.34	2.74	1.83	0.61
H+V	47	0.22	10.09	6.77	1.02	3.86	0.02	0.10	0.38	0.14	7.34	0.80	3.03	0.73
V	48	0.11	4.15	3.00	0.13	2.06	0.03	0.03	0.50	0.08	3.22	0.09	1.54	0.78
V	49	0.09	3.57	2.58	0.16	1.71	0.03	0.04	0.48	0.06	2.75	0.11	1.28	0.77
V	50	0.08	3.57	2.55	0.19	1.67	0.02	0.05	0.47	0.06	2.72	0.13	1.24	0.76
V	51	0.09	3.57	2.58	0.16	1.71	0.03	0.04	0.48	0.06	2.75	0.11	1.28	0.77
V	52	0.11	3.64	2.19	1.15	1.24	0.03	0.32	0.34	0.08	2.43	0.96	0.83	0.67
V	53	0.07	3.01	1.95	0.60	1.16	0.02	0.20	0.39	0.05	2.10	0.44	0.79	0.70
V	54	0.06	3.14	1.91	0.48	1.18	0.02	0.15	0.38	0.04	2.07	0.35	0.92	0.66
V	55	0.10	3.61	1.49	1.04	0.74	0.03	0.29	0.20	0.07	1.73	0.89	0.51	0.48
V	56	0.12	3.50	2.50	0.81	1.73	0.03	0.23	0.49	0.09	2.67	0.57	1.30	0.76
V	57	0.12	3.91	2.29	1.20	1.45	0.03	0.31	0.37	0.08	2.52	0.97	1.01	0.64
V	58	0.12	4.06	2.68	0.37	1.95	0.03	0.09	0.48	0.09	2.90	0.22	1.47	0.71
V	59	0.07	3.21	2.01	0.54	1.13	0.02	0.17	0.35	0.04	2.18	0.41	0.91	0.68
V	60	0.11	3.74	2.32	1.02	1.40	0.03	0.27	0.37	0.08	2.59	0.79	1.02	0.69
V	61	0.12	3.91	2.17	1.29	1.28	0.03	0.33	0.33	0.08	2.43	1.06	0.83	0.62
V	62	0.10	3.66	1.90	1.08	1.00	0.03	0.30	0.27	0.07	2.17	0.90	0.65	0.59
V	63	0.10	3.71	2.42	0.47	1.74	0.03	0.13	0.47	0.07	2.62	0.32	1.30	0.71
H	64	0.05	3.11	2.29	0.12	1.39	0.02	0.04	0.45	0.03	2.44	0.08	1.06	0.78
H	65	0.09	3.91	2.81	0.13	1.92	0.02	0.03	0.49	0.06	3.00	0.10	1.46	0.77
H	66	0.08	3.73	2.72	0.10	1.79	0.02	0.03	0.48	0.06	2.90	0.07	1.34	0.78
H	67	0.09	3.91	2.81	0.13	1.92	0.02	0.03	0.49	0.06	3.00	0.10	1.46	0.77
H	68	0.06	3.60	1.65	0.59	1.18	0.02	0.16	0.33	0.04	1.96	0.48	0.73	0.54

H	69	0.08	3.32	1.99	0.29	1.31	0.02	0.09	0.39	0.05	2.18	0.21	0.96	0.66
H	70	0.09	3.69	2.63	0.22	1.74	0.02	0.06	0.47	0.07	2.80	0.17	1.30	0.76
H	71	0.08	3.42	2.14	0.48	1.36	0.02	0.14	0.40	0.05	2.31	0.41	0.92	0.68
H	72	0.06	2.87	1.44	0.34	0.85	0.02	0.12	0.30	0.03	1.62	0.23	0.66	0.56
H	73	0.07	3.55	1.64	0.65	1.20	0.02	0.18	0.34	0.03	1.86	0.52	0.76	0.52
H	74	0.05	2.81	1.85	0.25	1.05	0.02	0.09	0.37	0.03	2.00	0.19	0.79	0.71
H	75	0.09	3.70	2.50	0.24	1.68	0.02	0.06	0.45	0.07	2.68	0.18	1.28	0.72
H	76	0.06	3.15	1.45	0.40	0.79	0.02	0.13	0.25	0.03	1.68	0.32	0.54	0.53
H	77	0.07	3.59	1.83	0.62	1.37	0.02	0.17	0.38	0.04	2.06	0.50	0.89	0.57
H	78	0.06	3.62	1.86	0.57	1.31	0.02	0.16	0.36	0.04	2.14	0.47	0.88	0.59
H	79	0.06	2.86	1.75	0.26	1.02	0.02	0.09	0.36	0.04	1.90	0.19	0.74	0.66
H+V	80	0.28	7.51	5.81	0.36	4.06	0.04	0.05	0.54	0.20	6.15	0.26	3.01	0.82
H+V	81	0.32	7.69	6.12	0.38	4.26	0.04	0.05	0.55	0.23	6.39	0.27	3.15	0.83
H+V	82	0.30	7.77	6.14	0.36	3.92	0.04	0.05	0.50	0.22	6.43	0.27	2.89	0.83
H+V	83	0.32	7.69	6.12	0.38	4.26	0.04	0.05	0.55	0.23	6.39	0.27	3.15	0.83
H+V	84	0.20	8.26	4.34	2.20	2.27	0.02	0.27	0.27	0.13	4.91	1.82	1.39	0.59
H+V	85	0.22	6.97	4.87	1.18	2.84	0.03	0.17	0.41	0.13	5.20	0.87	2.14	0.75
H+V	86	0.22	7.60	5.72	0.89	3.61	0.03	0.12	0.48	0.15	6.06	0.68	2.80	0.80
H+V	87	0.21	8.21	4.15	2.31	2.50	0.03	0.28	0.30	0.13	4.63	2.04	1.72	0.56
H+V	88	0.18	7.72	5.03	1.47	3.06	0.02	0.19	0.40	0.14	5.52	1.07	2.43	0.72
H+V	89	0.18	9.31	4.70	2.17	2.51	0.02	0.23	0.27	0.13	5.20	1.71	1.77	0.56
H+V	90	0.18	7.80	5.57	0.73	3.63	0.02	0.09	0.47	0.14	6.01	0.50	2.83	0.77
H+V	91	0.24	7.67	5.53	1.10	3.52	0.03	0.14	0.46	0.16	5.87	0.82	2.78	0.77
H+V	92	0.20	8.17	4.53	1.66	2.35	0.02	0.20	0.29	0.14	5.16	1.20	1.78	0.63
H+V	93	0.19	9.06	4.41	2.50	2.62	0.02	0.28	0.29	0.12	4.95	2.08	1.69	0.55
H+V	94	0.18	8.46	4.05	2.24	2.33	0.02	0.26	0.28	0.11	4.63	1.91	1.56	0.55
H+V	95	0.18	7.44	5.16	0.95	3.22	0.02	0.13	0.43	0.11	5.60	0.68	2.46	0.75
V	96	0.05	2.02	1.41	0.14	0.93	0.02	0.07	0.46	0.04	1.52	0.09	0.68	0.75
V	97	0.05	1.90	1.31	0.09	0.85	0.03	0.05	0.45	0.03	1.41	0.06	0.62	0.74
V	98	0.05	1.90	1.31	0.09	0.85	0.03	0.05	0.45	0.03	1.41	0.06	0.62	0.74
V	99	0.05	1.90	1.31	0.09	0.85	0.03	0.05	0.45	0.03	1.41	0.06	0.62	0.74
V	100	0.06	2.18	0.99	0.52	0.54	0.03	0.24	0.25	0.04	1.17	0.42	0.36	0.54
V	101	0.06	2.18	0.99	0.52	0.54	0.03	0.24	0.25	0.04	1.17	0.42	0.36	0.54
V	102	0.04	2.02	1.01	0.34	0.52	0.02	0.17	0.26	0.03	1.17	0.27	0.37	0.58
V	103	0.06	2.18	0.99	0.52	0.54	0.03	0.24	0.25	0.04	1.17	0.42	0.36	0.54
V	104	0.06	2.31	1.33	0.51	0.88	0.03	0.22	0.38	0.05	1.46	0.39	0.62	0.63
V	105	0.06	2.31	1.33	0.51	0.88	0.03	0.22	0.38	0.05	1.46	0.39	0.62	0.63
V	106	0.06	2.31	1.33	0.51	0.88	0.03	0.22	0.38	0.05	1.46	0.39	0.62	0.63
V	107	0.06	2.18	0.99	0.52	0.54	0.03	0.24	0.25	0.04	1.17	0.42	0.36	0.54
V	108	0.06	2.31	1.33	0.51	0.88	0.03	0.22	0.38	0.05	1.46	0.39	0.62	0.63
V	109	0.07	2.31	1.16	0.59	0.74	0.03	0.26	0.32	0.05	1.29	0.46	0.53	0.56
V	110	0.06	2.18	0.99	0.52	0.54	0.03	0.24	0.25	0.04	1.17	0.42	0.36	0.54

V	111	0.07	2.31	1.16	0.59	0.74	0.03	0.26	0.32	0.05	1.29	0.46	0.53	0.56
V	112	0.05	1.90	1.31	0.09	0.85	0.03	0.05	0.45	0.03	1.41	0.06	0.62	0.74
V	113	0.07	2.31	1.16	0.59	0.74	0.03	0.26	0.32	0.05	1.29	0.46	0.53	0.56
H	114	0.03	1.80	1.23	0.14	0.79	0.02	0.08	0.44	0.02	1.31	0.10	0.61	0.73
H	115	0.03	1.83	1.34	0.09	0.88	0.02	0.05	0.48	0.02	1.42	0.07	0.66	0.78
H	116	0.03	1.83	1.34	0.09	0.88	0.02	0.05	0.48	0.02	1.42	0.07	0.66	0.78
H	117	0.03	1.83	1.34	0.09	0.88	0.02	0.05	0.48	0.02	1.42	0.07	0.66	0.78
H	118	0.05	2.16	1.08	0.26	0.69	0.02	0.12	0.32	0.03	1.23	0.20	0.45	0.57
H	119	0.05	2.16	1.08	0.26	0.69	0.02	0.12	0.32	0.03	1.23	0.20	0.45	0.57
H	120	0.04	2.12	1.26	0.21	0.82	0.02	0.10	0.39	0.03	1.37	0.17	0.57	0.65
H	121	0.05	2.16	1.08	0.26	0.69	0.02	0.12	0.32	0.03	1.23	0.20	0.45	0.57
H	122	0.03	1.95	0.93	0.23	0.53	0.02	0.12	0.27	0.02	1.07	0.17	0.39	0.55
H	123	0.03	1.95	0.93	0.23	0.53	0.02	0.12	0.27	0.02	1.07	0.17	0.39	0.55
H	124	0.03	1.95	0.93	0.23	0.53	0.02	0.12	0.27	0.02	1.07	0.17	0.39	0.55
H	125	0.05	2.16	1.08	0.26	0.69	0.02	0.12	0.32	0.03	1.23	0.20	0.45	0.57
H	126	0.03	1.95	0.93	0.23	0.53	0.02	0.12	0.27	0.02	1.07	0.17	0.39	0.55
H	127	0.04	2.08	0.92	0.26	0.52	0.02	0.13	0.25	0.03	1.10	0.19	0.34	0.53
H	128	0.05	2.16	1.08	0.26	0.69	0.02	0.12	0.32	0.03	1.23	0.20	0.45	0.57
H	129	0.04	2.08	0.92	0.26	0.52	0.02	0.13	0.25	0.03	1.10	0.19	0.34	0.53
H	130	0.03	1.83	1.34	0.09	0.88	0.02	0.05	0.48	0.02	1.42	0.07	0.66	0.78
H	131	0.04	2.08	0.92	0.26	0.52	0.02	0.13	0.25	0.03	1.10	0.19	0.34	0.53
H+V	132	0.12	4.26	3.10	0.38	1.78	0.03	0.09	0.42	0.09	3.28	0.25	1.35	0.77
H+V	133	0.13	3.92	3.07	0.22	1.86	0.03	0.06	0.47	0.10	3.22	0.15	1.34	0.82
H+V	134	0.13	3.92	3.07	0.22	1.86	0.03	0.06	0.47	0.10	3.22	0.15	1.34	0.82
H+V	135	0.13	3.92	3.07	0.22	1.86	0.03	0.06	0.47	0.10	3.22	0.15	1.34	0.82
H+V	136	0.15	4.84	2.44	1.16	1.17	0.03	0.24	0.24	0.09	2.82	0.92	0.82	0.58
H+V	137	0.15	4.84	2.44	1.16	1.17	0.03	0.24	0.24	0.09	2.82	0.92	0.82	0.58
H+V	138	0.14	4.46	2.68	0.82	1.50	0.03	0.18	0.34	0.09	2.97	0.68	1.08	0.67
H+V	139	0.15	4.84	2.44	1.16	1.17	0.03	0.24	0.24	0.09	2.82	0.92	0.82	0.58
H+V	140	0.11	4.90	2.72	1.01	1.62	0.02	0.21	0.33	0.08	3.02	0.77	1.16	0.62
H+V	141	0.11	4.90	2.72	1.01	1.62	0.02	0.21	0.33	0.08	3.02	0.77	1.16	0.62
H+V	142	0.11	4.90	2.72	1.01	1.62	0.02	0.21	0.33	0.08	3.02	0.77	1.16	0.62
H+V	143	0.15	4.84	2.44	1.16	1.17	0.03	0.24	0.24	0.09	2.82	0.92	0.82	0.58
H+V	144	0.11	4.90	2.72	1.01	1.62	0.02	0.21	0.33	0.08	3.02	0.77	1.16	0.62
H+V	145	0.14	5.03	2.41	1.24	1.31	0.03	0.25	0.26	0.08	2.82	0.97	0.89	0.56
H+V	146	0.15	4.84	2.44	1.16	1.17	0.03	0.24	0.24	0.09	2.82	0.92	0.82	0.58
H+V	147	0.14	5.03	2.41	1.24	1.31	0.03	0.25	0.26	0.08	2.82	0.97	0.89	0.56
H+V	148	0.09	4.21	2.74	0.78	1.45	0.02	0.19	0.34	0.06	3.00	0.61	0.99	0.71
H+V	149	0.14	5.03	2.41	1.24	1.31	0.03	0.25	0.26	0.08	2.82	0.97	0.89	0.56
V	150	0.03	1.09	0.59	0.15	0.38	0.03	0.14	0.35	0.02	0.67	0.11	0.26	0.61
V	151	0.02	1.12	0.63	0.17	0.34	0.02	0.15	0.30	0.01	0.70	0.14	0.23	0.63
H	152	0.02	1.06	0.61	0.13	0.33	0.02	0.12	0.31	0.01	0.68	0.10	0.22	0.64

H	153	0.01	1.01	0.60	0.04	0.37	0.01	0.04	0.37	0.01	0.66	0.04	0.25	0.65
H+V	154	0.08	2.27	1.49	0.39	0.76	0.04	0.17	0.33	0.05	1.63	0.29	0.52	0.72
H+V	155	0.04	2.34	1.31	0.32	0.73	0.02	0.14	0.31	0.03	1.47	0.25	0.51	0.63

Table 2-6 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n260 Mid Channel.

PD Simulation (W/m ²)		Mid channel												
		2mm					4.86%	28.15%	60.26%	5mm				84.89%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.13	5.36	4.32	0.13	3.23	0.02	0.02	0.60	0.09	4.55	0.08	2.50	0.85
V	1	0.12	5.08	3.90	0.15	2.90	0.02	0.03	0.57	0.09	4.08	0.11	2.24	0.80
V	2	0.11	4.91	3.64	0.27	2.59	0.02	0.05	0.53	0.08	3.81	0.21	1.98	0.78
V	3	0.11	5.00	3.72	0.16	2.74	0.02	0.03	0.55	0.08	3.91	0.11	2.14	0.78
V	4	0.16	5.23	3.00	1.45	1.94	0.03	0.28	0.37	0.10	3.29	1.21	1.18	0.63
V	5	0.12	4.47	2.71	0.69	1.87	0.03	0.15	0.42	0.09	2.90	0.48	1.24	0.65
V	6	0.09	4.31	2.54	0.49	1.61	0.02	0.11	0.37	0.06	2.76	0.35	1.24	0.64
V	7	0.13	5.15	2.25	1.38	0.89	0.03	0.27	0.17	0.08	2.60	1.24	0.67	0.50
V	8	0.21	5.07	3.46	0.93	2.72	0.04	0.18	0.54	0.16	3.71	0.56	2.09	0.73
V	9	0.19	5.65	3.09	1.50	2.19	0.03	0.27	0.39	0.12	3.40	1.18	1.49	0.60
V	10	0.18	5.23	3.71	0.40	2.98	0.03	0.08	0.57	0.14	3.99	0.22	2.38	0.76
V	11	0.11	4.13	2.57	0.47	1.99	0.03	0.11	0.48	0.08	2.77	0.36	1.56	0.67
V	12	0.20	4.90	3.28	1.30	2.28	0.04	0.27	0.47	0.15	3.54	0.95	1.56	0.72
V	13	0.17	5.47	2.87	1.54	1.91	0.03	0.28	0.35	0.11	3.19	1.29	1.23	0.58
V	14	0.13	5.25	2.64	1.39	1.41	0.02	0.26	0.27	0.08	2.97	1.18	0.85	0.57
V	15	0.16	4.86	3.35	0.47	2.68	0.03	0.10	0.55	0.12	3.61	0.28	2.14	0.74
H	16	0.10	4.60	3.45	0.25	2.36	0.02	0.05	0.51	0.07	3.61	0.16	1.82	0.78
H	17	0.13	5.16	3.91	0.34	2.96	0.03	0.07	0.57	0.09	4.16	0.27	2.28	0.81
H	18	0.14	5.30	3.76	0.35	2.86	0.03	0.07	0.54	0.10	4.02	0.26	2.23	0.76
H	19	0.14	5.32	3.98	0.31	3.02	0.03	0.06	0.57	0.10	4.24	0.25	2.33	0.80
H	20	0.13	6.28	3.54	1.07	2.26	0.02	0.17	0.36	0.07	3.76	0.89	1.47	0.60
H	21	0.11	5.36	2.55	0.47	1.83	0.02	0.09	0.34	0.08	2.85	0.37	1.38	0.53
H	22	0.18	5.27	3.69	0.37	3.03	0.03	0.07	0.57	0.13	3.98	0.28	2.41	0.76
H	23	0.23	5.98	3.97	0.83	3.01	0.04	0.14	0.50	0.15	4.26	0.65	2.16	0.71
H	24	0.07	4.09	2.36	0.55	1.11	0.02	0.13	0.27	0.06	2.58	0.35	0.79	0.63
H	25	0.10	5.84	3.51	1.15	2.18	0.02	0.20	0.37	0.05	3.79	0.94	1.33	0.65
H	26	0.08	4.15	2.49	0.42	1.63	0.02	0.10	0.39	0.06	2.71	0.30	1.19	0.65
H	27	0.19	5.31	3.82	0.34	3.12	0.04	0.06	0.59	0.14	4.13	0.23	2.49	0.78
H	28	0.07	5.66	2.65	0.91	1.57	0.01	0.16	0.28	0.04	3.11	0.71	0.92	0.55
H	29	0.14	6.05	3.72	1.17	2.37	0.02	0.19	0.39	0.07	3.97	0.98	1.55	0.66
H	30	0.17	5.94	3.51	1.01	2.38	0.03	0.17	0.40	0.09	3.78	0.85	1.68	0.64

H	31	0.08	4.41	2.69	0.48	1.88	0.02	0.11	0.43	0.06	2.93	0.34	1.39	0.66
H+V	32	0.41	11.22	9.06	0.51	5.96	0.04	0.05	0.53	0.29	9.52	0.33	4.64	0.85
H+V	33	0.45	11.47	9.19	0.66	6.14	0.04	0.06	0.54	0.33	9.65	0.51	4.79	0.84
H+V	34	0.44	11.61	8.59	0.90	5.77	0.04	0.08	0.50	0.32	9.04	0.71	4.55	0.78
H+V	35	0.45	11.83	9.16	0.63	5.93	0.04	0.05	0.50	0.32	9.63	0.50	4.77	0.81
H+V	36	0.24	13.33	6.54	2.62	3.58	0.02	0.20	0.27	0.16	7.43	2.17	2.42	0.56
H+V	37	0.29	11.19	5.91	1.37	4.42	0.03	0.12	0.39	0.20	6.44	1.01	2.94	0.58
H+V	38	0.46	11.64	6.81	1.30	5.70	0.04	0.11	0.49	0.33	7.40	0.91	4.23	0.64
H+V	39	0.50	13.06	7.29	3.51	4.51	0.04	0.27	0.35	0.30	7.76	3.10	3.30	0.59
H+V	40	0.52	10.70	6.46	1.63	4.78	0.05	0.15	0.45	0.40	6.94	0.99	3.62	0.65
H+V	41	0.26	12.83	6.39	2.58	3.41	0.02	0.20	0.27	0.18	7.12	2.01	2.30	0.55
H+V	42	0.46	11.65	6.66	0.99	5.24	0.04	0.08	0.45	0.35	7.37	0.68	3.93	0.63
H+V	43	0.50	11.69	7.26	1.06	5.79	0.04	0.09	0.50	0.36	7.94	0.77	4.36	0.68
H+V	44	0.37	12.91	6.24	2.19	3.80	0.03	0.17	0.29	0.28	6.89	1.63	2.71	0.53
H+V	45	0.24	13.16	6.56	2.79	3.65	0.02	0.21	0.28	0.16	7.31	2.29	2.43	0.56
H+V	46	0.30	13.12	6.70	2.91	4.08	0.02	0.22	0.31	0.18	7.37	2.50	2.83	0.56
H+V	47	0.42	10.90	6.29	0.98	5.08	0.04	0.09	0.47	0.31	6.96	0.66	3.77	0.64
V	48	0.12	4.81	3.73	0.16	2.82	0.02	0.03	0.59	0.09	3.96	0.11	2.18	0.82
V	49	0.10	4.54	3.29	0.15	2.35	0.02	0.03	0.52	0.07	3.47	0.10	1.79	0.76
V	50	0.10	4.59	3.33	0.21	2.36	0.02	0.05	0.51	0.07	3.53	0.14	1.73	0.77
V	51	0.10	4.54	3.29	0.15	2.35	0.02	0.03	0.52	0.07	3.47	0.10	1.79	0.76
V	52	0.14	4.67	2.49	1.16	1.64	0.03	0.25	0.35	0.09	2.77	0.96	1.00	0.59
V	53	0.09	3.89	2.29	0.57	1.56	0.02	0.15	0.40	0.07	2.49	0.39	1.11	0.64
V	54	0.08	4.28	2.56	0.47	1.68	0.02	0.11	0.39	0.06	2.77	0.35	1.27	0.65
V	55	0.11	4.49	2.01	1.14	0.85	0.02	0.25	0.19	0.07	2.29	1.00	0.55	0.51
V	56	0.17	4.44	2.93	0.92	2.31	0.04	0.21	0.52	0.13	3.13	0.59	1.73	0.70
V	57	0.15	5.05	2.59	1.23	1.86	0.03	0.24	0.37	0.10	2.91	0.96	1.28	0.58
V	58	0.13	4.35	3.07	0.39	2.39	0.03	0.09	0.55	0.10	3.29	0.22	1.87	0.76
V	59	0.09	4.07	2.39	0.45	1.67	0.02	0.11	0.41	0.06	2.61	0.33	1.30	0.64
V	60	0.17	4.68	3.02	1.06	2.02	0.04	0.23	0.43	0.12	3.30	0.75	1.39	0.71
V	61	0.14	4.88	2.40	1.30	1.51	0.03	0.27	0.31	0.09	2.67	1.08	0.97	0.55
V	62	0.11	4.60	2.17	1.11	1.21	0.02	0.24	0.26	0.07	2.47	0.93	0.73	0.54
V	63	0.12	4.15	2.79	0.51	2.18	0.03	0.12	0.53	0.09	2.97	0.31	1.68	0.72
H	64	0.07	3.86	2.83	0.23	2.00	0.02	0.06	0.52	0.05	2.98	0.16	1.55	0.77
H	65	0.11	4.31	3.25	0.28	2.46	0.03	0.06	0.57	0.08	3.47	0.22	1.91	0.81
H	66	0.11	4.31	3.20	0.28	2.36	0.03	0.06	0.55	0.08	3.42	0.21	1.82	0.79
H	67	0.11	4.31	3.25	0.28	2.46	0.03	0.06	0.57	0.08	3.47	0.22	1.91	0.81
H	68	0.11	5.22	2.62	0.83	1.74	0.02	0.16	0.33	0.06	3.08	0.68	1.15	0.59
H	69	0.11	4.29	2.50	0.40	1.96	0.03	0.09	0.46	0.08	2.76	0.30	1.53	0.64
H	70	0.17	4.66	3.24	0.31	2.73	0.04	0.07	0.59	0.12	3.51	0.24	2.13	0.75
H	71	0.20	5.05	3.25	0.68	2.53	0.04	0.13	0.50	0.12	3.49	0.51	1.78	0.69
H	72	0.06	3.91	2.20	0.59	0.96	0.02	0.15	0.25	0.04	2.41	0.40	0.67	0.62

H	73	0.10	5.07	2.50	0.98	1.80	0.02	0.19	0.36	0.06	2.80	0.80	1.15	0.55
H	74	0.06	3.68	2.20	0.42	1.40	0.02	0.11	0.38	0.05	2.39	0.30	1.01	0.65
H	75	0.16	4.44	3.03	0.31	2.59	0.04	0.07	0.58	0.11	3.27	0.23	2.06	0.74
H	76	0.06	4.34	2.36	0.83	0.98	0.01	0.19	0.23	0.03	2.71	0.64	0.56	0.62
H	77	0.14	5.20	2.89	0.96	2.05	0.03	0.18	0.39	0.08	3.16	0.79	1.41	0.61
H	78	0.14	5.17	2.94	0.81	2.04	0.03	0.16	0.39	0.08	3.34	0.67	1.40	0.65
H	79	0.07	3.81	2.24	0.48	1.50	0.02	0.13	0.39	0.05	2.45	0.35	1.08	0.64
H+V	80	0.31	9.87	7.55	0.54	5.03	0.03	0.05	0.51	0.23	7.99	0.38	3.87	0.81
H+V	81	0.36	10.13	7.79	0.58	4.95	0.04	0.06	0.49	0.27	8.22	0.45	3.95	0.81
H+V	82	0.35	9.98	7.44	0.70	5.04	0.04	0.07	0.51	0.26	7.87	0.54	3.81	0.79
H+V	83	0.36	10.13	7.79	0.58	4.95	0.04	0.06	0.49	0.27	8.22	0.45	3.95	0.81
H+V	84	0.22	11.25	5.43	2.26	2.83	0.02	0.20	0.25	0.13	6.13	1.89	1.86	0.54
H+V	85	0.27	9.19	5.28	1.07	3.94	0.03	0.12	0.43	0.20	5.85	0.78	2.85	0.64
H+V	86	0.43	10.57	6.15	1.25	5.12	0.04	0.12	0.48	0.30	6.78	0.91	3.73	0.64
H+V	87	0.41	10.58	5.83	2.81	4.00	0.04	0.27	0.38	0.26	6.32	2.43	2.70	0.60
H+V	88	0.41	9.53	5.37	1.57	4.09	0.04	0.16	0.43	0.31	5.79	1.00	2.95	0.61
H+V	89	0.23	11.92	5.54	2.30	2.72	0.02	0.19	0.23	0.15	6.10	1.80	1.91	0.51
H+V	90	0.33	10.00	5.76	0.98	4.38	0.03	0.10	0.44	0.26	6.37	0.72	3.15	0.64
H+V	91	0.40	9.84	5.85	1.06	4.74	0.04	0.11	0.48	0.28	6.39	0.79	3.51	0.65
H+V	92	0.32	10.40	5.63	1.76	3.49	0.03	0.17	0.34	0.24	6.24	1.24	2.49	0.60
H+V	93	0.24	11.96	5.42	2.62	3.07	0.02	0.22	0.26	0.14	6.08	2.17	2.21	0.51
H+V	94	0.25	11.40	5.35	2.42	3.20	0.02	0.21	0.28	0.14	6.07	2.07	2.26	0.53
H+V	95	0.32	9.45	5.31	1.03	4.32	0.03	0.11	0.46	0.24	5.83	0.77	3.04	0.62
V	96	0.06	2.67	1.92	0.21	1.38	0.02	0.08	0.52	0.04	2.06	0.13	1.03	0.77
V	97	0.05	2.71	1.91	0.11	1.34	0.02	0.04	0.49	0.04	2.05	0.08	1.00	0.76
V	98	0.05	2.71	1.91	0.11	1.34	0.02	0.04	0.49	0.04	2.05	0.08	1.00	0.76
V	99	0.05	2.71	1.91	0.11	1.34	0.02	0.04	0.49	0.04	2.05	0.08	1.00	0.76
V	100	0.06	2.52	1.24	0.49	0.56	0.02	0.19	0.22	0.04	1.43	0.39	0.40	0.57
V	101	0.06	2.52	1.24	0.49	0.56	0.02	0.19	0.22	0.04	1.43	0.39	0.40	0.57
V	102	0.04	2.58	1.41	0.35	0.83	0.02	0.14	0.32	0.03	1.59	0.29	0.61	0.62
V	103	0.06	2.52	1.24	0.49	0.56	0.02	0.19	0.22	0.04	1.43	0.39	0.40	0.57
V	104	0.07	2.47	1.45	0.48	1.00	0.03	0.19	0.40	0.05	1.62	0.36	0.71	0.66
V	105	0.07	2.47	1.45	0.48	1.00	0.03	0.19	0.40	0.05	1.62	0.36	0.71	0.66
V	106	0.07	2.47	1.45	0.48	1.00	0.03	0.19	0.40	0.05	1.62	0.36	0.71	0.66
V	107	0.06	2.52	1.24	0.49	0.56	0.02	0.19	0.22	0.04	1.43	0.39	0.40	0.57
V	108	0.07	2.47	1.45	0.48	1.00	0.03	0.19	0.40	0.05	1.62	0.36	0.71	0.66
V	109	0.07	2.47	1.25	0.53	0.77	0.03	0.21	0.31	0.05	1.44	0.42	0.52	0.58
V	110	0.06	2.52	1.24	0.49	0.56	0.02	0.19	0.22	0.04	1.43	0.39	0.40	0.57
V	111	0.07	2.47	1.25	0.53	0.77	0.03	0.21	0.31	0.05	1.44	0.42	0.52	0.58
V	112	0.05	2.71	1.91	0.11	1.34	0.02	0.04	0.49	0.04	2.05	0.08	1.00	0.76
V	113	0.07	2.47	1.25	0.53	0.77	0.03	0.21	0.31	0.05	1.44	0.42	0.52	0.58
H	114	0.03	2.32	1.56	0.27	0.98	0.01	0.12	0.42	0.02	1.69	0.19	0.73	0.73

H	115	0.05	2.40	1.70	0.21	1.17	0.02	0.09	0.49	0.03	1.82	0.15	0.88	0.76
H	116	0.05	2.40	1.70	0.21	1.17	0.02	0.09	0.49	0.03	1.82	0.15	0.88	0.76
H	117	0.05	2.40	1.70	0.21	1.17	0.02	0.09	0.49	0.03	1.82	0.15	0.88	0.76
H	118	0.08	3.00	1.49	0.42	1.25	0.03	0.14	0.42	0.05	1.72	0.30	0.93	0.57
H	119	0.08	3.00	1.49	0.42	1.25	0.03	0.14	0.42	0.05	1.72	0.30	0.93	0.57
H	120	0.08	2.92	1.71	0.32	1.39	0.03	0.11	0.48	0.05	1.88	0.24	1.05	0.64
H	121	0.08	3.00	1.49	0.42	1.25	0.03	0.14	0.42	0.05	1.72	0.30	0.93	0.57
H	122	0.04	2.70	1.34	0.48	0.57	0.01	0.18	0.21	0.02	1.55	0.37	0.38	0.57
H	123	0.04	2.70	1.34	0.48	0.57	0.01	0.18	0.21	0.02	1.55	0.37	0.38	0.57
H	124	0.04	2.70	1.34	0.48	0.57	0.01	0.18	0.21	0.02	1.55	0.37	0.38	0.57
H	125	0.08	3.00	1.49	0.42	1.25	0.03	0.14	0.42	0.05	1.72	0.30	0.93	0.57
H	126	0.04	2.70	1.34	0.48	0.57	0.01	0.18	0.21	0.02	1.55	0.37	0.38	0.57
H	127	0.06	2.94	1.34	0.48	0.93	0.02	0.16	0.32	0.04	1.59	0.37	0.66	0.54
H	128	0.08	3.00	1.49	0.42	1.25	0.03	0.14	0.42	0.05	1.72	0.30	0.93	0.57
H	129	0.06	2.94	1.34	0.48	0.93	0.02	0.16	0.32	0.04	1.59	0.37	0.66	0.54
H	130	0.05	2.40	1.70	0.21	1.17	0.02	0.09	0.49	0.03	1.82	0.15	0.88	0.76
H	131	0.06	2.94	1.34	0.48	0.93	0.02	0.16	0.32	0.04	1.59	0.37	0.66	0.54
H+V	132	0.17	5.32	3.73	0.62	2.54	0.03	0.12	0.48	0.12	3.98	0.43	1.86	0.75
H+V	133	0.17	5.42	3.85	0.50	2.74	0.03	0.09	0.51	0.12	4.09	0.37	2.01	0.75
H+V	134	0.17	5.42	3.85	0.50	2.74	0.03	0.09	0.51	0.12	4.09	0.37	2.01	0.75
H+V	135	0.17	5.42	3.85	0.50	2.74	0.03	0.09	0.51	0.12	4.09	0.37	2.01	0.75
H+V	136	0.18	5.88	2.83	1.25	2.04	0.03	0.21	0.35	0.11	3.30	1.01	1.48	0.56
H+V	137	0.18	5.88	2.83	1.25	2.04	0.03	0.21	0.35	0.11	3.30	1.01	1.48	0.56
H+V	138	0.18	5.99	3.14	1.02	2.58	0.03	0.17	0.43	0.12	3.53	0.84	1.90	0.59
H+V	139	0.18	5.88	2.83	1.25	2.04	0.03	0.21	0.35	0.11	3.30	1.01	1.48	0.56
H+V	140	0.13	5.97	3.14	1.08	1.81	0.02	0.18	0.30	0.10	3.60	0.79	1.35	0.60
H+V	141	0.13	5.97	3.14	1.08	1.81	0.02	0.18	0.30	0.10	3.60	0.79	1.35	0.60
H+V	142	0.13	5.97	3.14	1.08	1.81	0.02	0.18	0.30	0.10	3.60	0.79	1.35	0.60
H+V	143	0.18	5.88	2.83	1.25	2.04	0.03	0.21	0.35	0.11	3.30	1.01	1.48	0.56
H+V	144	0.13	5.97	3.14	1.08	1.81	0.02	0.18	0.30	0.10	3.60	0.79	1.35	0.60
H+V	145	0.15	6.04	2.88	1.26	1.56	0.02	0.21	0.26	0.09	3.38	0.99	0.97	0.56
H+V	146	0.18	5.88	2.83	1.25	2.04	0.03	0.21	0.35	0.11	3.30	1.01	1.48	0.56
H+V	147	0.15	6.04	2.88	1.26	1.56	0.02	0.21	0.26	0.09	3.38	0.99	0.97	0.56
H+V	148	0.11	5.74	3.10	0.83	2.12	0.02	0.14	0.37	0.08	3.52	0.63	1.41	0.61
H+V	149	0.15	6.04	2.88	1.26	1.56	0.02	0.21	0.26	0.09	3.38	0.99	0.97	0.56
V	150	0.03	1.37	0.86	0.17	0.53	0.02	0.12	0.39	0.02	0.94	0.12	0.36	0.69
V	151	0.02	1.30	0.76	0.16	0.46	0.02	0.12	0.35	0.01	0.85	0.13	0.32	0.65
H	152	0.02	1.51	0.83	0.25	0.46	0.01	0.17	0.30	0.02	0.94	0.19	0.32	0.62
H	153	0.02	1.34	0.79	0.12	0.53	0.01	0.09	0.40	0.01	0.87	0.09	0.38	0.65
H+V	154	0.08	2.99	1.86	0.53	1.23	0.03	0.18	0.41	0.05	2.03	0.40	0.85	0.68
H+V	155	0.05	2.88	1.58	0.38	0.98	0.02	0.13	0.34	0.03	1.78	0.27	0.71	0.62

Table 2-7 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n260 High Channel.

PD Simulation (W/m ²)		High channel												
		2mm					4.79%	28.76%	58.85%	5mm				81.24%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.14	5.58	3.99	0.19	2.90	0.03	0.03	0.52	0.10	4.22	0.11	2.11	0.76
V	1	0.09	5.63	3.91	0.18	2.25	0.02	0.03	0.40	0.07	4.18	0.13	1.62	0.74
V	2	0.08	5.52	3.63	0.32	1.99	0.01	0.06	0.36	0.06	3.89	0.21	1.31	0.70
V	3	0.07	5.49	3.73	0.18	1.99	0.01	0.03	0.36	0.05	4.00	0.12	1.40	0.73
V	4	0.25	5.72	3.37	1.63	2.50	0.04	0.28	0.44	0.16	3.66	1.39	1.61	0.64
V	5	0.15	5.43	3.00	0.76	2.08	0.03	0.14	0.38	0.11	3.25	0.54	1.38	0.60
V	6	0.07	4.35	2.61	0.65	1.37	0.02	0.15	0.31	0.05	2.83	0.50	0.90	0.65
V	7	0.16	5.57	2.53	1.52	1.24	0.03	0.27	0.22	0.10	2.93	1.35	0.79	0.53
V	8	0.21	5.59	3.70	0.93	2.74	0.04	0.17	0.49	0.16	3.99	0.61	2.12	0.71
V	9	0.29	6.05	3.37	1.74	2.66	0.05	0.29	0.44	0.20	3.68	1.39	1.88	0.61
V	10	0.20	5.08	3.62	0.38	2.64	0.04	0.07	0.52	0.15	3.88	0.28	2.05	0.76
V	11	0.07	4.26	2.71	0.60	1.46	0.02	0.14	0.34	0.05	2.93	0.44	0.95	0.69
V	12	0.27	5.78	3.60	1.48	2.75	0.05	0.26	0.48	0.20	3.90	1.13	1.98	0.67
V	13	0.27	5.86	3.16	1.68	2.37	0.05	0.29	0.40	0.18	3.48	1.41	1.58	0.59
V	14	0.20	5.81	3.07	1.50	1.95	0.03	0.26	0.34	0.12	3.38	1.30	1.20	0.58
V	15	0.17	4.97	3.36	0.47	2.35	0.03	0.09	0.47	0.13	3.60	0.35	1.79	0.72
H	16	0.07	5.67	3.72	0.29	2.18	0.01	0.05	0.38	0.05	4.03	0.21	1.54	0.71
H	17	0.15	5.42	4.00	0.24	3.03	0.03	0.04	0.56	0.11	4.20	0.18	2.24	0.77
H	18	0.13	5.36	3.78	0.29	2.71	0.02	0.05	0.51	0.10	4.02	0.21	2.07	0.75
H	19	0.15	5.35	3.94	0.24	2.96	0.03	0.04	0.55	0.11	4.15	0.19	2.22	0.78
H	20	0.16	5.99	3.32	0.84	2.72	0.03	0.14	0.45	0.08	3.58	0.72	1.81	0.60
H	21	0.11	5.49	2.74	0.54	1.97	0.02	0.10	0.36	0.08	3.07	0.41	1.44	0.56
H	22	0.18	4.93	3.52	0.44	2.75	0.04	0.09	0.56	0.13	3.79	0.38	2.11	0.77
H	23	0.25	5.73	3.52	0.97	2.84	0.04	0.17	0.50	0.17	3.83	0.79	2.10	0.67
H	24	0.07	4.85	2.42	0.55	1.28	0.01	0.11	0.26	0.05	2.66	0.37	0.89	0.55
H	25	0.13	6.23	3.76	0.85	2.97	0.02	0.14	0.48	0.06	4.11	0.70	1.87	0.66
H	26	0.08	4.62	2.78	0.45	1.45	0.02	0.10	0.31	0.06	3.05	0.33	0.99	0.66
H	27	0.16	4.85	3.70	0.39	2.84	0.03	0.08	0.59	0.12	3.94	0.29	2.16	0.81
H	28	0.09	6.38	3.17	0.72	2.20	0.01	0.11	0.34	0.05	3.64	0.51	1.27	0.57
H	29	0.17	5.93	3.65	0.93	3.02	0.03	0.16	0.51	0.08	3.92	0.78	1.98	0.66
H	30	0.22	5.82	3.06	0.88	2.72	0.04	0.15	0.47	0.13	3.46	0.76	1.94	0.59
H	31	0.08	4.85	3.02	0.44	1.70	0.02	0.09	0.35	0.05	3.26	0.31	1.15	0.67
H+V	32	0.38	12.74	8.40	0.55	5.21	0.03	0.04	0.41	0.28	8.78	0.38	3.66	0.69
H+V	33	0.42	11.86	8.85	0.46	5.46	0.04	0.04	0.46	0.31	9.15	0.35	4.04	0.77
H+V	34	0.39	11.43	8.38	0.70	4.78	0.03	0.06	0.42	0.29	8.73	0.53	3.60	0.76

H+V	35	0.39	11.55	8.62	0.47	5.14	0.03	0.04	0.45	0.29	8.94	0.36	3.80	0.77
H+V	36	0.34	13.71	5.86	2.40	4.19	0.02	0.18	0.31	0.23	6.73	2.03	2.90	0.49
H+V	37	0.29	11.55	6.27	1.96	5.05	0.03	0.17	0.44	0.21	6.78	1.51	3.34	0.59
H+V	38	0.42	10.58	6.93	1.70	4.97	0.04	0.16	0.47	0.31	7.55	1.44	3.49	0.71
H+V	39	0.49	14.08	6.55	3.69	4.89	0.03	0.26	0.35	0.33	7.24	3.07	3.40	0.51
H+V	40	0.49	11.32	6.86	1.60	5.43	0.04	0.14	0.48	0.37	7.52	1.02	3.89	0.66
H+V	41	0.35	13.75	6.07	2.66	4.95	0.03	0.19	0.36	0.25	6.88	2.15	3.18	0.50
H+V	42	0.47	11.10	7.26	1.33	5.25	0.04	0.12	0.47	0.35	7.97	0.94	3.71	0.72
H+V	43	0.39	10.07	7.28	1.43	4.84	0.04	0.14	0.48	0.29	7.79	1.04	3.49	0.77
H+V	44	0.36	14.14	6.51	2.26	4.55	0.03	0.16	0.32	0.28	7.24	1.68	3.14	0.51
H+V	45	0.35	13.74	5.97	2.59	4.53	0.03	0.19	0.33	0.25	6.81	2.12	3.10	0.50
H+V	46	0.33	13.10	5.89	2.61	3.74	0.03	0.20	0.29	0.20	6.69	2.05	2.63	0.51
H+V	47	0.43	10.66	7.01	1.49	5.07	0.04	0.14	0.48	0.31	7.61	1.01	3.41	0.71
V	48	0.12	4.72	3.41	0.20	2.51	0.03	0.04	0.53	0.09	3.62	0.12	1.84	0.77
V	49	0.06	4.83	3.36	0.15	1.86	0.01	0.03	0.39	0.04	3.60	0.09	1.31	0.75
V	50	0.07	4.76	3.38	0.26	1.93	0.01	0.05	0.41	0.05	3.61	0.14	1.32	0.76
V	51	0.06	4.83	3.36	0.15	1.86	0.01	0.03	0.39	0.04	3.60	0.09	1.31	0.75
V	52	0.18	5.00	2.85	1.24	1.93	0.04	0.25	0.39	0.12	3.11	1.04	1.19	0.62
V	53	0.08	4.35	2.38	0.63	1.41	0.02	0.14	0.32	0.06	2.59	0.44	0.99	0.60
V	54	0.07	4.37	2.49	0.53	1.36	0.02	0.12	0.31	0.05	2.69	0.44	0.90	0.62
V	55	0.12	4.75	2.09	1.17	0.95	0.03	0.25	0.20	0.08	2.47	1.03	0.61	0.52
V	56	0.17	4.84	3.14	0.97	2.38	0.04	0.20	0.49	0.13	3.36	0.68	1.75	0.69
V	57	0.21	5.29	2.84	1.42	2.21	0.04	0.27	0.42	0.15	3.13	1.13	1.54	0.59
V	58	0.15	4.43	3.03	0.41	2.15	0.03	0.09	0.49	0.11	3.25	0.28	1.61	0.73
V	59	0.07	4.33	2.38	0.53	1.33	0.02	0.12	0.31	0.05	2.59	0.39	0.88	0.60
V	60	0.20	5.20	3.20	1.24	2.21	0.04	0.24	0.43	0.14	3.51	0.94	1.54	0.68
V	61	0.19	5.16	2.65	1.38	1.87	0.04	0.27	0.36	0.13	2.94	1.15	1.22	0.57
V	62	0.15	5.01	2.54	1.15	1.50	0.03	0.23	0.30	0.09	2.82	0.98	0.91	0.56
V	63	0.14	4.61	2.91	0.53	2.06	0.03	0.11	0.45	0.10	3.16	0.37	1.52	0.69
H	64	0.05	4.86	3.09	0.27	1.77	0.01	0.06	0.36	0.04	3.34	0.20	1.20	0.69
H	65	0.14	4.62	3.28	0.19	2.47	0.03	0.04	0.53	0.10	3.47	0.14	1.79	0.75
H	66	0.12	4.50	3.25	0.22	2.26	0.03	0.05	0.50	0.09	3.44	0.15	1.67	0.76
H	67	0.14	4.62	3.28	0.19	2.47	0.03	0.04	0.53	0.10	3.47	0.14	1.79	0.75
H	68	0.14	5.01	2.57	0.73	1.98	0.03	0.15	0.40	0.08	2.94	0.60	1.33	0.59
H	69	0.10	4.39	2.62	0.43	1.86	0.02	0.10	0.42	0.07	2.86	0.33	1.40	0.65
H	70	0.16	4.35	3.18	0.35	2.56	0.04	0.08	0.59	0.11	3.39	0.29	1.97	0.78
H	71	0.20	4.70	2.93	0.81	2.40	0.04	0.17	0.51	0.13	3.21	0.64	1.70	0.68
H	72	0.05	4.23	2.21	0.56	1.04	0.01	0.13	0.25	0.03	2.44	0.39	0.70	0.58
H	73	0.14	5.21	2.74	0.79	2.35	0.03	0.15	0.45	0.07	3.06	0.65	1.55	0.59
H	74	0.06	4.22	2.46	0.51	1.23	0.01	0.12	0.29	0.04	2.71	0.36	0.80	0.64
H	75	0.15	4.27	3.03	0.40	2.42	0.04	0.09	0.57	0.11	3.23	0.30	1.87	0.76
H	76	0.08	4.80	2.38	0.62	1.52	0.02	0.13	0.32	0.04	2.69	0.46	0.82	0.56

H	77	0.18	5.15	2.85	0.87	2.40	0.03	0.17	0.47	0.10	3.14	0.72	1.67	0.61
H	78	0.19	4.98	2.83	0.75	2.28	0.04	0.15	0.46	0.12	3.18	0.61	1.55	0.64
H	79	0.06	4.30	2.49	0.51	1.37	0.01	0.12	0.32	0.04	2.74	0.37	0.91	0.64
H+V	80	0.30	10.54	7.00	0.58	4.48	0.03	0.06	0.43	0.23	7.32	0.39	3.09	0.69
H+V	81	0.33	10.42	7.23	0.39	4.35	0.03	0.04	0.42	0.24	7.50	0.28	3.10	0.72
H+V	82	0.33	10.21	7.11	0.50	4.45	0.03	0.05	0.44	0.24	7.41	0.35	3.06	0.73
H+V	83	0.33	10.42	7.23	0.39	4.35	0.03	0.04	0.42	0.24	7.50	0.28	3.10	0.72
H+V	84	0.24	11.45	5.25	2.16	3.11	0.02	0.19	0.27	0.16	6.02	1.66	2.11	0.53
H+V	85	0.23	9.35	5.31	1.63	3.98	0.02	0.17	0.43	0.16	5.84	1.16	2.68	0.62
H+V	86	0.39	9.49	6.36	1.49	4.74	0.04	0.16	0.50	0.28	6.89	1.27	3.38	0.73
H+V	87	0.38	11.75	5.46	2.92	4.20	0.03	0.25	0.36	0.26	6.11	2.43	2.87	0.52
H+V	88	0.35	10.32	6.24	1.75	4.31	0.03	0.17	0.42	0.27	6.82	1.18	3.07	0.66
H+V	89	0.26	12.69	5.13	2.18	3.71	0.02	0.17	0.29	0.17	5.92	1.77	2.48	0.47
H+V	90	0.36	10.07	6.45	1.54	4.30	0.04	0.15	0.43	0.27	7.09	1.08	3.00	0.70
H+V	91	0.38	9.11	6.13	1.55	4.36	0.04	0.17	0.48	0.27	6.59	1.15	3.13	0.72
H+V	92	0.26	11.17	6.00	1.97	3.63	0.02	0.18	0.32	0.20	6.77	1.44	2.49	0.61
H+V	93	0.28	12.67	5.22	2.53	3.44	0.02	0.20	0.27	0.18	5.97	1.94	2.43	0.47
H+V	94	0.31	11.67	5.29	2.28	3.35	0.03	0.20	0.29	0.18	6.03	1.78	2.24	0.52
H+V	95	0.35	10.30	6.27	1.73	4.37	0.03	0.17	0.42	0.25	6.92	1.21	3.01	0.67
V	96	0.06	2.50	1.89	0.28	1.28	0.02	0.11	0.51	0.05	2.00	0.17	0.94	0.80
V	97	0.04	2.54	1.89	0.15	1.24	0.02	0.06	0.49	0.03	2.01	0.08	0.91	0.79
V	98	0.04	2.54	1.89	0.15	1.24	0.02	0.06	0.49	0.03	2.01	0.08	0.91	0.79
V	99	0.04	2.54	1.89	0.15	1.24	0.02	0.06	0.49	0.03	2.01	0.08	0.91	0.79
V	100	0.05	2.76	1.41	0.54	0.54	0.02	0.20	0.20	0.03	1.62	0.43	0.36	0.59
V	101	0.05	2.76	1.41	0.54	0.54	0.02	0.20	0.20	0.03	1.62	0.43	0.36	0.59
V	102	0.04	2.70	1.52	0.40	0.80	0.01	0.15	0.30	0.03	1.71	0.32	0.55	0.63
V	103	0.05	2.76	1.41	0.54	0.54	0.02	0.20	0.20	0.03	1.62	0.43	0.36	0.59
V	104	0.07	2.57	1.57	0.57	1.00	0.03	0.22	0.39	0.06	1.73	0.43	0.69	0.67
V	105	0.07	2.57	1.57	0.57	1.00	0.03	0.22	0.39	0.06	1.73	0.43	0.69	0.67
V	106	0.07	2.57	1.57	0.57	1.00	0.03	0.22	0.39	0.06	1.73	0.43	0.69	0.67
V	107	0.05	2.76	1.41	0.54	0.54	0.02	0.20	0.20	0.03	1.62	0.43	0.36	0.59
V	108	0.07	2.57	1.57	0.57	1.00	0.03	0.22	0.39	0.06	1.73	0.43	0.69	0.67
V	109	0.07	2.72	1.44	0.59	0.76	0.03	0.22	0.28	0.05	1.63	0.47	0.49	0.60
V	110	0.05	2.76	1.41	0.54	0.54	0.02	0.20	0.20	0.03	1.62	0.43	0.36	0.59
V	111	0.07	2.72	1.44	0.59	0.76	0.03	0.22	0.28	0.05	1.63	0.47	0.49	0.60
V	112	0.04	2.54	1.89	0.15	1.24	0.02	0.06	0.49	0.03	2.01	0.08	0.91	0.79
V	113	0.07	2.72	1.44	0.59	0.76	0.03	0.22	0.28	0.05	1.63	0.47	0.49	0.60
H	114	0.03	2.63	1.61	0.27	0.92	0.01	0.10	0.35	0.02	1.76	0.19	0.64	0.67
H	115	0.04	2.50	1.71	0.20	1.14	0.02	0.08	0.46	0.03	1.83	0.15	0.83	0.73
H	116	0.04	2.50	1.71	0.20	1.14	0.02	0.08	0.46	0.03	1.83	0.15	0.83	0.73
H	117	0.04	2.50	1.71	0.20	1.14	0.02	0.08	0.46	0.03	1.83	0.15	0.83	0.73
H	118	0.07	2.92	1.52	0.47	1.22	0.02	0.16	0.42	0.05	1.74	0.35	0.87	0.60

H	119	0.07	2.92	1.52	0.47	1.22	0.02	0.16	0.42	0.05	1.74	0.35	0.87	0.60
H	120	0.06	2.72	1.67	0.35	1.30	0.02	0.13	0.48	0.05	1.83	0.27	0.97	0.67
H	121	0.07	2.92	1.52	0.47	1.22	0.02	0.16	0.42	0.05	1.74	0.35	0.87	0.60
H	122	0.05	2.97	1.42	0.51	0.78	0.02	0.17	0.26	0.03	1.66	0.37	0.51	0.56
H	123	0.05	2.97	1.42	0.51	0.78	0.02	0.17	0.26	0.03	1.66	0.37	0.51	0.56
H	124	0.05	2.97	1.42	0.51	0.78	0.02	0.17	0.26	0.03	1.66	0.37	0.51	0.56
H	125	0.07	2.92	1.52	0.47	1.22	0.02	0.16	0.42	0.05	1.74	0.35	0.87	0.60
H	126	0.05	2.97	1.42	0.51	0.78	0.02	0.17	0.26	0.03	1.66	0.37	0.51	0.56
H	127	0.06	3.03	1.41	0.53	1.03	0.02	0.17	0.34	0.04	1.66	0.39	0.69	0.55
H	128	0.07	2.92	1.52	0.47	1.22	0.02	0.16	0.42	0.05	1.74	0.35	0.87	0.60
H	129	0.06	3.03	1.41	0.53	1.03	0.02	0.17	0.34	0.04	1.66	0.39	0.69	0.55
H	130	0.04	2.50	1.71	0.20	1.14	0.02	0.08	0.46	0.03	1.83	0.15	0.83	0.73
H	131	0.06	3.03	1.41	0.53	1.03	0.02	0.17	0.34	0.04	1.66	0.39	0.69	0.55
H+V	132	0.14	5.34	3.60	0.61	2.31	0.03	0.11	0.43	0.11	3.86	0.42	1.63	0.72
H+V	133	0.13	5.20	3.74	0.43	2.51	0.03	0.08	0.48	0.09	3.96	0.31	1.78	0.76
H+V	134	0.13	5.20	3.74	0.43	2.51	0.03	0.08	0.48	0.09	3.96	0.31	1.78	0.76
H+V	135	0.13	5.20	3.74	0.43	2.51	0.03	0.08	0.48	0.09	3.96	0.31	1.78	0.76
H+V	136	0.16	6.64	3.23	1.58	2.12	0.02	0.24	0.32	0.11	3.76	1.18	1.47	0.57
H+V	137	0.16	6.64	3.23	1.58	2.12	0.02	0.24	0.32	0.11	3.76	1.18	1.47	0.57
H+V	138	0.15	5.92	3.29	1.16	2.42	0.03	0.20	0.41	0.11	3.68	0.91	1.73	0.62
H+V	139	0.16	6.64	3.23	1.58	2.12	0.02	0.24	0.32	0.11	3.76	1.18	1.47	0.57
H+V	140	0.13	6.67	3.57	1.44	1.62	0.02	0.22	0.24	0.10	3.92	1.02	1.14	0.59
H+V	141	0.13	6.67	3.57	1.44	1.62	0.02	0.22	0.24	0.10	3.92	1.02	1.14	0.59
H+V	142	0.13	6.67	3.57	1.44	1.62	0.02	0.22	0.24	0.10	3.92	1.02	1.14	0.59
H+V	143	0.16	6.64	3.23	1.58	2.12	0.02	0.24	0.32	0.11	3.76	1.18	1.47	0.57
H+V	144	0.13	6.67	3.57	1.44	1.62	0.02	0.22	0.24	0.10	3.92	1.02	1.14	0.59
H+V	145	0.14	7.01	3.36	1.70	1.66	0.02	0.24	0.24	0.09	3.89	1.23	1.09	0.55
H+V	146	0.16	6.64	3.23	1.58	2.12	0.02	0.24	0.32	0.11	3.76	1.18	1.47	0.57
H+V	147	0.14	7.01	3.36	1.70	1.66	0.02	0.24	0.24	0.09	3.89	1.23	1.09	0.55
H+V	148	0.10	5.77	3.24	0.91	1.81	0.02	0.16	0.31	0.07	3.62	0.70	1.21	0.63
H+V	149	0.14	7.01	3.36	1.70	1.66	0.02	0.24	0.24	0.09	3.89	1.23	1.09	0.55
V	150	0.02	1.31	0.89	0.22	0.46	0.02	0.17	0.35	0.02	0.96	0.16	0.31	0.73
V	151	0.02	1.36	0.79	0.16	0.46	0.01	0.12	0.34	0.02	0.89	0.12	0.31	0.65
H	152	0.02	1.55	0.87	0.28	0.47	0.01	0.18	0.30	0.01	0.98	0.20	0.32	0.63
H	153	0.02	1.36	0.80	0.09	0.49	0.01	0.07	0.36	0.02	0.88	0.07	0.33	0.65
H+V	154	0.06	3.17	1.92	0.66	1.11	0.02	0.21	0.35	0.04	2.13	0.49	0.74	0.67
H+V	155	0.04	3.00	1.64	0.38	0.96	0.01	0.13	0.32	0.03	1.84	0.30	0.62	0.61

Table 2-8 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n258 Low Channel.

PD Simulation (W/m ²)		Low channel												
		2mm					8.41%	40.61%	57.36%	5mm				89.04%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.27	5.23	4.05	0.33	3.00	0.05	0.06	0.57	0.19	4.32	0.25	2.28	0.83
V	1	0.20	5.17	4.06	0.12	2.70	0.04	0.02	0.52	0.14	4.30	0.10	1.99	0.83
V	2	0.23	6.03	3.33	1.81	1.94	0.04	0.30	0.32	0.14	3.81	1.48	1.29	0.63
V	3	0.18	4.88	2.71	1.64	1.42	0.04	0.34	0.29	0.11	3.05	1.38	0.93	0.63
V	4	0.24	4.99	3.36	0.19	1.56	0.05	0.04	0.31	0.10	3.68	0.16	0.97	0.74
V	5	0.25	5.64	4.15	0.94	2.86	0.04	0.17	0.51	0.17	4.46	0.68	2.11	0.79
V	6	0.12	5.66	4.21	0.14	2.09	0.02	0.02	0.37	0.07	4.53	0.10	1.46	0.80
V	7	0.18	5.17	3.26	1.27	1.96	0.03	0.25	0.38	0.11	3.63	1.04	1.37	0.70
V	8	0.27	3.21	1.71	0.38	1.06	0.08	0.12	0.33	0.10	1.97	0.30	0.74	0.61
V	9	0.22	5.77	3.92	1.47	2.44	0.04	0.25	0.42	0.15	4.27	1.16	1.72	0.74
V	10	0.14	5.50	3.96	0.10	1.78	0.03	0.02	0.32	0.06	4.29	0.07	1.18	0.78
V	11	0.13	5.39	4.04	0.19	2.16	0.02	0.04	0.40	0.08	4.31	0.15	1.51	0.80
V	12	0.23	4.48	2.93	0.77	2.10	0.05	0.17	0.47	0.14	3.17	0.60	1.54	0.71
V	13	0.17	4.65	2.69	1.39	1.53	0.04	0.30	0.33	0.10	2.96	1.15	1.05	0.64
V	14	0.30	4.35	2.50	0.36	1.38	0.07	0.08	0.32	0.12	2.80	0.29	0.79	0.64
V	15	0.21	5.09	3.51	1.12	2.34	0.04	0.22	0.46	0.15	3.79	0.84	1.74	0.74
H	16	0.23	5.25	4.13	0.20	2.69	0.04	0.04	0.51	0.17	4.39	0.13	2.00	0.84
H	17	0.23	4.66	3.57	0.34	2.56	0.05	0.07	0.55	0.16	3.78	0.28	1.91	0.81
H	18	0.16	4.23	2.90	1.12	1.23	0.04	0.26	0.29	0.10	3.12	0.80	0.77	0.74
H	19	0.09	3.42	2.08	1.27	0.83	0.03	0.37	0.24	0.04	2.27	1.04	0.50	0.66
H	20	0.17	6.13	3.49	0.34	2.38	0.03	0.06	0.39	0.09	3.96	0.21	1.52	0.65
H	21	0.15	5.13	3.92	0.81	1.69	0.03	0.16	0.33	0.11	4.21	0.47	1.15	0.82
H	22	0.20	5.17	4.07	0.55	2.65	0.04	0.11	0.51	0.13	4.32	0.41	1.97	0.84
H	23	0.10	4.10	2.89	1.46	1.12	0.02	0.36	0.27	0.05	3.19	1.11	0.66	0.78
H	24	0.16	5.47	2.89	0.21	1.60	0.03	0.04	0.29	0.09	3.39	0.15	0.83	0.62
H	25	0.17	5.28	3.97	1.52	1.57	0.03	0.29	0.30	0.10	4.27	1.00	1.05	0.81
H	26	0.18	5.23	3.92	0.60	2.31	0.03	0.11	0.44	0.11	4.22	0.42	1.63	0.81
H	27	0.23	5.06	4.08	0.34	2.64	0.05	0.07	0.52	0.14	4.32	0.28	1.91	0.85
H	28	0.17	5.18	3.95	0.47	2.05	0.03	0.09	0.40	0.12	4.23	0.27	1.45	0.82
H	29	0.09	3.81	2.43	1.39	0.98	0.02	0.36	0.26	0.04	2.70	1.14	0.53	0.71
H	30	0.13	5.39	2.74	0.33	1.68	0.02	0.06	0.31	0.07	3.19	0.19	0.96	0.59
H	31	0.16	5.23	4.00	0.93	1.65	0.03	0.18	0.32	0.10	4.27	0.56	1.10	0.82
H+V	32	0.97	12.87	10.32	0.78	6.20	0.08	0.06	0.48	0.69	10.90	0.59	4.56	0.85
H+V	33	0.80	12.14	10.08	0.61	6.21	0.07	0.05	0.51	0.57	10.51	0.48	4.40	0.87
H+V	34	0.53	15.16	9.64	4.96	4.91	0.03	0.33	0.32	0.28	10.53	3.99	3.15	0.69

H+V	35	0.44	13.15	7.69	5.24	4.10	0.03	0.40	0.31	0.22	8.58	4.38	2.30	0.65
H+V	36	0.66	16.51	10.56	0.69	6.48	0.04	0.04	0.39	0.30	11.64	0.51	4.19	0.71
H+V	37	0.73	13.59	10.97	2.54	6.18	0.05	0.19	0.45	0.49	11.59	1.57	4.31	0.85
H+V	38	0.57	14.17	11.88	0.76	6.50	0.04	0.05	0.46	0.30	12.46	0.56	4.67	0.88
H+V	39	0.42	13.24	8.83	4.60	4.93	0.03	0.35	0.37	0.24	9.58	3.71	3.11	0.72
H+V	40	0.71	12.02	6.49	0.81	4.21	0.06	0.07	0.35	0.30	7.38	0.61	2.33	0.61
H+V	41	0.62	15.59	11.54	4.80	6.13	0.04	0.31	0.39	0.38	12.32	3.49	4.26	0.79
H+V	42	0.56	14.84	11.72	0.90	5.78	0.04	0.06	0.39	0.27	12.41	0.66	4.18	0.84
H+V	43	0.66	13.32	11.39	0.64	6.18	0.05	0.05	0.46	0.38	11.86	0.50	4.34	0.89
H+V	44	0.75	11.27	8.94	1.92	5.28	0.07	0.17	0.47	0.50	9.41	1.29	3.70	0.83
H+V	45	0.42	12.71	8.02	4.95	4.32	0.03	0.39	0.34	0.21	8.77	4.10	2.73	0.69
H+V	46	0.72	14.27	7.89	0.87	5.08	0.05	0.06	0.36	0.30	8.93	0.67	3.02	0.63
H+V	47	0.65	13.28	10.35	3.24	5.64	0.05	0.24	0.42	0.41	10.94	2.17	4.03	0.82
V	48	0.22	4.30	3.12	0.17	2.39	0.05	0.04	0.56	0.16	3.35	0.11	1.80	0.78
V	49	0.23	4.81	3.62	0.18	2.56	0.05	0.04	0.53	0.16	3.85	0.14	1.94	0.80
V	50	0.17	4.93	2.90	1.33	1.68	0.03	0.27	0.34	0.11	3.28	1.07	1.12	0.67
V	51	0.12	3.61	2.06	1.12	1.05	0.03	0.31	0.29	0.07	2.33	0.91	0.71	0.65
V	52	0.14	4.12	2.60	0.29	1.28	0.03	0.07	0.31	0.07	2.91	0.23	0.83	0.71
V	53	0.23	5.27	3.52	1.14	2.40	0.04	0.22	0.46	0.16	3.87	0.88	1.71	0.73
V	54	0.13	5.05	3.63	0.11	1.86	0.03	0.02	0.37	0.09	3.94	0.08	1.35	0.78
V	55	0.15	4.21	2.53	1.18	1.40	0.04	0.28	0.33	0.09	2.80	0.96	0.95	0.67
V	56	0.16	3.14	1.54	0.38	0.95	0.05	0.12	0.30	0.07	1.78	0.29	0.60	0.57
V	57	0.20	5.38	3.32	1.46	1.95	0.04	0.27	0.36	0.13	3.72	1.17	1.33	0.69
V	58	0.11	4.65	3.31	0.20	1.50	0.02	0.04	0.32	0.06	3.64	0.17	1.01	0.78
V	59	0.15	4.93	3.58	0.17	1.99	0.03	0.03	0.40	0.09	3.89	0.12	1.44	0.79
V	60	0.22	4.97	3.40	1.12	2.32	0.04	0.23	0.47	0.15	3.71	0.89	1.64	0.75
V	61	0.12	3.61	2.06	1.12	1.05	0.03	0.31	0.29	0.07	2.33	0.91	0.71	0.65
V	62	0.16	3.58	2.07	0.44	1.09	0.04	0.12	0.30	0.08	2.36	0.35	0.66	0.66
V	63	0.23	5.66	3.63	1.50	2.32	0.04	0.27	0.41	0.16	4.01	1.19	1.63	0.71
H	64	0.23	4.65	3.54	0.21	2.20	0.05	0.05	0.47	0.17	3.76	0.11	1.64	0.81
H	65	0.20	3.84	2.85	0.31	2.04	0.05	0.08	0.53	0.15	3.00	0.24	1.54	0.78
H	66	0.17	4.42	3.30	1.15	1.42	0.04	0.26	0.32	0.10	3.53	0.76	0.95	0.80
H	67	0.06	3.09	2.00	1.22	0.83	0.02	0.39	0.27	0.03	2.16	0.98	0.44	0.70
H	68	0.12	4.50	2.35	0.48	1.43	0.03	0.11	0.32	0.07	2.71	0.29	0.96	0.60
H	69	0.15	4.30	3.04	0.74	1.31	0.03	0.17	0.30	0.10	3.32	0.46	0.92	0.77
H	70	0.15	4.15	3.01	0.50	1.94	0.04	0.12	0.47	0.10	3.24	0.40	1.39	0.78
H	71	0.07	3.27	2.14	1.26	0.88	0.02	0.39	0.27	0.03	2.32	0.97	0.49	0.71
H	72	0.11	4.21	1.87	0.23	1.17	0.03	0.05	0.28	0.06	2.19	0.16	0.68	0.52
H	73	0.14	4.17	3.04	1.32	1.19	0.03	0.32	0.29	0.08	3.28	0.90	0.77	0.79
H	74	0.13	3.94	2.73	0.60	1.61	0.03	0.15	0.41	0.08	2.99	0.47	1.07	0.76
H	75	0.19	4.08	3.09	0.33	1.99	0.05	0.08	0.49	0.13	3.28	0.27	1.43	0.80
H	76	0.20	4.73	3.49	0.58	1.78	0.04	0.12	0.38	0.14	3.73	0.33	1.29	0.79

H	77	0.06	3.09	2.00	1.22	0.83	0.02	0.39	0.27	0.03	2.16	0.98	0.44	0.70
H	78	0.10	4.00	2.43	0.44	1.07	0.03	0.11	0.27	0.06	2.66	0.26	0.65	0.67
H	79	0.16	4.29	3.09	0.90	1.29	0.04	0.21	0.30	0.10	3.33	0.57	0.89	0.78
H+V	80	0.85	10.58	8.41	0.58	4.92	0.08	0.05	0.47	0.61	8.87	0.33	3.71	0.84
H+V	81	0.79	10.11	8.42	0.81	5.43	0.08	0.08	0.54	0.56	8.73	0.64	3.92	0.86
H+V	82	0.54	13.13	9.10	4.13	4.70	0.04	0.31	0.36	0.30	9.93	3.15	3.19	0.76
H+V	83	0.31	10.17	6.33	4.13	3.36	0.03	0.41	0.33	0.15	6.93	3.36	2.03	0.68
H+V	84	0.38	12.67	7.60	0.96	4.38	0.03	0.08	0.35	0.21	8.49	0.75	2.87	0.67
H+V	85	0.67	11.80	8.73	2.97	4.90	0.06	0.25	0.42	0.42	9.30	2.09	3.42	0.79
H+V	86	0.50	11.92	9.40	0.91	5.03	0.04	0.08	0.42	0.31	9.94	0.74	3.49	0.83
H+V	87	0.34	10.63	6.96	4.18	3.67	0.03	0.39	0.35	0.18	7.55	3.35	2.36	0.71
H+V	88	0.42	10.36	5.30	0.89	3.40	0.04	0.09	0.33	0.20	6.01	0.69	2.11	0.58
H+V	89	0.54	13.19	9.22	4.60	4.82	0.04	0.35	0.37	0.30	9.99	3.51	3.33	0.76
H+V	90	0.43	11.93	8.79	1.29	4.16	0.04	0.11	0.35	0.24	9.49	1.05	2.79	0.80
H+V	91	0.63	11.30	9.16	0.73	4.90	0.06	0.06	0.43	0.40	9.63	0.61	3.41	0.85
H+V	92	0.75	12.29	9.40	2.59	5.42	0.06	0.21	0.44	0.49	9.99	1.82	3.78	0.81
H+V	93	0.31	10.17	6.33	4.13	3.36	0.03	0.41	0.33	0.15	6.93	3.36	2.03	0.68
H+V	94	0.37	11.31	6.07	1.03	3.48	0.03	0.09	0.31	0.19	7.03	0.80	2.12	0.62
H+V	95	0.62	13.23	9.37	3.95	5.18	0.05	0.30	0.39	0.36	10.07	2.94	3.55	0.76
V	96	0.08	2.49	1.80	0.13	1.11	0.03	0.05	0.45	0.05	1.96	0.09	0.78	0.79
V	97	0.08	2.49	1.80	0.13	1.11	0.03	0.05	0.45	0.05	1.96	0.09	0.78	0.79
V	98	0.06	2.21	0.97	0.41	0.65	0.03	0.19	0.29	0.04	1.10	0.30	0.45	0.50
V	99	0.06	2.16	0.87	0.29	0.49	0.03	0.13	0.23	0.04	1.03	0.22	0.29	0.48
V	100	0.05	2.30	1.25	0.15	0.69	0.02	0.07	0.30	0.03	1.40	0.11	0.45	0.61
V	101	0.08	2.34	1.33	0.44	0.94	0.03	0.19	0.40	0.05	1.47	0.33	0.65	0.63
V	102	0.06	2.46	1.62	0.09	0.92	0.02	0.04	0.37	0.04	1.78	0.06	0.63	0.72
V	103	0.06	2.16	0.87	0.29	0.49	0.03	0.13	0.23	0.04	1.03	0.22	0.29	0.48
V	104	0.06	2.46	1.62	0.09	0.92	0.02	0.04	0.37	0.04	1.78	0.06	0.63	0.72
V	105	0.06	2.21	0.97	0.41	0.65	0.03	0.19	0.29	0.04	1.10	0.30	0.45	0.50
V	106	0.06	2.46	1.62	0.09	0.92	0.02	0.04	0.37	0.04	1.78	0.06	0.63	0.72
V	107	0.08	2.49	1.80	0.13	1.11	0.03	0.05	0.45	0.05	1.96	0.09	0.78	0.79
V	108	0.08	2.34	1.33	0.44	0.94	0.03	0.19	0.40	0.05	1.47	0.33	0.65	0.63
V	109	0.06	2.16	0.87	0.29	0.49	0.03	0.13	0.23	0.04	1.03	0.22	0.29	0.48
V	110	0.05	2.30	1.25	0.15	0.69	0.02	0.07	0.30	0.03	1.40	0.11	0.45	0.61
V	111	0.08	2.34	1.33	0.44	0.94	0.03	0.19	0.40	0.05	1.47	0.33	0.65	0.63
V	112	0.06	2.16	0.87	0.29	0.49	0.03	0.13	0.23	0.04	1.03	0.22	0.29	0.48
V	113	0.10	2.49	1.79	0.25	1.21	0.04	0.10	0.49	0.05	1.95	0.18	0.85	0.78
H	114	0.13	2.19	1.66	0.42	0.82	0.06	0.19	0.37	0.09	1.76	0.27	0.55	0.80
H	115	0.09	2.45	1.52	0.12	0.91	0.04	0.05	0.37	0.06	1.66	0.09	0.63	0.68
H	116	0.10	2.17	1.66	0.63	0.74	0.05	0.29	0.34	0.06	1.74	0.43	0.47	0.80
H	117	0.06	2.15	1.47	0.69	0.67	0.03	0.32	0.31	0.03	1.56	0.48	0.43	0.73
H	118	0.04	2.23	1.27	0.56	0.51	0.02	0.25	0.23	0.02	1.41	0.40	0.31	0.63

H	119	0.13	2.19	1.66	0.42	0.82	0.06	0.19	0.37	0.09	1.76	0.27	0.55	0.80
H	120	0.05	2.38	1.28	0.32	0.71	0.02	0.13	0.30	0.03	1.45	0.24	0.49	0.61
H	121	0.06	2.15	1.47	0.69	0.67	0.03	0.32	0.31	0.03	1.56	0.48	0.43	0.73
H	122	0.05	2.38	1.28	0.32	0.71	0.02	0.13	0.30	0.03	1.45	0.24	0.49	0.61
H	123	0.10	2.17	1.66	0.63	0.74	0.05	0.29	0.34	0.06	1.74	0.43	0.47	0.80
H	124	0.05	2.38	1.28	0.32	0.71	0.02	0.13	0.30	0.03	1.45	0.24	0.49	0.61
H	125	0.09	2.45	1.52	0.12	0.91	0.04	0.05	0.37	0.06	1.66	0.09	0.63	0.68
H	126	0.13	2.19	1.66	0.42	0.82	0.06	0.19	0.37	0.09	1.76	0.27	0.55	0.80
H	127	0.06	2.15	1.47	0.69	0.67	0.03	0.32	0.31	0.03	1.56	0.48	0.43	0.73
H	128	0.04	2.23	1.27	0.56	0.51	0.02	0.25	0.23	0.02	1.41	0.40	0.31	0.63
H	129	0.13	2.19	1.66	0.42	0.82	0.06	0.19	0.37	0.09	1.76	0.27	0.55	0.80
H	130	0.04	2.23	1.27	0.56	0.51	0.02	0.25	0.23	0.02	1.41	0.40	0.31	0.63
H	131	0.14	2.19	1.63	0.18	0.94	0.06	0.08	0.43	0.10	1.75	0.11	0.66	0.80
H+V	132	0.39	5.76	4.64	0.83	2.37	0.07	0.14	0.41	0.25	4.92	0.56	1.57	0.85
H+V	133	0.27	6.62	4.60	0.35	2.45	0.04	0.05	0.37	0.18	4.98	0.26	1.61	0.75
H+V	134	0.28	5.45	3.68	1.58	2.21	0.05	0.29	0.41	0.17	3.90	1.12	1.51	0.72
H+V	135	0.15	5.45	2.78	1.44	1.72	0.03	0.26	0.32	0.10	3.15	1.04	1.19	0.58
H+V	136	0.11	6.04	3.09	1.03	1.60	0.02	0.17	0.26	0.07	3.52	0.75	1.03	0.58
H+V	137	0.40	5.69	4.17	1.35	2.47	0.07	0.24	0.43	0.24	4.45	0.94	1.65	0.78
H+V	138	0.16	6.64	4.16	0.61	2.17	0.02	0.09	0.33	0.10	4.56	0.45	1.40	0.69
H+V	139	0.15	5.45	2.78	1.44	1.72	0.03	0.26	0.32	0.10	3.15	1.04	1.19	0.58
H+V	140	0.16	6.64	4.16	0.61	2.17	0.02	0.09	0.33	0.10	4.56	0.45	1.40	0.69
H+V	141	0.28	5.45	3.68	1.58	2.21	0.05	0.29	0.41	0.17	3.90	1.12	1.51	0.72
H+V	142	0.16	6.64	4.16	0.61	2.17	0.02	0.09	0.33	0.10	4.56	0.45	1.40	0.69
H+V	143	0.27	6.62	4.60	0.35	2.45	0.04	0.05	0.37	0.18	4.98	0.26	1.61	0.75
H+V	144	0.40	5.69	4.17	1.35	2.47	0.07	0.24	0.43	0.24	4.45	0.94	1.65	0.78
H+V	145	0.15	5.45	2.78	1.44	1.72	0.03	0.26	0.32	0.10	3.15	1.04	1.19	0.58
H+V	146	0.11	6.04	3.09	1.03	1.60	0.02	0.17	0.26	0.07	3.52	0.75	1.03	0.58
H+V	147	0.40	5.69	4.17	1.35	2.47	0.07	0.24	0.43	0.24	4.45	0.94	1.65	0.78
H+V	148	0.18	5.74	3.61	1.47	2.03	0.03	0.26	0.35	0.10	3.96	1.06	1.37	0.69
H+V	149	0.41	5.33	3.69	0.95	2.28	0.08	0.18	0.43	0.25	3.97	0.66	1.55	0.74
V	150	0.03	1.19	0.61	0.14	0.37	0.03	0.12	0.31	0.02	0.70	0.10	0.25	0.59
V	151	0.06	1.26	0.74	0.13	0.48	0.05	0.10	0.38	0.04	0.82	0.10	0.32	0.65
H	152	0.03	1.17	0.84	0.23	0.35	0.03	0.20	0.30	0.02	0.90	0.15	0.21	0.77
H	153	0.06	1.12	0.66	0.15	0.39	0.05	0.13	0.35	0.04	0.74	0.10	0.28	0.66
H+V	154	0.07	3.37	2.16	0.44	1.09	0.02	0.13	0.32	0.04	2.38	0.30	0.70	0.71
H+V	155	0.21	2.92	1.77	0.48	0.99	0.07	0.16	0.34	0.13	1.95	0.35	0.67	0.67

Table 2-9 Simulated averaged PD over 4 [cm²] area on Plane B Module - n258 Mid Channel.

PD Simulation (W/m ²)		Mid channel												
		2mm					8.75%	41.18%	59.87%	5mm				88.41%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.36	6.03	4.67	0.28	3.61	0.06	0.05	0.60	0.26	4.96	0.21	2.73	0.82
V	1	0.26	5.73	4.33	0.14	3.15	0.05	0.02	0.55	0.17	4.62	0.10	2.36	0.81
V	2	0.22	6.05	3.42	1.55	2.22	0.04	0.26	0.37	0.14	3.88	1.24	1.53	0.64
V	3	0.17	4.73	2.59	1.50	1.25	0.04	0.32	0.26	0.10	2.95	1.27	0.81	0.62
V	4	0.25	5.70	3.80	0.14	1.82	0.04	0.02	0.32	0.09	4.21	0.11	1.15	0.74
V	5	0.28	6.28	4.71	0.94	3.32	0.04	0.15	0.53	0.19	5.06	0.66	2.45	0.81
V	6	0.15	6.30	4.64	0.12	2.54	0.02	0.02	0.40	0.09	5.00	0.08	1.83	0.79
V	7	0.19	5.65	3.61	1.30	2.08	0.03	0.23	0.37	0.12	3.99	1.07	1.49	0.71
V	8	0.30	3.43	1.95	0.30	1.17	0.09	0.09	0.34	0.10	2.17	0.24	0.80	0.63
V	9	0.24	6.38	4.42	1.46	2.85	0.04	0.23	0.45	0.17	4.79	1.12	2.07	0.75
V	10	0.15	6.08	4.33	0.10	2.11	0.02	0.02	0.35	0.07	4.71	0.06	1.44	0.77
V	11	0.19	5.96	4.36	0.22	2.59	0.03	0.04	0.43	0.10	4.67	0.16	1.88	0.78
V	12	0.26	5.02	3.27	0.67	2.54	0.05	0.13	0.51	0.17	3.52	0.53	1.89	0.70
V	13	0.18	4.91	2.77	1.34	1.53	0.04	0.27	0.31	0.10	3.08	1.11	1.04	0.63
V	14	0.34	4.78	2.82	0.25	1.58	0.07	0.05	0.33	0.11	3.17	0.20	0.94	0.66
V	15	0.25	5.81	4.06	1.10	2.86	0.04	0.19	0.49	0.17	4.38	0.80	2.17	0.75
H	16	0.29	6.19	4.71	0.31	3.39	0.05	0.05	0.55	0.21	5.02	0.20	2.52	0.81
H	17	0.27	5.59	4.30	0.44	3.30	0.05	0.08	0.59	0.20	4.55	0.35	2.46	0.81
H	18	0.16	5.51	3.64	1.31	1.71	0.03	0.24	0.31	0.10	3.96	0.93	1.17	0.72
H	19	0.13	4.88	2.80	1.88	1.16	0.03	0.39	0.24	0.06	3.10	1.57	0.55	0.64
H	20	0.20	6.90	3.93	0.42	2.59	0.03	0.06	0.38	0.11	4.47	0.26	1.65	0.65
H	21	0.15	5.90	4.55	0.89	2.23	0.03	0.15	0.38	0.10	4.87	0.53	1.55	0.83
H	22	0.25	5.91	4.80	0.65	3.13	0.04	0.11	0.53	0.17	5.07	0.48	2.36	0.86
H	23	0.11	5.03	3.30	1.88	1.31	0.02	0.37	0.26	0.06	3.66	1.47	0.82	0.73
H	24	0.19	6.52	3.32	0.41	1.77	0.03	0.06	0.27	0.10	3.88	0.29	0.89	0.60
H	25	0.15	6.08	4.52	1.75	1.82	0.02	0.29	0.30	0.09	4.86	1.17	1.24	0.80
H	26	0.21	5.92	4.57	0.68	2.62	0.04	0.11	0.44	0.14	4.89	0.48	1.89	0.83
H	27	0.29	5.91	4.85	0.41	3.18	0.05	0.07	0.54	0.18	5.10	0.32	2.32	0.86
H	28	0.19	6.21	4.67	0.54	2.74	0.03	0.09	0.44	0.13	5.02	0.31	1.98	0.81
H	29	0.11	5.03	3.05	1.91	1.28	0.02	0.38	0.25	0.06	3.38	1.58	0.71	0.67
H	30	0.16	6.19	3.08	0.41	1.87	0.03	0.07	0.30	0.08	3.59	0.25	1.05	0.58
H	31	0.15	6.19	4.72	1.04	2.25	0.02	0.17	0.36	0.09	5.05	0.63	1.55	0.82
H+V	32	1.26	14.84	12.21	0.75	7.93	0.08	0.05	0.53	0.89	12.86	0.56	5.65	0.87
H+V	33	0.98	13.87	11.40	0.71	7.51	0.07	0.05	0.54	0.70	11.90	0.56	5.33	0.86
H+V	34	0.53	16.56	10.56	4.93	5.74	0.03	0.30	0.35	0.32	11.65	3.91	3.76	0.70

H+V	35	0.56	15.67	8.76	6.20	4.45	0.04	0.40	0.28	0.29	9.84	5.20	2.45	0.63
H+V	36	0.78	18.98	12.17	0.70	7.31	0.04	0.04	0.39	0.36	13.50	0.48	4.74	0.71
H+V	37	0.78	14.97	12.28	2.80	7.36	0.05	0.19	0.49	0.51	12.93	1.75	5.19	0.86
H+V	38	0.70	16.23	13.54	0.78	7.63	0.04	0.05	0.47	0.40	14.19	0.58	5.50	0.87
H+V	39	0.45	15.12	9.80	5.27	5.33	0.03	0.35	0.35	0.26	10.67	4.26	3.43	0.71
H+V	40	0.86	14.82	8.24	1.04	4.92	0.06	0.07	0.33	0.33	9.39	0.82	2.65	0.63
H+V	41	0.64	17.16	12.87	5.20	6.99	0.04	0.30	0.41	0.41	13.67	3.76	4.79	0.80
H+V	42	0.66	16.90	13.32	0.94	6.66	0.04	0.06	0.39	0.34	14.10	0.68	4.83	0.83
H+V	43	0.87	15.27	12.95	0.77	7.31	0.06	0.05	0.48	0.49	13.50	0.59	5.16	0.88
H+V	44	0.83	13.03	10.34	1.99	6.47	0.06	0.15	0.50	0.53	10.83	1.32	4.66	0.83
H+V	45	0.50	15.08	9.09	5.79	4.74	0.03	0.38	0.31	0.25	10.09	4.79	3.00	0.67
H+V	46	0.87	16.73	9.19	0.81	5.98	0.05	0.05	0.36	0.34	10.52	0.57	3.51	0.63
H+V	47	0.69	15.13	11.84	3.53	6.72	0.05	0.23	0.44	0.43	12.48	2.36	4.76	0.82
V	48	0.28	5.10	3.70	0.14	2.92	0.05	0.03	0.57	0.20	3.98	0.10	2.20	0.78
V	49	0.30	5.46	4.05	0.22	3.02	0.05	0.04	0.55	0.20	4.34	0.17	2.30	0.79
V	50	0.19	5.14	3.18	1.18	2.09	0.04	0.23	0.41	0.13	3.56	0.92	1.48	0.69
V	51	0.14	3.80	2.13	1.09	1.04	0.04	0.29	0.27	0.08	2.42	0.91	0.69	0.64
V	52	0.14	4.69	3.04	0.22	1.56	0.03	0.05	0.33	0.07	3.39	0.18	1.02	0.72
V	53	0.25	5.84	4.00	1.06	2.86	0.04	0.18	0.49	0.18	4.36	0.81	2.11	0.75
V	54	0.16	5.69	4.07	0.09	2.28	0.03	0.02	0.40	0.11	4.43	0.06	1.67	0.78
V	55	0.16	4.58	2.75	1.20	1.53	0.03	0.26	0.33	0.10	3.04	0.97	1.05	0.66
V	56	0.17	3.60	1.84	0.33	1.17	0.05	0.09	0.33	0.07	2.10	0.27	0.76	0.58
V	57	0.21	5.81	3.70	1.42	2.32	0.04	0.24	0.40	0.15	4.10	1.10	1.64	0.71
V	58	0.13	5.21	3.72	0.15	1.89	0.02	0.03	0.36	0.08	4.08	0.12	1.26	0.78
V	59	0.20	5.59	4.01	0.22	2.44	0.04	0.04	0.44	0.12	4.37	0.15	1.76	0.78
V	60	0.25	5.39	3.75	0.96	2.83	0.05	0.18	0.53	0.17	4.09	0.77	2.07	0.76
V	61	0.14	3.80	2.13	1.09	1.04	0.04	0.29	0.27	0.08	2.42	0.91	0.69	0.64
V	62	0.17	4.03	2.36	0.36	1.25	0.04	0.09	0.31	0.07	2.71	0.30	0.78	0.67
V	63	0.25	6.13	4.06	1.38	2.83	0.04	0.23	0.46	0.18	4.46	1.07	2.07	0.73
H	64	0.26	5.39	4.06	0.31	2.77	0.05	0.06	0.51	0.19	4.33	0.18	2.08	0.80
H	65	0.25	4.48	3.35	0.44	2.55	0.06	0.10	0.57	0.19	3.52	0.35	1.92	0.79
H	66	0.16	5.40	3.97	1.32	1.82	0.03	0.24	0.34	0.10	4.27	0.88	1.27	0.79
H	67	0.09	4.25	2.61	1.75	1.06	0.02	0.41	0.25	0.04	2.84	1.43	0.54	0.67
H	68	0.12	5.27	2.78	0.56	1.61	0.02	0.11	0.31	0.08	3.20	0.34	1.06	0.61
H	69	0.16	5.22	3.69	0.84	1.84	0.03	0.16	0.35	0.10	4.03	0.53	1.30	0.77
H	70	0.17	4.86	3.52	0.60	2.25	0.03	0.12	0.46	0.12	3.77	0.47	1.63	0.78
H	71	0.08	4.22	2.59	1.69	1.00	0.02	0.40	0.24	0.05	2.82	1.35	0.61	0.67
H	72	0.11	5.05	2.12	0.44	1.27	0.02	0.09	0.25	0.06	2.51	0.34	0.72	0.50
H	73	0.13	5.13	3.60	1.55	1.44	0.03	0.30	0.28	0.08	3.89	1.08	0.97	0.76
H	74	0.13	4.70	3.24	0.69	1.83	0.03	0.15	0.39	0.09	3.54	0.53	1.21	0.75
H	75	0.21	4.85	3.68	0.41	2.39	0.04	0.08	0.49	0.16	3.90	0.34	1.70	0.80
H	76	0.20	5.74	4.24	0.65	2.40	0.03	0.11	0.42	0.14	4.55	0.37	1.80	0.79

H	77	0.09	4.25	2.61	1.75	1.06	0.02	0.41	0.25	0.04	2.84	1.43	0.54	0.67
H	78	0.11	4.66	2.78	0.53	1.32	0.02	0.11	0.28	0.07	3.03	0.31	0.85	0.65
H	79	0.16	5.39	3.81	1.03	1.76	0.03	0.19	0.33	0.10	4.13	0.67	1.28	0.77
H+V	80	1.05	12.34	10.01	0.62	6.37	0.09	0.05	0.52	0.74	10.54	0.40	4.58	0.85
H+V	81	1.01	11.77	9.78	0.91	6.66	0.09	0.08	0.57	0.72	10.15	0.73	4.77	0.86
H+V	82	0.54	14.52	10.33	4.28	5.58	0.04	0.29	0.38	0.34	11.18	3.19	3.82	0.77
H+V	83	0.41	12.40	7.28	4.99	3.61	0.03	0.40	0.29	0.20	8.11	4.07	2.12	0.65
H+V	84	0.45	14.79	8.99	0.90	4.98	0.03	0.06	0.34	0.25	10.10	0.60	3.27	0.68
H+V	85	0.71	13.44	10.05	3.15	5.89	0.05	0.23	0.44	0.46	10.70	2.21	4.23	0.80
H+V	86	0.56	13.85	10.81	0.92	5.92	0.04	0.07	0.43	0.38	11.45	0.73	4.13	0.83
H+V	87	0.41	12.69	7.88	4.90	3.89	0.03	0.39	0.31	0.21	8.70	3.97	2.45	0.69
H+V	88	0.47	12.07	6.34	1.10	3.78	0.04	0.09	0.31	0.21	7.26	0.90	2.28	0.60
H+V	89	0.55	14.91	10.43	5.00	5.47	0.04	0.34	0.37	0.34	11.30	3.81	3.75	0.76
H+V	90	0.45	13.81	10.17	1.28	4.88	0.03	0.09	0.35	0.27	10.98	1.03	3.31	0.80
H+V	91	0.77	13.15	10.55	0.75	5.79	0.06	0.06	0.44	0.51	11.11	0.61	4.02	0.84
H+V	92	0.80	13.78	10.86	2.57	6.59	0.06	0.19	0.48	0.53	11.47	1.74	4.77	0.83
H+V	93	0.41	12.40	7.28	4.99	3.61	0.03	0.40	0.29	0.20	8.11	4.07	2.12	0.65
H+V	94	0.43	13.14	7.15	0.95	3.87	0.03	0.07	0.29	0.20	8.28	0.63	2.41	0.63
H+V	95	0.64	15.09	10.84	4.12	6.20	0.04	0.27	0.41	0.40	11.59	3.04	4.34	0.77
V	96	0.11	2.83	2.06	0.16	1.38	0.04	0.06	0.49	0.06	2.22	0.10	0.99	0.78
V	97	0.11	2.83	2.06	0.16	1.38	0.04	0.06	0.49	0.06	2.22	0.10	0.99	0.78
V	98	0.07	2.42	1.07	0.48	0.82	0.03	0.20	0.34	0.05	1.23	0.37	0.59	0.51
V	99	0.05	2.36	0.98	0.32	0.51	0.02	0.14	0.22	0.03	1.16	0.24	0.31	0.49
V	100	0.05	2.52	1.40	0.15	0.77	0.02	0.06	0.31	0.03	1.57	0.12	0.51	0.62
V	101	0.09	2.64	1.57	0.55	1.24	0.03	0.21	0.47	0.07	1.71	0.41	0.88	0.65
V	102	0.08	2.73	1.80	0.08	1.09	0.03	0.03	0.40	0.04	1.98	0.05	0.76	0.73
V	103	0.05	2.36	0.98	0.32	0.51	0.02	0.14	0.22	0.03	1.16	0.24	0.31	0.49
V	104	0.08	2.73	1.80	0.08	1.09	0.03	0.03	0.40	0.04	1.98	0.05	0.76	0.73
V	105	0.07	2.42	1.07	0.48	0.82	0.03	0.20	0.34	0.05	1.23	0.37	0.59	0.51
V	106	0.08	2.73	1.80	0.08	1.09	0.03	0.03	0.40	0.04	1.98	0.05	0.76	0.73
V	107	0.11	2.83	2.06	0.16	1.38	0.04	0.06	0.49	0.06	2.22	0.10	0.99	0.78
V	108	0.09	2.64	1.57	0.55	1.24	0.03	0.21	0.47	0.07	1.71	0.41	0.88	0.65
V	109	0.05	2.36	0.98	0.32	0.51	0.02	0.14	0.22	0.03	1.16	0.24	0.31	0.49
V	110	0.05	2.52	1.40	0.15	0.77	0.02	0.06	0.31	0.03	1.57	0.12	0.51	0.62
V	111	0.09	2.64	1.57	0.55	1.24	0.03	0.21	0.47	0.07	1.71	0.41	0.88	0.65
V	112	0.05	2.36	0.98	0.32	0.51	0.02	0.14	0.22	0.03	1.16	0.24	0.31	0.49
V	113	0.13	2.86	2.13	0.33	1.57	0.05	0.12	0.55	0.06	2.28	0.24	1.12	0.80
H	114	0.16	2.75	1.98	0.57	1.05	0.06	0.21	0.38	0.11	2.13	0.39	0.74	0.77
H	115	0.10	2.87	1.79	0.18	1.04	0.03	0.06	0.36	0.08	1.96	0.13	0.72	0.68
H	116	0.11	2.72	1.96	0.85	0.85	0.04	0.31	0.31	0.07	2.09	0.60	0.54	0.77
H	117	0.07	2.64	1.76	0.93	0.72	0.03	0.35	0.27	0.04	1.87	0.67	0.44	0.71
H	118	0.04	2.63	1.45	0.76	0.57	0.02	0.29	0.22	0.02	1.63	0.57	0.33	0.62

H	119	0.16	2.75	1.98	0.57	1.05	0.06	0.21	0.38	0.11	2.13	0.39	0.74	0.77
H	120	0.05	2.76	1.50	0.46	0.74	0.02	0.17	0.27	0.04	1.69	0.34	0.51	0.61
H	121	0.07	2.64	1.76	0.93	0.72	0.03	0.35	0.27	0.04	1.87	0.67	0.44	0.71
H	122	0.05	2.76	1.50	0.46	0.74	0.02	0.17	0.27	0.04	1.69	0.34	0.51	0.61
H	123	0.11	2.72	1.96	0.85	0.85	0.04	0.31	0.31	0.07	2.09	0.60	0.54	0.77
H	124	0.05	2.76	1.50	0.46	0.74	0.02	0.17	0.27	0.04	1.69	0.34	0.51	0.61
H	125	0.10	2.87	1.79	0.18	1.04	0.03	0.06	0.36	0.08	1.96	0.13	0.72	0.68
H	126	0.16	2.75	1.98	0.57	1.05	0.06	0.21	0.38	0.11	2.13	0.39	0.74	0.77
H	127	0.07	2.64	1.76	0.93	0.72	0.03	0.35	0.27	0.04	1.87	0.67	0.44	0.71
H	128	0.04	2.63	1.45	0.76	0.57	0.02	0.29	0.22	0.02	1.63	0.57	0.33	0.62
H	129	0.16	2.75	1.98	0.57	1.05	0.06	0.21	0.38	0.11	2.13	0.39	0.74	0.77
H	130	0.04	2.63	1.45	0.76	0.57	0.02	0.29	0.22	0.02	1.63	0.57	0.33	0.62
H	131	0.17	2.74	1.99	0.26	1.24	0.06	0.09	0.45	0.12	2.15	0.16	0.89	0.78
H+V	132	0.51	6.70	5.38	0.95	2.92	0.08	0.14	0.44	0.30	5.72	0.66	1.95	0.85
H+V	133	0.35	7.62	5.39	0.42	2.97	0.05	0.06	0.39	0.22	5.80	0.31	1.98	0.76
H+V	134	0.27	6.21	4.10	1.91	2.39	0.04	0.31	0.38	0.17	4.36	1.38	1.61	0.70
H+V	135	0.15	6.17	3.08	1.75	1.81	0.02	0.28	0.29	0.09	3.47	1.29	1.21	0.56
H+V	136	0.10	6.71	3.41	1.22	1.69	0.01	0.18	0.25	0.06	3.86	0.92	1.08	0.58
H+V	137	0.43	6.51	4.71	1.60	2.85	0.07	0.25	0.44	0.26	5.03	1.13	1.92	0.77
H+V	138	0.19	7.46	4.69	0.68	2.41	0.03	0.09	0.32	0.12	5.14	0.52	1.59	0.69
H+V	139	0.15	6.17	3.08	1.75	1.81	0.02	0.28	0.29	0.09	3.47	1.29	1.21	0.56
H+V	140	0.19	7.46	4.69	0.68	2.41	0.03	0.09	0.32	0.12	5.14	0.52	1.59	0.69
H+V	141	0.27	6.21	4.10	1.91	2.39	0.04	0.31	0.38	0.17	4.36	1.38	1.61	0.70
H+V	142	0.19	7.46	4.69	0.68	2.41	0.03	0.09	0.32	0.12	5.14	0.52	1.59	0.69
H+V	143	0.35	7.62	5.39	0.42	2.97	0.05	0.06	0.39	0.22	5.80	0.31	1.98	0.76
H+V	144	0.43	6.51	4.71	1.60	2.85	0.07	0.25	0.44	0.26	5.03	1.13	1.92	0.77
H+V	145	0.15	6.17	3.08	1.75	1.81	0.02	0.28	0.29	0.09	3.47	1.29	1.21	0.56
H+V	146	0.10	6.71	3.41	1.22	1.69	0.01	0.18	0.25	0.06	3.86	0.92	1.08	0.58
H+V	147	0.43	6.51	4.71	1.60	2.85	0.07	0.25	0.44	0.26	5.03	1.13	1.92	0.77
H+V	148	0.20	6.49	4.19	1.83	2.39	0.03	0.28	0.37	0.12	4.51	1.33	1.61	0.69
H+V	149	0.45	6.06	4.22	1.10	2.86	0.07	0.18	0.47	0.28	4.53	0.77	1.97	0.75
V	150	0.03	1.35	0.71	0.17	0.47	0.02	0.13	0.35	0.02	0.81	0.12	0.32	0.60
V	151	0.06	1.41	0.84	0.14	0.58	0.04	0.10	0.41	0.03	0.93	0.11	0.39	0.66
H	152	0.04	1.39	0.97	0.30	0.42	0.03	0.22	0.30	0.03	1.05	0.21	0.26	0.76
H	153	0.06	1.38	0.79	0.21	0.50	0.04	0.15	0.36	0.04	0.89	0.16	0.36	0.64
H+V	154	0.11	3.83	2.48	0.55	1.27	0.03	0.14	0.33	0.06	2.73	0.37	0.83	0.71
H+V	155	0.21	3.41	2.04	0.57	1.16	0.06	0.17	0.34	0.14	2.27	0.43	0.82	0.67

Table 2-10 Simulated averaged *PD* over 4 [cm²] area on Plane B Module - n258 High Channel.

PD Simulation (W/m ²)		High channel												
		2mm					8.51%	42.79%	60.79%	5mm				87.98%
		S1	S2	S2	S3	S5	S1/S2	S3/S2	S5/S2	S1	S2	S3	S5	S2/S2
Pol	Beam ID	Front	Back	Back (CB)	Left	Top				Front	Back	Left	Top	5mm/2 mm
V	0	0.33	6.66	4.92	0.31	4.00	0.05	0.05	0.60	0.27	5.28	0.23	3.03	0.79
V	1	0.26	6.18	4.58	0.21	3.55	0.04	0.03	0.57	0.17	4.91	0.15	2.68	0.79
V	2	0.22	6.13	3.61	1.58	2.27	0.04	0.26	0.37	0.13	4.05	1.26	1.56	0.66
V	3	0.15	4.72	2.62	1.46	1.05	0.03	0.31	0.22	0.09	3.02	1.23	0.63	0.64
V	4	0.16	4.90	3.40	0.25	1.56	0.03	0.05	0.32	0.07	3.78	0.19	1.02	0.77
V	5	0.32	6.41	4.87	0.99	3.47	0.05	0.15	0.54	0.23	5.18	0.67	2.52	0.81
V	6	0.18	6.37	4.71	0.16	2.87	0.03	0.03	0.45	0.10	5.06	0.11	2.11	0.79
V	7	0.18	5.57	3.64	1.31	1.93	0.03	0.24	0.35	0.11	4.00	1.06	1.38	0.72
V	8	0.28	3.29	1.78	0.39	1.10	0.09	0.12	0.33	0.09	2.03	0.30	0.77	0.62
V	9	0.25	6.43	4.51	1.51	2.84	0.04	0.23	0.44	0.16	4.85	1.13	2.04	0.75
V	10	0.15	5.84	4.17	0.14	2.24	0.03	0.02	0.38	0.07	4.55	0.09	1.53	0.78
V	11	0.23	6.08	4.44	0.20	2.95	0.04	0.03	0.49	0.12	4.74	0.14	2.18	0.78
V	12	0.29	5.28	3.58	0.74	2.86	0.05	0.14	0.54	0.21	3.83	0.51	2.14	0.73
V	13	0.15	4.78	2.78	1.28	1.54	0.03	0.27	0.32	0.09	3.11	1.05	1.07	0.65
V	14	0.28	4.27	2.56	0.35	1.37	0.07	0.08	0.32	0.09	2.93	0.27	0.83	0.69
V	15	0.28	5.90	4.24	1.19	2.99	0.05	0.20	0.51	0.20	4.54	0.84	2.27	0.77
H	16	0.27	6.74	5.10	0.32	3.89	0.04	0.05	0.58	0.21	5.45	0.22	2.91	0.81
H	17	0.31	6.02	4.57	0.51	3.65	0.05	0.08	0.61	0.21	4.85	0.40	2.73	0.81
H	18	0.18	5.86	4.00	1.36	2.04	0.03	0.23	0.35	0.11	4.33	0.95	1.45	0.74
H	19	0.15	5.18	3.17	2.05	1.13	0.03	0.40	0.22	0.07	3.49	1.69	0.57	0.67
H	20	0.22	6.99	4.09	0.49	2.46	0.03	0.07	0.35	0.12	4.62	0.31	1.56	0.66
H	21	0.15	6.11	4.60	0.83	2.59	0.02	0.14	0.42	0.10	4.94	0.49	1.82	0.81
H	22	0.32	5.97	4.86	0.69	3.18	0.05	0.12	0.53	0.19	5.12	0.50	2.38	0.86
H	23	0.12	5.18	3.50	2.15	1.37	0.02	0.42	0.26	0.07	3.81	1.66	0.87	0.74
H	24	0.17	7.32	3.51	0.62	1.79	0.02	0.08	0.24	0.09	4.08	0.46	0.86	0.56
H	25	0.15	6.12	4.56	1.82	1.99	0.02	0.30	0.33	0.08	4.88	1.20	1.39	0.80
H	26	0.25	5.88	4.62	0.70	2.58	0.04	0.12	0.44	0.15	4.93	0.49	1.85	0.84
H	27	0.36	6.04	4.94	0.43	3.31	0.06	0.07	0.55	0.21	5.19	0.34	2.36	0.86
H	28	0.19	6.61	4.94	0.49	3.23	0.03	0.07	0.49	0.14	5.31	0.28	2.37	0.80
H	29	0.10	5.29	3.44	2.16	1.25	0.02	0.41	0.24	0.06	3.77	1.76	0.71	0.71
H	30	0.15	6.57	3.23	0.52	1.79	0.02	0.08	0.27	0.08	3.76	0.33	0.97	0.57
H	31	0.15	6.45	4.82	1.00	2.66	0.02	0.16	0.41	0.09	5.17	0.61	1.85	0.80
H+V	32	1.15	15.59	12.73	0.72	8.93	0.07	0.05	0.57	0.90	13.41	0.55	6.41	0.86
H+V	33	1.06	14.25	11.68	0.98	8.40	0.07	0.07	0.59	0.70	12.20	0.74	6.00	0.86
H+V	34	0.54	16.77	11.24	4.93	5.95	0.03	0.29	0.35	0.31	12.29	3.86	4.01	0.73

H+V	35	0.48	16.58	9.51	6.53	4.09	0.03	0.39	0.25	0.28	10.67	5.51	2.21	0.64
H+V	36	0.69	18.82	12.19	0.81	6.83	0.04	0.04	0.36	0.34	13.53	0.59	4.36	0.72
H+V	37	0.82	15.74	12.78	2.76	7.79	0.05	0.18	0.49	0.55	13.45	1.66	5.47	0.85
H+V	38	0.84	16.92	14.10	0.85	8.09	0.05	0.05	0.48	0.42	14.79	0.63	5.80	0.87
H+V	39	0.40	15.85	10.29	5.48	5.27	0.03	0.35	0.33	0.23	11.20	4.41	3.41	0.71
H+V	40	0.79	15.82	8.56	1.66	4.74	0.05	0.10	0.30	0.31	9.88	1.31	2.43	0.62
H+V	41	0.65	17.71	13.43	5.29	7.17	0.04	0.30	0.40	0.39	14.14	3.71	4.95	0.80
H+V	42	0.67	17.10	13.65	0.95	6.89	0.04	0.06	0.40	0.33	14.37	0.68	4.89	0.84
H+V	43	1.05	15.89	13.43	0.82	7.96	0.07	0.05	0.50	0.55	13.98	0.62	5.56	0.88
H+V	44	0.86	13.93	10.83	1.95	7.10	0.06	0.14	0.51	0.61	11.38	1.23	5.21	0.82
H+V	45	0.41	15.66	9.69	5.93	4.50	0.03	0.38	0.29	0.21	10.68	4.93	2.83	0.68
H+V	46	0.77	17.07	9.33	0.91	5.61	0.05	0.05	0.33	0.31	10.76	0.64	3.20	0.63
H+V	47	0.71	16.04	12.42	3.56	7.16	0.04	0.22	0.45	0.47	13.07	2.30	5.13	0.81
V	48	0.26	5.52	3.92	0.16	3.19	0.05	0.03	0.58	0.21	4.23	0.10	2.43	0.77
V	49	0.28	5.96	4.36	0.26	3.37	0.05	0.04	0.57	0.20	4.68	0.19	2.58	0.79
V	50	0.19	5.13	3.36	1.23	2.20	0.04	0.24	0.43	0.13	3.70	0.93	1.56	0.72
V	51	0.11	3.88	2.19	1.06	0.93	0.03	0.27	0.24	0.06	2.49	0.86	0.60	0.64
V	52	0.09	4.32	2.92	0.28	1.44	0.02	0.06	0.33	0.05	3.26	0.21	0.95	0.75
V	53	0.28	5.89	4.12	1.07	2.94	0.05	0.18	0.50	0.19	4.47	0.77	2.17	0.76
V	54	0.16	5.74	4.15	0.11	2.59	0.03	0.02	0.45	0.10	4.50	0.07	1.91	0.78
V	55	0.15	4.59	2.78	1.18	1.39	0.03	0.26	0.30	0.08	3.07	0.97	0.95	0.67
V	56	0.13	3.69	1.86	0.32	1.15	0.04	0.09	0.31	0.06	2.15	0.26	0.78	0.58
V	57	0.22	5.75	3.79	1.43	2.28	0.04	0.25	0.40	0.14	4.14	1.10	1.61	0.72
V	58	0.11	5.05	3.67	0.20	2.09	0.02	0.04	0.41	0.07	4.00	0.15	1.43	0.79
V	59	0.20	5.73	4.14	0.19	2.76	0.03	0.03	0.48	0.13	4.47	0.13	2.01	0.78
V	60	0.27	5.58	3.96	0.95	3.06	0.05	0.17	0.55	0.19	4.30	0.67	2.26	0.77
V	61	0.11	3.88	2.19	1.06	0.93	0.03	0.27	0.24	0.06	2.49	0.86	0.60	0.64
V	62	0.13	3.86	2.32	0.36	1.10	0.03	0.09	0.28	0.05	2.69	0.29	0.69	0.70
V	63	0.26	6.13	4.18	1.40	2.91	0.04	0.23	0.47	0.18	4.54	1.03	2.13	0.74
H	64	0.25	5.82	4.34	0.31	3.18	0.04	0.05	0.55	0.19	4.64	0.18	2.40	0.80
H	65	0.24	4.71	3.52	0.51	2.80	0.05	0.11	0.59	0.19	3.71	0.40	2.11	0.79
H	66	0.14	5.68	4.21	1.35	2.12	0.02	0.24	0.37	0.10	4.52	0.88	1.54	0.80
H	67	0.08	4.58	2.95	1.96	1.03	0.02	0.43	0.22	0.05	3.21	1.59	0.54	0.70
H	68	0.10	5.51	2.92	0.64	1.56	0.02	0.12	0.28	0.06	3.35	0.39	1.00	0.61
H	69	0.16	5.48	3.81	0.81	2.15	0.03	0.15	0.39	0.10	4.18	0.51	1.57	0.76
H	70	0.16	4.90	3.59	0.61	2.24	0.03	0.12	0.46	0.12	3.83	0.49	1.61	0.78
H	71	0.10	4.57	2.91	1.89	1.03	0.02	0.41	0.23	0.07	3.16	1.51	0.69	0.69
H	72	0.08	5.71	2.20	0.64	1.24	0.01	0.11	0.22	0.04	2.60	0.50	0.69	0.46
H	73	0.13	5.38	3.80	1.61	1.65	0.02	0.30	0.31	0.07	4.09	1.12	1.17	0.76
H	74	0.11	4.74	3.33	0.73	1.78	0.02	0.15	0.38	0.08	3.62	0.54	1.13	0.76
H	75	0.22	4.99	3.80	0.40	2.51	0.04	0.08	0.50	0.16	4.03	0.33	1.77	0.81
H	76	0.20	5.98	4.42	0.63	2.79	0.03	0.11	0.47	0.15	4.74	0.35	2.12	0.79

H	77	0.08	4.58	2.95	1.96	1.03	0.02	0.43	0.22	0.05	3.21	1.59	0.54	0.70
H	78	0.10	4.98	2.75	0.62	1.34	0.02	0.12	0.27	0.07	2.99	0.37	0.89	0.60
H	79	0.16	5.72	4.01	1.02	2.10	0.03	0.18	0.37	0.10	4.35	0.66	1.57	0.76
H+V	80	0.98	12.96	10.51	0.59	7.29	0.08	0.05	0.56	0.75	11.06	0.40	5.29	0.85
H+V	81	0.95	12.19	10.16	1.05	7.41	0.08	0.09	0.61	0.69	10.55	0.80	5.34	0.87
H+V	82	0.54	14.80	10.93	4.34	5.86	0.04	0.29	0.40	0.34	11.75	3.13	4.08	0.79
H+V	83	0.34	13.18	7.89	5.30	3.32	0.03	0.40	0.25	0.18	8.79	4.34	1.92	0.67
H+V	84	0.32	15.08	9.30	1.05	4.83	0.02	0.07	0.32	0.19	10.43	0.75	3.13	0.69
H+V	85	0.75	14.11	10.61	3.08	6.29	0.05	0.22	0.45	0.50	11.25	2.08	4.56	0.80
H+V	86	0.51	14.52	11.36	0.89	6.34	0.04	0.06	0.44	0.34	11.99	0.71	4.46	0.83
H+V	87	0.34	13.48	8.49	5.19	3.73	0.03	0.39	0.28	0.17	9.37	4.20	2.32	0.70
H+V	88	0.33	12.65	6.45	1.49	3.63	0.03	0.12	0.29	0.14	7.46	1.21	2.08	0.59
H+V	89	0.55	15.51	11.11	5.10	5.67	0.04	0.33	0.37	0.33	11.97	3.81	3.92	0.77
H+V	90	0.38	14.05	10.54	1.29	5.19	0.03	0.09	0.37	0.24	11.32	1.02	3.49	0.81
H+V	91	0.74	13.76	11.06	0.67	6.44	0.05	0.05	0.47	0.51	11.63	0.53	4.46	0.85
H+V	92	0.81	14.30	11.39	2.50	7.10	0.06	0.17	0.50	0.56	11.99	1.61	5.16	0.84
H+V	93	0.34	13.18	7.89	5.30	3.32	0.03	0.40	0.25	0.18	8.79	4.34	1.92	0.67
H+V	94	0.30	13.61	7.43	1.06	3.63	0.02	0.08	0.27	0.14	8.62	0.74	2.26	0.63
H+V	95	0.66	15.74	11.51	4.12	6.57	0.04	0.26	0.42	0.43	12.26	2.94	4.66	0.78
V	96	0.11	2.98	2.09	0.19	1.50	0.04	0.06	0.50	0.06	2.27	0.12	1.08	0.76
V	97	0.11	2.98	2.09	0.19	1.50	0.04	0.06	0.50	0.06	2.27	0.12	1.08	0.76
V	98	0.07	2.39	1.13	0.52	0.81	0.03	0.22	0.34	0.05	1.30	0.40	0.60	0.54
V	99	0.05	2.41	1.07	0.35	0.53	0.02	0.15	0.22	0.03	1.28	0.27	0.33	0.53
V	100	0.05	2.67	1.49	0.18	0.84	0.02	0.07	0.31	0.03	1.70	0.14	0.58	0.64
V	101	0.09	2.65	1.65	0.60	1.29	0.03	0.23	0.49	0.06	1.77	0.46	0.93	0.67
V	102	0.08	2.88	1.85	0.10	1.18	0.03	0.03	0.41	0.04	2.06	0.06	0.84	0.72
V	103	0.05	2.41	1.07	0.35	0.53	0.02	0.15	0.22	0.03	1.28	0.27	0.33	0.53
V	104	0.08	2.88	1.85	0.10	1.18	0.03	0.03	0.41	0.04	2.06	0.06	0.84	0.72
V	105	0.07	2.39	1.13	0.52	0.81	0.03	0.22	0.34	0.05	1.30	0.40	0.60	0.54
V	106	0.08	2.88	1.85	0.10	1.18	0.03	0.03	0.41	0.04	2.06	0.06	0.84	0.72
V	107	0.11	2.98	2.09	0.19	1.50	0.04	0.06	0.50	0.06	2.27	0.12	1.08	0.76
V	108	0.09	2.65	1.65	0.60	1.29	0.03	0.23	0.49	0.06	1.77	0.46	0.93	0.67
V	109	0.05	2.41	1.07	0.35	0.53	0.02	0.15	0.22	0.03	1.28	0.27	0.33	0.53
V	110	0.05	2.67	1.49	0.18	0.84	0.02	0.07	0.31	0.03	1.70	0.14	0.58	0.64
V	111	0.09	2.65	1.65	0.60	1.29	0.03	0.23	0.49	0.06	1.77	0.46	0.93	0.67
V	112	0.05	2.41	1.07	0.35	0.53	0.02	0.15	0.22	0.03	1.28	0.27	0.33	0.53
V	113	0.12	3.02	2.23	0.39	1.70	0.04	0.13	0.56	0.06	2.38	0.27	1.23	0.79
H	114	0.14	3.08	2.13	0.57	1.29	0.05	0.19	0.42	0.10	2.31	0.39	0.94	0.75
H	115	0.10	2.98	1.89	0.24	1.10	0.03	0.08	0.37	0.07	2.04	0.17	0.77	0.68
H	116	0.09	3.01	2.07	0.89	0.95	0.03	0.30	0.32	0.07	2.24	0.64	0.65	0.74
H	117	0.05	2.87	1.85	1.01	0.68	0.02	0.35	0.24	0.03	1.99	0.76	0.42	0.69
H	118	0.03	2.76	1.52	0.87	0.53	0.01	0.32	0.19	0.02	1.70	0.66	0.30	0.62

H	119	0.14	3.08	2.13	0.57	1.29	0.05	0.19	0.42	0.10	2.31	0.39	0.94	0.75
H	120	0.05	2.84	1.54	0.56	0.73	0.02	0.20	0.26	0.03	1.73	0.42	0.49	0.61
H	121	0.05	2.87	1.85	1.01	0.68	0.02	0.35	0.24	0.03	1.99	0.76	0.42	0.69
H	122	0.05	2.84	1.54	0.56	0.73	0.02	0.20	0.26	0.03	1.73	0.42	0.49	0.61
H	123	0.09	3.01	2.07	0.89	0.95	0.03	0.30	0.32	0.07	2.24	0.64	0.65	0.74
H	124	0.05	2.84	1.54	0.56	0.73	0.02	0.20	0.26	0.03	1.73	0.42	0.49	0.61
H	125	0.10	2.98	1.89	0.24	1.10	0.03	0.08	0.37	0.07	2.04	0.17	0.77	0.68
H	126	0.14	3.08	2.13	0.57	1.29	0.05	0.19	0.42	0.10	2.31	0.39	0.94	0.75
H	127	0.05	2.87	1.85	1.01	0.68	0.02	0.35	0.24	0.03	1.99	0.76	0.42	0.69
H	128	0.03	2.76	1.52	0.87	0.53	0.01	0.32	0.19	0.02	1.70	0.66	0.30	0.62
H	129	0.14	3.08	2.13	0.57	1.29	0.05	0.19	0.42	0.10	2.31	0.39	0.94	0.75
H	130	0.03	2.76	1.52	0.87	0.53	0.01	0.32	0.19	0.02	1.70	0.66	0.30	0.62
H	131	0.16	3.06	2.18	0.24	1.50	0.05	0.08	0.49	0.12	2.36	0.15	1.09	0.77
H+V	132	0.46	7.06	5.59	0.99	3.30	0.07	0.14	0.47	0.28	5.96	0.69	2.25	0.84
H+V	133	0.35	7.84	5.55	0.51	3.21	0.04	0.07	0.41	0.22	5.96	0.37	2.15	0.76
H+V	134	0.20	6.53	4.23	2.05	2.35	0.03	0.31	0.36	0.13	4.51	1.50	1.58	0.69
H+V	135	0.13	6.46	3.16	1.91	1.68	0.02	0.30	0.26	0.07	3.57	1.43	1.10	0.55
H+V	136	0.09	7.04	3.67	1.35	1.74	0.01	0.19	0.25	0.05	4.14	1.04	1.11	0.59
H+V	137	0.34	6.83	4.88	1.69	3.07	0.05	0.25	0.45	0.21	5.21	1.19	2.11	0.76
H+V	138	0.19	7.73	4.88	0.78	2.55	0.02	0.10	0.33	0.12	5.35	0.61	1.67	0.69
H+V	139	0.13	6.46	3.16	1.91	1.68	0.02	0.30	0.26	0.07	3.57	1.43	1.10	0.55
H+V	140	0.19	7.73	4.88	0.78	2.55	0.02	0.10	0.33	0.12	5.35	0.61	1.67	0.69
H+V	141	0.20	6.53	4.23	2.05	2.35	0.03	0.31	0.36	0.13	4.51	1.50	1.58	0.69
H+V	142	0.19	7.73	4.88	0.78	2.55	0.02	0.10	0.33	0.12	5.35	0.61	1.67	0.69
H+V	143	0.35	7.84	5.55	0.51	3.21	0.04	0.07	0.41	0.22	5.96	0.37	2.15	0.76
H+V	144	0.34	6.83	4.88	1.69	3.07	0.05	0.25	0.45	0.21	5.21	1.19	2.11	0.76
H+V	145	0.13	6.46	3.16	1.91	1.68	0.02	0.30	0.26	0.07	3.57	1.43	1.10	0.55
H+V	146	0.09	7.04	3.67	1.35	1.74	0.01	0.19	0.25	0.05	4.14	1.04	1.11	0.59
H+V	147	0.34	6.83	4.88	1.69	3.07	0.05	0.25	0.45	0.21	5.21	1.19	2.11	0.76
H+V	148	0.17	6.68	4.40	2.08	2.40	0.03	0.31	0.36	0.11	4.74	1.50	1.61	0.71
H+V	149	0.36	6.31	4.38	1.15	3.16	0.06	0.18	0.50	0.23	4.67	0.80	2.22	0.74
V	150	0.04	1.38	0.77	0.22	0.51	0.03	0.16	0.37	0.03	0.88	0.16	0.35	0.64
V	151	0.05	1.42	0.86	0.13	0.60	0.04	0.09	0.42	0.03	0.95	0.09	0.41	0.67
H	152	0.04	1.47	1.01	0.32	0.44	0.03	0.22	0.30	0.03	1.08	0.23	0.28	0.73
H	153	0.05	1.52	0.86	0.22	0.59	0.03	0.14	0.39	0.04	0.97	0.18	0.43	0.64
H+V	154	0.11	3.91	2.55	0.63	1.33	0.03	0.16	0.34	0.06	2.80	0.44	0.86	0.72
H+V	155	0.17	3.56	2.14	0.60	1.25	0.05	0.17	0.35	0.11	2.38	0.45	0.93	0.67

3. References

[1] [ANSYS HFSS for Antenna Simulation](#)